

UNIVERSIDADE ESTADUAL PAULISTA - UNESP
CÂMPUS DE JABOTICABAL

DNA “BARCODING” EM *Utricularia* (Lentibulariaceae)

Michelle Mendonça Pena
Bióloga

2015

**UNIVERSIDADE ESTADUAL - UNESP
CÂMPUS DE JABOTICABAL**

DNA “BARCODING” EM *Utricularia* (Lentibulariaceae)

Michelle Mendonça Pena

Orientador: Prof. Dr. Vitor Fernandes Oliveira de Miranda

Coorientador: Prof. Dr. Alessandro de Mello Varani

Dissertação apresentada à Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias – UNESP, Câmpus de Jaboticabal, como parte das exigências para a obtenção do título de Mestre em Agronomia (Genética e Melhoramento de Plantas).

2015

P397d Pena, Michelle Mendonça
DNA "Barcoding" em *Utricularia* (Lentibulariaceae) / Michelle
Mendonça Pena. -- Jaboticabal, 2015
iv, 109 p. : il. ; 28 cm

Dissertação (mestrado) - Universidade Estadual Paulista,
Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias, 2015
Orientador: Vitor Fernandes Oliveira de Miranda
Coorientador: Alessandro de Mello Varani
Banca examinadora: Marcos Tulio de Oliveira, Yoannis Domínguez
Rodríguez
Bibliografia

1. Planta Carnívora - barcode. 2. Marcadores Moleculares. 3. DNA
cloroplastidial. 4. DNA mitocondrial. I. Título. II. Jaboticabal-
Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias.

CDU 581.137.2

Ficha catalográfica elaborada pela Seção Técnica de Aquisição e Tratamento da Informação –
Serviço Técnico de Biblioteca e Documentação - UNESP, Câmpus de Jaboticabal.



UNIVERSIDADE ESTADUAL PAULISTA
CAMPUS DE JABOTICABAL
FACULDADE DE CIÊNCIAS AGRÁRIAS E VETERINÁRIAS DE JABOTICABAL

CERTIFICADO DE APROVAÇÃO

TÍTULO: DNA "BARCODING" EM *Utricularia* (Lentibulariaceae)

AUTORA: MICHELLE MENDONÇA PENA

ORIENTADOR: Prof. Dr. VITOR FERNANDES OLIVEIRA DE MIRANDA

CO-ORIENTADOR: Prof. Dr. ALESSANDRO DE MELLO VARANI

Aprovada como parte das exigências para obtenção do Título de MESTRE EM AGRONOMIA (GENÉTICA E MELHORAMENTO DE PLANTAS), pela Comissão Examinadora:



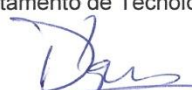
Prof. Dr. VITOR FERNANDES OLIVEIRA DE MIRANDA

Departamento de Biologia Aplicada À Agropecuária / Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias de Jaboticabal



Prof. Dr. MARCOS TULIO DE OLIVEIRA

Departamento de Tecnologia / Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias de Jaboticabal



Prof. Dr. YOANNIS DOMÍNGUEZ RODRÍGUEZ

UNESP / Câmpus Experimental do Litoral Paulista / São Vicente/SP

Data da realização: 15 de julho de 2015.

DADOS CURRICULARES DO AUTOR

MICHELLE MENDONÇA PENA – nascida em 16 de maio de 1986 na cidade de Monte Carmelo, estado de Minas Gerais, filha de José Carlos de Araújo Pena e Maria Inês Mendonça Pena. Coursou o ensino fundamental e médio na Escola Estadual Professor Vicente Lopes Perez, em Monte Carmelo – MG. No ano de 2005 ingressou no curso de Ciências Biológicas no Centro Universitário do Cerrado – Patrocínio (UNICERP), Patrocínio – MG no qual foi bolsista do “Programa Universidade para Todos – PROUNI”. Em dezembro de 2008 obteve o título de Bacharelado e Licenciatura Plena em Ciências Biológicas. No ano de 2009 ingressou no Programa de Pós-graduação *Lato Sensu*, na Fundação Carmelitana Mário Palmério, em Monte Carmelo – MG obtendo o título de Especialista em Gestão e Educação Ambiental no ano de 2010. Também no ano de 2009 ingressou no Programa de Pós-graduação *Lato Sensu*, na Universidade Federal de Lavras, em Lavras – MG obtendo em 2011 o título de Especialista em Avaliação de Flora e Fauna em Estudos Ambientais. Em agosto de 2013 foi admitida, com bolsa de estudos CAPES, no Programa de Pós-Graduação em Agronomia (Genética e Melhoramento de Plantas), curso de Mestrado, pela Universidade Estadual Paulista – Faculdade de Ciências Agrárias e Veterinárias (FCAV/UNESP), Jaboticabal – SP. Recentemente foi aprovada no curso de Doutorado do Programa de Microbiologia Agropecuária da Unesp – câmpus Jaboticabal, com início em agosto de 2015.

“Opte por aquilo que faz seu coração vibrar, apesar de todas as consequências.”

Osho

AGRADECIMENTOS

Aos meus pais, José Carlos e Maria Inês, pelo apoio, dedicação e compreensão por todo o período que estive longe, a vocês que sempre acreditaram em mim e me fortaleceram perante as dificuldades.

Ao meu namorado Bruno Henrique, pelo incentivo constante, pela companhia, amor e paciência nos momentos mais difíceis. Pela ajuda incondicional durante esses 2 anos de mestrado.

Agradeço ao meu orientador Prof. Dr. Vitor Fernandes Oliveira de Miranda, pela oportunidade de realizar este trabalho por todos os ensinamentos que recebi que serão de grande valia em minha vida profissional.

Ao meu coorientador Prof. Dr. Alessandro de Mello Varani.

Aos colegas Cristine, Dasmiliá, Estevão, Guilherme, Néstor, Saura, Yani e Yoannis pela ajuda na realização dos trabalhos de bancada, pelas amostras doadas para desenvolvimento deste trabalho e pelo companheirismo durante o tempo que estivemos juntos.

Aos pesquisadores/colecionadores de plantas carnívoras Dr. Robert Gibson e Dr. Lubomír Adamec pelas amostras doadas que foram de grande importância para a realização deste trabalho.

Aos professores responsáveis pelo Laboratório de Genética de Bactérias e Biotecnologia Aplicada, Prof. Dr. Manoel Victor Franco Lemos e Profa. Dra. Janete Aparecida Desidério pela disponibilização da infraestrutura e materiais para a realização das análises moleculares.

À técnica do laboratório Eliane Cristina da Cunha Alves, pelos ensinamentos, paciência e pelo apoio na realização dos experimentos.

Aos professores Prof. Dr. Marcos Tulio de Oliveira e Profa. Dra. Janete Aparecida Desidério pelas sugestões e contribuições na banca do Exame de Qualificação.

Ao Conselho do Programa de Pós-Graduação em Agronomia (Genética e Melhoramento de Plantas).

À Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior (CAPES) pela bolsa de estudos.

À Fundação de Amparo a Pesquisa do Estado de São Paulo (Fapesp) e à PROPe/ UNESP pelo auxílio financeiro.

SUMÁRIO

RESUMO.....	iii
ABSTRACT	iv
1. INTRODUÇÃO	1
2. REVISÃO DE LITERATURA	3
2.1 Família Lentibulariaceae Rich.....	3
2.2 DNA “Barcoding”	10
3. MATERIAL E MÉTODOS	13
3.1 Seleção das amostras vegetais	13
3.2 Extração e quantificação do DNA	18
3.3 Amplificação, purificação e sequenciamento dos “amplicons”	18
3.4 Alinhamento das sequências	21
3.5 Discriminação das espécies	22
4. RESULTADOS	22
4.1 Amplificação, sequenciamento e alinhamento das amostras	22
4.2 Discriminação das espécies	25
5. DISCUSSÃO	31
6. CONCLUSÕES	35
7. REFERÊNCIAS	36
8. ANEXOS	48
8.1 Matriz do alinhamento <i>trnS-trnG</i>	48
8.2 Matriz do alinhamento <i>trnL-trnF</i>	64
8.3 Matriz do alinhamento <i>coxI</i>	71
8.4 Matriz de distância <i>trnS-trnG</i> de acordo com o modelo GTR+G+I	80
8.5 Matriz de distância <i>trnL-trnF</i> de acordo com o modelo GTR+G	97

8.6 Matriz de distância coxl de acordo com o modelo GTR+G.....	106
--	-----

DNA “BARCODING” EM *Utricularia* (Lentibulariaceae)

RESUMO – A família Lentibulariaceae Rich. é considerada o maior grupo de plantas carnívoras dentre as angiospermas. *Utricularia* é o gênero de maior riqueza, com aproximadamente 250 espécies. Diversos estudos de identificação baseados em morfologia foram realizados para a família Lentibulariaceae, porém eles se mostram limitados para determinados grupos de espécies. Com base nisso a aplicação do DNA “Barcoding” pode ser uma importante alternativa. No presente estudo foram utilizadas sequências de DNA dos espaçadores intergênicos cloroplastidiais *trnS-trnG* e *trnL-trnF* e também do gene mitocondrial *coxI* com o objetivo de testá-las com a abordagem DNA “Barcoding” na diferenciação intraespecífica, interespecífica e entre as seções do gênero *Utricularia*. Com base nas matrizes de distâncias, a distância intraespecífica média foi de 0,004 para ambos os marcadores cloroplastidiais e de 0,006 para o gene *coxI*, a distância interespecífica média foi de 0,260 para *trnS-trnG*, 0,190 para *trnL-trnF*, 0,043 para *coxI* e a distância média entre as seções foi de 0,036, 0,029 e 0,025 para *trnS-trnG*, *trnL-trnF* e *coxI*, respectivamente. A análise baseada na árvore de “Neighbor-Joining” indicou que a maioria das espécies se agruparam em seções de acordo com o proposto para a filogenia do gênero, formando grupos monofiléticos. A eficácia de discriminação interespecífica foi 82% para *trnS-trnG* e 61% *trnL-trnF*, a discriminação intraespecífica foi de 36% para *trnS-trnG* e 23% para *trnL-trnF*. O gene mitocondrial *coxI* apresentou 24% de discriminação inter e intraespecífica, com resolução baixa de espécies na árvores de “Neighbor-Joining”. Esses resultados demonstram que as regiões cloroplastidiais apresentam informações satisfatórias para separação das espécies em clados que corroboram com a filogenia do grupo e que portanto *trnS-trnG* e *trnL-trnF* podem ser considerados bons “barcodes” para o gênero *Utricularia*.

Palavras-chave: “barcode”, marcadores moleculares, DNA cloroplastidial, DNA mitocondrial, planta carnívora.

DNA “BARCODING” IN *Utricularia* (Lentibulariaceae)

ABSTRACT – The family Lentibulariaceae Rich. is considered the largest group of carnivorous plants among the angiosperms. *Utricularia* is the richest genus with approximately 250 species. Several studies based on morphological identification have been published for the family Lentibulariaceae, but they are limited regarding some groups of species. Hence, DNA Barcoding may be an important alternative. The present study used DNA sequences of chloroplast intergenic spacers *trnS-trnG* and *trnL-trnF* and also the mitochondrial gene *coxI* in order to test them with the DNA Barcoding approach to intraspecific, interspecific and between sections differentiation in the *Utricularia* genus. Based on the distance analyses, the average intraspecific distance was 0.004 for both chloroplast markers and 0.006 for the *coxI* gene, the average interspecific distance was 0.260 to *trnS-trnG*, 0.190 to *trnL-trnF*, 0.043 to *coxI* and the average distance between sections was 0.036, 0.029 and 0.025 to *trnS-trnG*, *trnL-trnF* and *coxI*, respectively. The analysis based on Neighbor-Joining tree indicated that most species were grouped into sections according to the proposed for the phylogeny of the genus, forming monophyletic groups. The efficacy of interspecies discrimination was 82% to *trnS-trnG* and 61% to *trnL-trnF*, intraspecific discrimination was 36% to *trnS-trnG* and 23% to *trnL-trnF*. The mitochondrial gene *coxI* showed 24% of inter and intraspecific discrimination, with low resolution of species on trees Neighbor-Joining. These results demonstrate that the chloroplast regions have satisfactory information to separate species in clades that corroborate the phylogeny of the group and therefore *trnS-trnG* and *trnL-trnF* can be considered good barcodes for the *Utricularia* genus.

Keywords: barcode, molecular markers, chloroplast DNA, mitochondrial DNA, carnivorous plant.

1. INTRODUÇÃO

A família Lentibulariaceae Rich. é considerada o maior grupo de plantas carnívoras dentre as angiospermas, estando amplamente distribuída por todo o globo (GUISANDE *et al.*, 2007). É composta por aproximadamente 320 espécies distribuídas em três gêneros: *Genlisea* A.St.-Hil., *Pinguicula* L. e *Utricularia* L. (TAYLOR, 1989). Os gêneros são diferenciados tanto a partir de características morfológicas – estruturas florais e aquelas relacionadas ao hábito carnívoro – quanto moleculares (JOBSON; ALBERT, 2002).

Utricularia é o gênero de maior riqueza em número de espécies, aproximadamente 250 distribuídas por todo o mundo, exceto em regiões áridas e nos pólos (TAYLOR, 1989). A maioria das espécies é encontrada em regiões tropicais e subtropicais da Venezuela, Guianas e no Brasil (TAYLOR, 1989) sendo que, no último, foram catalogadas 65 espécies das quais 16 são endêmicas (MIRANDA *et al.*, 2015). O gênero apresenta diversas formas de vida, desde terrestres, aquáticas livres, aquáticas afixadas, reofíticas, epífitas e litofíticas (JUDD *et al.*, 1999; GUISANDE *et al.*, 2007). Quando comparado aos demais gêneros da família, *Pinguicula* e *Genlisea*, *Utricularia* possui a maior diversidade morfológica e especialização para carnivoría (JUNIPER; ROBINS; JOEL, 1989; KRÓL *et al.*, 2011). Caracterizado por seus utrículos (folhas modificadas em vesículas) adaptados para captura de presas por sucção, essas estruturas são muito empregadas para a taxonomia e a sistemática (LLOYD, 1942; JUNIPER; ROBINS; JOEL, 1989; TAYLOR, 1989).

A busca por condições mais eficazes e rápidas de identificação de espécies tem levado cada vez mais pesquisadores a utilizar abordagens baseadas em sequências de DNA, como o DNA “Barcoding” (HAJIBABAEI *et al.*, 2007). Essa abordagem é bastante promissora para o diagnóstico da biodiversidade, que vem gerando grande interesse ao longo dos últimos anos (JINBO; KATO; ITO, 2011). O DNA “Barcoding” é um sistema de identificação que visa utilizar uma pequena e padronizada região de DNA que é empregado na discriminação de espécies (LAHAYE *et al.*, 2008). No entanto, é um grande desafio encontrar uma região do DNA genômico apropriada para a representação de todas as espécies, ou seja, um “código de barras” genético (LAHAYE *et al.*, 2008; DONG *et al.*, 2015).

Os primeiros trabalhos realizados acerca de um código de barras biológico – DNA “Barcoding” - foram feitos para o reino animal, se mostrando eficazes na identificação rápida de espécies de diversos grupos de artrópodes, aves, peixes e anfíbios (HEBERT *et al.*, 2003). A escolha de uma região adequada para representar o DNA “Barcoding” em plantas ainda não está bem definida como nos animais (KUBO; NEWTON, 2008). Genes e espaçadores cloroplastidiais como *matK*, *rbcl*, *trnH-psbA*, *atpF-atpH* e *psbK-psbL* são os candidatos mais promissores para a abordagem “Barcoding” em plantas (CHASE *et al.*, 2005; CBOL, 2009). Recentemente, Dong *et al.* (2015) identificaram o gene cloroplastidial *ycf1* como sendo o “loci” mais variável e portanto o mais promissor para “barcode” em plantas. Com relação ao DNA nuclear, as regiões ITS e ETS têm sido frequentemente empregadas, porém alguns oligonucleotídeos iniciadores (“primers”) usados podem amplificar pseudogenes e cópias parálogas, o que dificulta os trabalhos em filogenia (MIRANDA *et al.*, 2010; ZIMMER; WEN, 2013). Além da escolha de um bom marcador “barcode”, uma amostragem significativa de indivíduos de cada espécie estudada é essencial para o estabelecimento de uma base de dados de referência (CHINA, 2011).

Estudos acerca do DNA “Barcoding” têm sido realizados para diversas famílias de angiospermas com diversas finalidades, desde discriminação entre famílias (e.g. CBOL, 2009; BAFEEL *et al.*, 2011), discriminação entre espécies de uma mesma família (e.g. CLEMENT; DONOGHE, 2012; FEDERICI *et al.*, 2013), entre híbridos (e.g. FENG *et al.*, 2013) e também na identificação de espécies invasoras (e.g. GHAMRANZADEH *et al.*, 2013).

Para a família Lentibulariaceae, estudos de identificação e classificação baseados em morfologia e anatomia já foram realizados (e.g. THANIKAIMONI, 1966; HUYNH, 1968; SOHMA, 1975; KONDO; SEGAWA; NEHIRA, 1978; TAYLOR, 1989; GUISANDE *et al.*, 2007), porém eles se mostram limitados para alguns grupos devido ao alto grau de polimorfismo estrutural, com algumas espécies não apresentando características bem definidas entre elas. Com base nisso a aplicação do DNA “Barcoding” pode ser uma importante alternativa, trazendo novos resultados para as questões taxonômicas, sistemáticas e evolutivas das espécies da família Lentibulariaceae.

No presente estudo foram utilizados cinco marcadores moleculares (genes e espaçadores intergênicos) dos genomas nuclear, cloroplastidial e mitocondrial para analisar 127 indivíduos, representando 29 espécies e 12 seções de *Utricularia* com o objetivo de testar esses marcadores com a abordagem DNA “Barcoding” na diferenciação intraespecífica, interespecífica e entre as seções do gênero. O gene GBSSI ou *waxY* que é responsável pela formação de grãos de amido, foi utilizado como marcador nuclear. Como marcadores cloroplastidiais foram utilizados o espaçador *psbB-psbF* cujos genes codificam a proteína 47 kDa e a proteína VI do fotossistema II, o espaçador *trnS-trnG* cujos genes codificam tRNA-Ser e tRNA-Gly, e o espaçador *trnL-trnF*, que codificam tRNA-Leu e tRNA-Phe, respectivamente. Como marcador mitocondrial foram utilizadas sequências do gene *coxI* que codifica a citocromo c oxidase, que é a enzima chave da cadeia respiratória.

2. REVISÃO DE LITERATURA

2.1 Família Lentibulariaceae Rich.

A família Lentibulariaceae é a maior em número de espécies de angiospermas carnívoras, aproximadamente 370, constituída por três gêneros: *Pinguicula* L., *Genlisea* A.St.-Hil. e *Utricularia* L., que se encontram distribuídos mundialmente (TAYLOR, 1989; GUISANDE *et al.*, 2007; KRÓL *et al.*, 2011). Estudos filogenéticos utilizando dados moleculares identificam a família como monofilética, *Utricularia* é grupo irmão de *Genlisea* e ambos como grupo irmão de *Pinguicula* (JOBSON; ALBERT, 2002; JOBSON *et al.*, 2003; MÜLLER *et al.*, 2000; MÜLLER *et al.*, 2004; MÜLLER; BORSCH, 2005), estando posicionada na ordem Lamiales, que abriga a maioria dos gêneros de plantas carnívoras (APGIII, 2009; SCHAFERHOFF *et al.*, 2010).

A classificação dos gêneros atualmente se sustenta tanto com base em características morfológicas e anatômicas - estruturas florais e vegetativas - quanto moleculares (JOBSON; ALBERT, 2002). Diversos estudos propõem que os padrões diversificados dos utrículos possam ser utilizados para taxonomia (JUNIPER; ROBINS; JOEL, 1989; TAYLOR, 1989; REIFENRATH *et al.*, 2006; YANG; LIU; CHAO, 2009) e que as divergências morfológicas das armadilhas presentes na

família são sinapomorfias para os gêneros (MÜLLER *et al.*, 2006). A forma de atração das presas é ainda uma questão pouco compreendida podendo ser mediada por fatores químicos e também envolver fatores visuais e olfativos (FISCHER *et al.*, 2004).

Para explicar a relação de custo-benefício entre a carnivoría e os ambientes pobres em nutrientes que são colonizados por espécies de plantas carnívoras, Givnish *et al.* (1984) propuseram que os macronutrientes obtidos pela digestão de presas conferem benefícios energéticos às plantas pelo aumento da taxa fotossintética relacionada ao aumento das folhas fotossintetizantes em resposta ao incremento nutricional. Por outro lado o carbono que é obtido com a digestão dessas presas é convertido em açúcares, o que compensaria as perdas energéticas relacionadas à baixa taxa fotossintética de algumas dessas plantas (GIVNISH *et al.*, 1984).

Ellison e Gotelli (2009), em sua revisão sobre as hipóteses relacionadas à captura de presas e ao incremento energético, relatam que testes sobre essas duas hipóteses poderiam fornecer “insights” sobre os fatores que impulsionaram a evolução das plantas carnívoras. Segundo os autores, a carnivoría evoluiu de forma independente pelo menos seis vezes em cinco ordens de angiospermas e, apesar dessas origens independentes, existe uma convergência morfológica entre as armadilhas foliares e também uma convergência fisiológica dos mecanismos de digestão e assimilação de presas (ELLISON; GOTELLI, 2009). A “hipótese energética” postula uma evolução morfológica rápida resultante de algumas alterações em genes reguladores responsáveis por suprir as altas demandas energéticas das armadilhas, sendo essa hipótese mais aceita por ser mais condizente com o modelo de custo-benefício proposto para evolução da carnivoría botânica (ELLISON; GOTELLI, 2009).

O modelo de custo-benefício para a evolução da carnivoría botânica fornece um arcabouço conceitual para interpretar uma ampla variedade de estudos comparativos e experimentais sobre plantas carnívoras (PAVLOVIC; SAGANOVÁ, 2015). Esse modelo assume que as folhas modificadas (armadilhas) representam um custo significativo para a planta, e este custo é compensado pelo aumento da absorção de nutrientes a partir das presas (PAVLOVIC; SAGANOVÁ, 2015).

Pavlovic e Saganová (2015) interpretaram os custos e benefícios de armadilhas ativas, dentre estes o bombeamento de água, sinalização elétrica e acúmulo de jasmonatos, que são fitormônios responsáveis tanto pela atração como pela defesa contra herbivoria. De acordo com esses autores, as armadilhas ativas representam um custo significativo de carbono para as plantas carnívoras, por outro lado a sinalização de jasmonatos tem evoluído como uma estratégia de redução de custos já que a produção de enzimas digestivas só é ativa quando as plantas carnívoras recebem sinais elétrico e químicos que implicam a presença de presas (PAVLOVIC; SAGANOVÁ, 2015). Assim o envolvimento de jasmonatos e quitinases no processo digestivo suporta a hipótese de que a carnivoría pode ter evoluído de mecanismos de defesa da planta (PAVLOVIC; SAGANOVÁ, 2015).

Para Lentibulariaceae o modelo proposto de custo-benefício da carnivoría sugere que uma alteração enzimática na via respiratória seja capaz de potencializar a eficiência da produção de energia (JOBSON *et al.*, 2004; LAAKKONEN; JOBSON; ALBERT, 2006). A produção fotossintética em espécies carnívoras é menos eficiente que em outras plantas pelo fato de as folhas serem responsáveis por outras funções como a captura e digestão de presas. Assim, gêneros como *Utricularia* e *Genlisea*, por exemplo, apresentam a segregação da função fotossintética e carnívora em tipos diferentes de folhas (KRÓL *et al.*, 2011). Como resultado, essas plantas geralmente são de pequeno porte, baixa capacidade competitiva e crescem em ambientes restritos, com abundância de luz e água (GIVNISH *et al.*, 1984; JUNIPER; ROBINS; JOEL, 1989).

Distribuído em todos os continentes, com exceção da Antártica e Austrália, o gênero *Pinguicula* L. agrupa aproximadamente 90 espécies, com a maior parte ocorrendo no Hemisfério Norte, não havendo representantes no Brasil (CASPER, 1966; CIESLAK *et al.*, 2005). Apresenta folhas posicionadas rente ao solo na maioria das espécies, de formato rosetado, adesivas (devido à grande quantidade de tricomas glandulares), onde as presas, geralmente pequenos artrópodes, são capturados e digeridos por uma mucilagem (HESLOP-HARRISON, 2004; PLACHNO *et al.*, 2008; Figura 1A). Estudos filogenéticos e morfológicos mostram que o tipo de captura de presas apresentado por *Pinguicula* é a forma plesiomórfica quando comparada aos demais gêneros representantes da família Lentibulariaceae.

(BARTHLOTT *et al.*, 1998; MÜLLER *et al.*, 2004, MÜLLER *et al.*, 2006; CIESLAK *et al.*, 2005). *Pinguicula* sofreu diversas modificações taxonômicas (BARNHART, 1916; ERNST, 1961; CIESLAK *et al.*, 2005) e a classificação mais aceita para o gênero foi elaborada por Casper (1966), na qual as espécies foram agrupadas em três subgêneros, *Isoloba*, *Temnoceras* e *Pinguicula*, de acordo com dados citológicos, morfológicos e ecológicos.



Figura 1. Tipos de armadilhas na família Lentibulariaceae. **A.** Folhas adesivas em *Pinguicula* sp.; **B.** Folhas utriculíferas (seta) em *Genlisea aurea* A.St.-Hil.; **C.** Utrículos (seta) em *Utricularia foliosa* L.; Créditos das imagens: Equipe LSV.

Com ocorrência em áreas tropicais da América do Sul, América Central, África e Madagascar, são conhecidas atualmente cerca de 29 espécies para o gênero *Genlisea* (TAYLOR, 1989; FISCHER *et al.*, 2004; FLEISCHMANN, 2012; Figura 1B). No Brasil, registros indicam a ocorrência de 17 espécies, sendo 10 delas endêmicas (MIRANDA *et al.*, 2015). Como em *Pinguicula*, as espécies de *Genlisea* possuem folhas dispostas em roseta e o mecanismo de captura é formado por armadilhas foliares e subterrâneas em formato de “Y” retorcido onde as presas, que são em sua grande maioria compostas por protozoários, pequenos invertebrados e algas, são conduzidas por um único caminho e impossibilitadas de retornar devido à presença de tricomas posicionados contra o local de saída (BARTHLOTT *et al.*, 1998; PLACHNO *et al.*, 2008; Figura 1B).

A descrição taxonômica das espécies de *Utricularia* teve a contribuição de muitos autores, mas Auguste F. C. P. de Saint Hilaire e Frédéric de Girard merecem destaque por descreverem, entre 1830 e 1838, um grande número de espécies na América do Sul (TAYLOR, 1989). Fromm-Trinta (1985, 1988, 1989, 1991, 1996) compilou as espécies brasileiras de *Utricularia* e realizou muitos estudos para o

gênero através de trabalhos de flora, listagem e proposições de novas espécies. Um dos principais estudiosos das espécies de *Utricularia* foi Taylor (1989), que iniciou suas atividades em meados de 1949, quando um grande número de espécies já havia sido descrito, muitas delas de maneira inconsistente. Vários estudos florísticos e taxonômicos foram por ele publicados e sua monografia (TAYLOR, 1989) ainda é considerada a principal referência para qualquer estudo taxonômico do grupo.

Utricularia agrupa cerca de 35% das espécies dentre todas as demais famílias de plantas carnívoras (GUISANDE *et al.*, 2007). Junto com *Genlisea* é o clado mais derivado da família Lentibulariaceae (JOBSON; ALBERT, 2002; MÜLLER *et al.*, 2004; MÜLLER *et al.*, 2006) e o que possui a maior riqueza de espécies, aproximadamente 250. De acordo com o sistema taxonômico de Taylor (1989), as espécies de *Utricularia* estão agrupadas em dois subgêneros – *Polypompholyx* (Lehm.) P.Taylor e *Utricularia* - e 35 seções. Para isso, foram consideradas pelo autor as características de morfologia vegetativa, número de lobos no cálice, forma do utrículo e forma de vida. A maioria das espécies é encontrada em regiões tropicais e subtropicais da América do Sul (TAYLOR, 1989), onde se tem sugerido ser o centro de origem e diversificação do gênero (GUISANDE *et al.*, 2007).

As espécies de *Utricularia* (Figura 2) são herbáceas, geralmente crescem em ambientes com alta umidade e sujeitos a variações sazonais (ELLISON; GOTELLI, 2001; HOBBS; KÜCHMEISTER; POREMBSKI, 2006). Apresentam diversas formas de vida e em alguns casos a mesma espécie pode ocorrer em mais de um ambiente (GUISANDE *et al.*, 2007). A maioria não possui órgãos vegetativos bem definidos, não possuem raízes, apresentam estolões e rizoides, que são a forma de fixação ao substrato, e não se sabe se ocorrem folhas ou filocládios com função fotossintética (JUNIPER; ROBINS; JOEL, 1989; RUTISHAUSER; ISLER, 2001;). A estrutura de carnívoros são os utrículos, que são disparados quando em contato com as presas e em seu interior secretadas enzimas digestivas como esterases, glicosídeos, proteases e quitinases (LLOYD, 1942; JUNIPER; ROBINS; JOEL, 1989; TAYLOR, 1989; SIROVÁ; ADAMEC; VRBA, 2003; SIROVÁ *et al.*, 2009; ADAMEC; SIROVÁ; VRBA, 2010; KRÓL *et al.*, 2011; Figura 1C).

A reprodução em *Utricularia* pode ser sexuada, por meio de autopolinização, sendo que algumas espécies possuem flores cleistógamas, e também por

polinização cruzada (KONDO, 1972; KHOSLA; SHIVANNA; RAM, 1998; YAMAMOTO; KADONO, 1990; HOBHANN; KÜCHMEISTER; POREMBSKI, 2006; CLIVATI *et al.*, 2014) mediada por polinizadores que podem ser insetos e com menos frequência beija-flores (TAYLOR, 1989; FISCHER *et al.*, 2004). A reprodução também pode ser assexuada, por propagação clonal, pela fragmentação do estolão que é comum para o gênero, sendo que algumas espécies aquáticas são capazes de formar estruturas de dormência – “turions” – resistentes à seca e baixas temperaturas (TAYLOR, 1989). Características morfológicas e anatômicas são as principais fontes para a identificação de *Utricularia* (e.g. THANIKAIMONI, 1966; HUYNH, 1968; SOHMA, 1975; KONDO, 1978; TAYLOR, 1989), porém o gênero possui alto grau de polimorfismo estrutural intra e interespecífico e em contraste algumas espécies são morfológicamente similares, não apresentando caracteres bem delimitados entre elas (TAYLOR, 1989; Figura 2), sendo algumas vezes identificadas de forma equivocada.



Figura 2. Espécies do gênero *Utricularia* L. **A.** *Utricularia tricolor* A.St.-Hil.; **B.** *Utricularia longifolia* Gardner; **C.** *Utricularia neottioides* A.St.-Hil. & Girard; **D.** *Utricularia rostrata* A.Fleischm. & Rivadavia; **E.** *Utricularia flaccida* A.DC.; **F.** *Utricularia pusilla* Vahl; **G – I.** *Utricularia amethystina* Salzm. ex A.St.-Hil. & Girard (morfotipos púrpura, branco e amarelo, respectivamente). Créditos das imagens B – E, G, H: Cristine Gobbo Menezes; F: Vitor F. O. de Miranda; A e I: Bruno Garcia.

Apesar dos muitos estudos sobre anatomia e morfologia de *Utricularia* (e.g. THANIKAIMONI, 1966; HUYNH, 1968; SOHMA, 1975; KONDO, 1978; TAYLOR, 1989), a utilização de características genômicas tem sido cada vez mais empregadas na sistemática molecular, tanto para reconhecimento de linhagens e identificação de ancestrais, como para inferir processos atuais encontrados para os grupos (EGAN; SCHLUETER; SPOONER, 2012). A disponibilização de dados de

genomas completos (e.g. IBARRA-LACLETTE *et al.*, 2013) e a identificação do genoma de *Utricularia gibba* como sendo um dos menores dentre as angiospermas. (88,3 Mb senso GREILHUBER *et al.*, 2006) gerou grande interesse acerca do grupo, tornando-as fortes candidatas a planta modelo para estudos experimentais. Projetos de genomas e transcriptomas estão sendo desenvolvidos em nosso laboratório para outras espécies de *Utricularia* e a disponibilização desses dados serão de grande importância para a elucidação de questões ainda pouco exploradas para Lentibulariaceae.

2.2 DNA “Barcoding”

DNA “barcode” consiste de uma sequência curta de DNA, entre 400 e 800 pb que pode ser rotineiramente amplificada por PCR (“Polymerase Chain Reaction”), sequenciada (ALI *et al.*, 2014) e aplicada para a identificação de todos os organismos vivos (HEBERT *et al.*, 2003), teoricamente. Uma região considerada como bom “barcode” deve apresentar comprimento curto, altas taxas de amplificação e sequenciamento, variabilidade que permita a discriminação intra e interespecífica, possuir um grande número de cópias por célula, ter “primers” universais e resolver todas ou a maioria das espécies em todos os níveis taxonômicos (KRESS *et al.*, 2005; CBOL, 2009; HOLLINGSWORTH; GRAHAM; LITTLE, 2011).

Para táxons morfologicamente distinguíveis a utilização do “barcode” pode não ser necessária (FLOYD *et al.*, 2002), no entanto, é extremamente promissora por não ser aplicada apenas para espécies taxonomicamente resolvidas (HEBERT *et al.*, 2003). Por outro lado pode ser utilizada também com precisão na discriminação de subespécies, cultivares, morfotipos, mutantes, espécies complexas e clones (FLOYD *et al.*, 2002), além de ser útil na biologia forense, investigação de biopirataria, identificação de ervas medicinais e espécies exóticas (SASS *et al.*, 2007; CHEN *et al.*, 2010; PANG *et al.*, 2012). Entretanto, esta abordagem apresenta algumas limitações muito significativas que podem ser encontradas nos grupos estudados como: baixa diversidade genética em sequências, divergência recente de espécies, híbridos e pseudogenes nucleares (STOECKLE; WAGGONER; AUSUBEL, 2005).

A escolha de uma região única como “barcode” já está fixada para o Reino Animal, uma sequência única e parcial do gene mitocondrial da subunidade I da citocromo oxidase (*coi* ou *coxI*), que por apresentar grande número de cópias por célula, baixas taxas de recombinação, possuir baixo polimorfismo, apresentar herança materna e taxa de mutação diferente entre espécies animais, foi utilizada no primeiro trabalho realizado acerca de um código de barras genético (HEBERT *et al.*, 2003).

Para plantas a escolha de uma região como “barcode” ainda gera desacordos entre os estudiosos, não estando ainda definida (PENNISI, 2007; DONG *et al.*, 2015). O genoma mitocondrial vegetal apresenta baixa variação em sequências, é compacto e apresenta alto grau de variação em termos de organização genômica, isso porque frequentes rearranjos ainda estão acontecendo para linhagens de angiospermas (KUBO; NEWTON, 2008). De acordo com o trabalho de Drouin, Daoud e Xia (2008), os genes cloroplastidiais, que apresentam uma taxa de substituição três vezes maior que os genes mitocondriais, gerando assim alto grau de polimorfismo, além de existirem em número elevado de cópias no genoma, são as regiões mais indicadas para a abordagem “barcoding” em plantas (CHASE *et al.*, 2005; CBOL, 2009).

A partir dos dados obtidos por Hebert em 2003, a idéia da utilização da abordagem “barcode” ganhou força e aguçou a imaginação de muitos taxonomistas, geneticistas e biólogos evolutivos e, em 2004, foi criada o CBOL (“Consortium for the Barcode Life”) com o objetivo de desenvolver o DNA “Barcoding” como um padrão global para a identificação de espécies (CBOL - www.barcoding.si.edu).

Impulsionados pela proposta de uma abordagem eficiente e rápida para identificação de espécies, Kress *et al.* (2005) utilizaram o espaçador cloroplastidial *trnH-psbA* na busca por divergências entre sequências de DNA em Solanaceae, porém essa região apresenta muita variação, não sendo eficiente quando utilizada isoladamente. Então em 2007, Kress e Erickson, utilizaram em combinação o espaçador *trnH-psbA* e o gene *rbcL* para testar a aplicação do “barcode” em 43 famílias de plantas, porém ainda assim não foi eficiente para todas as amostras. Diferentes grupos de pesquisa têm proposto a utilização de “loci” únicos e várias combinações de “loci” para “barcode” em plantas (e.g. CHASE *et al.*, 2005; COWAN

et al., 2006; CHASE *et al.*, 2007; PENNISI, 2007; LEDFORD, 2008; FAZEKAS *et al.*, 2008; LAHAYE *et al.*, 2008; ERICKSON *et al.*, 2008, HOLLINGSWORTH *et al.*, 2009; SEBERG; PETERSEN, 2009; DONG *et al.*, 2015), mas não há consenso entre as regiões que devem ser utilizadas e essa falta de padrão tem dificultado o progresso em “barcode” de plantas (CBOL, 2009).

Tentando sanar a divergência relacionada à escolha das melhores regiões para “barcode” em plantas, o CBOL em 2009 realizou um abrangente estudo com 907 amostras representando 445 espécies de angiospermas, 38 espécies de gimnospermas e 67 espécies de briófitas e pteridófitas utilizando sequências de DNA cloroplastidial de sete “loci” candidatos a “barcode”. O gene *rpoC1* que codifica a subunidade gamma da RNA polimerase, o gene *rpoB* que codifica a RNA polimerase subunidade beta, o gene *matK* codificador da proteína maturase K que atua no processamento de íntrons classe II estimulando o “self-splicing” do RNA (SOLTIS *et al.*, 1998; HAUSNER *et al.*, 2006). O gene *rbcL* que codifica a subunidade maior da ribulose-1,5-bifosfato carboxilase/oxigenase conhecida comumente como RuBisCO, que é provavelmente a enzima mais abundante na Terra e está envolvida na fixação de carbono (RAVEN, 2013). Os espaçadores intergênicos *trnH-psbA*, *atpF-atpH* e *psbK-psbI* e como resultado propuseram a utilização das regiões *rbcL* e *matK* em combinação (CBOL, 2009).

Assim, com base nas regiões propostas pelo CBOL, diversos estudos têm sido desenvolvidos para diversas famílias, todos buscando resolver o impasse até então sem solução definida para a abordagem DNA “Barcoding” em plantas (e.g. STARR; NACZI; CHOUINAED, 2009; GAO *et al.*, 2010; BAFEEL *et al.*, 2011; DE MATTIA *et al.*, 2011; FU; JIANG; FU, 2011; GUO *et al.*, 2011; LIU *et al.*, 2012; FEDERICI *et al.*, 2013; FENG *et al.*, 2013; GHAHRAMANZADEH *et al.*, 2013; KIM *et al.*, 2014; CHRISTINA; ANNAMALAI, 2014; DONG *et al.*, 2015). Outras regiões de DNA dos genomas cloroplastidial, mitocondrial e nuclear têm sido empregadas para utilização como “barcode” em plantas. Clement e Donoghue (2012) utilizaram dentre outras as regiões *rpl32-trnL*, *trnK* e encontraram altos níveis de variação e potencial poder discriminatório. Zhang *et al.* (2013) utilizaram o espaçador *trnS-trnG* além de outros dois marcadores, *ndhF* e *waxY* e concluíram que estes marcadores são bons candidatos a “barcode” para determinados grupos taxonômicos.

O estabelecimento de bancos de DNA “Barcodes” possibilita minimizar a atual situação sobre a caracterização da diversidade biológica em grande escala, além de poder ser empregado na identificação de espécies crípticas, na descoberta de novas espécies e na diferenciação de formas juvenis e adultas de uma mesma espécie através de materiais biológicos (HEBERT *et al.*, 2003). Para suprir a necessidade de se ter um banco de dados de sequências de DNA “barcodes”, foi criada a base BOLD (“The DNA Barcode of Life Data Systems”), que tem como objetivo reunir dados de todas as espécies existentes que foram identificadas por taxonomistas. O BOLD, além de disponibilizar ferramentas para a análise das sequências depositadas através da verificação dos “stop codon” e das possíveis ambiguidades, permite associar os dados dos “barcodes” a diversas outras informações como fotos, dados de campo, taxonômicos e dados sobre a sequência de DNA (RATNASINGHAM; HEBERT, 2007).

O lançamento do projeto iBOL (“International Barcode of Life”) em 2010 marcou o início de uma fase de grande produção de “barcodes” (VERNOOY *et al.*, 2010) e teve como propósito a criação de uma completa base de dados, uma biblioteca de “barcodes” que responderia a qualquer questão sobre identificação de espécies e democratizaria o acesso à biodiversidade e taxonomia (LARSON, 2007; BERGSTEN *et al.*, 2012). No Brasil, foi criado o consócio de identificação molecular da biodiversidade brasileira, segundo o protocolo do iBOL (<http://brbol.org/pt-br>). Esse consócio é suportado pelo CNPq, atualmente cobrindo os grandes grupos de animais, plantas, fungos e microorganismos.

3. MATERIAL E MÉTODOS

3.1 Seleção das amostras vegetais

Foram avaliados 127 indivíduos representando 29 espécies de 12 seções do gênero *Utricularia* L. A maioria das espécies proveio de populações do Brasil, além de espécimes da República Tcheca e alguns de material em cultivo. Foram

realizadas expedições de campo no ano de 2014 (Autorizações Sisbio/ ICMBio/ MMA nº 26938, 43985 e 48516) para obtenção de indivíduos de diversas populações (Tabela 1). Os espécimes foram armazenados em sílica gel e com materiais-testemunho, porém ainda não receberam código de tombamento pelo Herbário JABU da Universidade Estadual Paulista Câmpus Jaboticabal (UNESP/FCAV). A maioria dos materiais foi coletada e identificada pela equipe do LSV (Laboratório de Sistemática Vegetal – UNESP/FCAV) baseado na monografia de Taylor (1989).

Tabela 1. Espécies de *Utricularia* (Lentibulariaceae) empregadas no presente estudo (classificação infragenérica *sensu* Taylor, 1989).

Espécie	Nº de indivíduos	Seção	Procedência	Material – testemunho
<i>U. blanchetii</i> A.DC.	1	<i>Aranella</i> (Barnhart) P.Taylor	Lençóis, BA, Brasil	M. M. Pena <i>et al.</i> , s/n
<i>U. laciniata</i> A.St.-Hil. & Girard	6	<i>Aranella</i> (Barnhart) P.Taylor	Furnas, MG, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1567
<i>U. parthenopipes</i> P.Taylor	5	<i>Aranella</i> (Barnhart) P.Taylor	Lençóis, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1675
<i>U. rostrata</i> A. Fleischm. & Rivadavia	5	<i>Aranella</i> (Barnhart) P.Taylor	Lençóis, BA, Brasil	M. M. Pena <i>et al.</i> , s/n
<i>U. simulans</i> Pilg.	1	<i>Aranella</i> (Barnhart) P.Taylor	São Roque de Minas, MG, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1564
<i>U. neottioides</i> A.St.-Hil. & Girard	5	<i>Avesicaria</i> Kamiński	Rio de Contas, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1688
<i>U. nana</i> A.St.-Hil. & Girard	6	<i>Benjamina</i> P.Taylor	São Roque de Minas, MG, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1642
<i>U. arenaria</i> A.DC.	6	<i>Calpidisca</i> (Barnhart) Komiya	Em cultivo – coleção de plantas carnívoras – UNESP/ FCAV	-
<i>U. amethystina</i> Salzm. ex A.St.-Hil. & Girard	7	<i>Foliosa</i> Kamiński	São Roque de Minas, MG, Brasil / Rio de Contas, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1622 / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1695
<i>U. tricolor</i> A.St.-Hil.	5	<i>Foliosa</i> Kamiński	São Roque de Minas, MG, Brasil / Itaipina, SP, Brasil / Rio de Contas, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1687
<i>U. nelumbifolia</i> Gardner	6	<i>Iperua</i> P.Taylor	Em cultivo – coleção de plantas carnívoras – UNESP/ FCAV	-

(continuação)

<i>U. reniformis</i> A.St.-Hil.	7	<i>Iperua</i> P.Taylor	Salesópolis, SP, Brasil / Biritiba-Mirim, SP, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n
<i>U. laxa</i> A.St.-Hil. & Girard	1	<i>Oligocista</i> Benj.	Itararé, SP, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1555
<i>U. geminiloba</i> Benj.	1	<i>Orchidioides</i> Kamiński	Rio de Janeiro, RJ, Brasil	S. R. da Silva, s/n
<i>U. calycifida</i> Benj.	2	<i>Psyllosperma</i> P.Taylor	Em cultivo – coleção de plantas carnívoras – UNESP/ FCAV	-
<i>U. hispida</i> Lam.	6	<i>Psyllosperma</i> P.Taylor	São Roque de Minas, MG, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1579
<i>U. longifolia</i> Gardner	4	<i>Psyllosperma</i> P.Taylor	Rio de Janeiro, RJ, Brasil / Ibicoara, BA, Brasil	C. G. Menezes s/n / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1682
<i>U. praelonga</i> A.St.-Hil. & Girard	2	<i>Psyllosperma</i> P.Taylor	Itapeva, SP, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1518
<i>U. flaccida</i> A.DC.	6	<i>Setiscapella</i> (Barnhart) P.Taylor	Ibicoara, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1677
<i>U. nervosa</i> Weber ex Benj.	6	<i>Setiscapella</i> (Barnhart) P.Taylor	Itirapina, SP, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1649
<i>U. pusilla</i> Vahl	6	<i>Setiscapella</i> (Barnhart) P.Taylor	Furnas, MG, Brasil / Itararé, SP, Brasil / Ibicoara, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1566 / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1543 / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1681
<i>U. subulata</i> L.	6	<i>Setiscapella</i> (Barnhart) P.Taylor	Mogi das Cruzes, SP, Brasil / São Roque de Minas, MG, Brasil / Ibicoara, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1617 / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n
<i>U. triloba</i> Benj.	6	<i>Setiscapella</i> (Barnhart) P.Taylor	São Roque de Minas, MG, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1639
<i>U. foliosa</i> L.	5	<i>Utricularia</i> P.Taylor	Mogi das Cruzes, SP, Brasil / Ceará-Mirim, RN, Brasil	D. Cruz, s/n / D. Cruz, s/n

(continuação)

<i>U. inflexa</i> Forssk.	1	<i>Utricularia</i> P.Taylor	Em cultivo – Universidade de Trébon, República Tcheca	-
<i>U. intermedia</i> Hayne	3	<i>Utricularia</i> P.Taylor	Em cultivo – Universidade de Trébon, República Tcheca	-
<i>U. gibba</i> L.	8	<i>Utricularia</i> P.Taylor	Mogi das Cruzes, SP, Brasil / São Roque de Minas, MG, Brasil / Ibicoara, BA, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1608 / V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , s/n
<i>U. striata</i> LeConte ex Torr.	1	<i>Utricularia</i> P.Taylor	Em cultivo – Universidade de Trébon, República Tcheca	-
<i>U. cucullata</i> A.St.-Hil. & Girard	3	<i>Vesiculina</i> (Raf.) P.Taylor	Itirapina, SP, Brasil	V. F. O. de Miranda <i>et al.</i> , 1651

3.2 Extração e quantificação do DNA

Para a extração do DNA foram utilizadas folhas, flores, eixos de inflorescências, de tecido fresco, herborizado e/ou preservado em sílica gel, de indivíduos provenientes de populações diferentes. Foi utilizado o método CTAB (DOYLE; DOYLE, 1987) com modificações de Lodhi *et al.* (1994).

Aproximadamente 0,1 g de tecido foi congelado com nitrogênio líquido e macerados com auxílio de um pistilo. Ao final da maceração, com o cadinho ainda gelado, foi adicionado 1 mL do tampão de extração (conforme protocolo original - Doyle & Doyle, 1987) e incubado a 60 °C por 25 min, invertendo os tubos a cada 5 min. Ao final da incubação foi adicionado 1 mL de solução de clorofórmio e álcool isoamílico (24:1) agitando os tubos por inversão rapidamente. Os tubos foram centrifugados, em seguida, a 10.000 rpm por 15 min. O sobrenadante foi transferido para tubos limpos e em função do volume recuperado foram adicionados 0,5 vol de NaCl a 5 M e 2–2,5 vol de etanol 100% gelado. As amostras foram mantidas a -20 °C por 60 min e em seguida submetidas a duas centrifugações: a 6.000 rpm por 5 min e 10.000 rpm por 5 min, ambas a 4 °C. Todo o líquido foi descartado e o “pellet” lavado com 1 mL de etanol 70% gelado, seguido de centrifugação a 10.000 rpm por 5 min. Após o “pellet” secar foi adicionado 100 µL de tampão TE (Tris-HCl 10mM, EDTA 1mM, pH 8.0). Ao final, as amostras foram quantificadas por espectrofotometria (Nanodrop®) e armazenadas a -20 °C.

3.3 Amplificação, purificação e sequenciamento dos “amplicons”

Para as amplificações foram escolhidas uma região de DNA nuclear: GBSSI, três regiões de DNA cloroplastidial: *psbB-psbF*, *trnS-trnG* e *trnL-trnF* e uma região de DNA mitocondrial: *coxI* (Tabela 2).

A partir do DNA genômico as reações de PCR foram otimizadas para um volume total de 25 µL contendo 0,1 vol do tampão (10x), 0,4 µM de dNTP mix (cada dNTP a 25 µM), 0,2 µM de “primers” “forward” e “reverse”, 1 U de “DreamTaq” polimerase (Fermentas) contendo 20µM de MgCl₂, 0,2 mg/ µL coadjuvante albumina sérica bovina (BSA), 2 µL DNA “template” com concentrações variando de 0,1 a 100

ng/ μ L e água ultrapura para completar o volume. As amplificações foram realizadas com o uso de termociclador PTC-100 (“MJ Research”) (Tabela 2).

Tabela 2. “Primers” e condições das reações para amplificação das regiões do DNA nuclear, cloroplastidial e mitocondrial de *Utricularia* (Lentibulariaceae). (n/a= não se aplica)

Região	“Primers”	Sentido	Sequência dos “primers”	Tamanho esperado	Condição das reações	Referência
GBSSI	F-FOR	F	5' TGCAGCTCGACAACATCATGCG 3'	~ 1.300 pb	n/a	MASON-GAMER <i>et al.</i> , 1998
	M-BAC	R	5' GGCGAGCGGCGCGATCCCTCGCC 3'			
<i>psbB-psbF</i>	<i>psbB</i>	F	5' GTTTACTTTTGGGCATGCTTCGC 3'	~ 872 pb	n/a	HAMILTON, 1999
	<i>psbF</i>	R	5' CGCAGTTCGTCTTGGACCAG 3'			
<i>trnS-trnG</i>	<i>trnS</i>	F	5' GCCGCTTTAGTCCACTCAGC 3'	~ 800 pb	94°C 1min 94°C 30 s, 52°C 30 s, 72°C 1 min, por 40 ciclos 72°C 5 min	HAMILTON, 1999
	<i>trnG</i>	R	5' GAACGAATCACACTTTTACCAC 3'			
<i>trnL-trnF</i>	<i>trnL</i>	F	5' GGTTCAAGTCCCTCTATCCC 3'	~ 412 pb	95°C 1min 92°C 30 s, 52°C 30 s, 72°C 1 min e 30 s, por 30 ciclos 72°C 5 min	TABERLET <i>et al.</i> , 1991
	<i>trnF</i>	R	5' ATTTGAACTGGTGACACGAG 3'			
<i>coxI</i>	L1	F	5' TTATTATCACTTCCGGTACT 3'	~ 966 – 1.750 pb	96°C 1min 96°C 45 s, 54°C 30 s, 72°C 1 min e 30 s, por 35 ciclos 72°C 5 min	VAUGHN <i>et al.</i> , 1995; SPER-WHITS <i>et al.</i> , 1996
	R3	R	5' AGCATCTGGATAATCTGG 3'			

A purificação das amostras foi feita a partir de precipitação “overnight” com adição de 12 µL de acetato de sódio (3 M, pH 5,2, 1/10 do volume da reação) e etanol 100% gelado (2,5 vol) seguida por duas lavagens com 1 mL de etanol 70% gelado intercaladas por centrifugações a 14.000 rpm. O “pellet” foi seco em estufa à 37°C e em seguida eluído em 22 µL de água estéril.

A reação de sequenciamento para cada amostra amplificada empregou 1 µL do “primer” (10 µM), 3 µL de tampão “Save Money” (10% (v/v) com MgCl₂ 50 Mm e 20% (v/v) de Tris-HCl pH 9,0), 1 µL de “Big Dye” V3.1, 20-200 ng de DNA “template” e água ultrapura completando o volume total de 10 µL de reação. Para a reação de sequenciamento foi empregado termociclador PTC-100 (“MJ Research”) com o perfil térmico de 96°C por 1 min, 40 ciclos de 96°C por 15 seg, 52°C por 15 seg e 60°C por 4 min. Ao final as amostras foram precipitadas seguindo o protocolo anteriormente descrito e enviadas ao CREBIO - Centro de Recursos Biológicos e Biologia Genômica da UNESP/FCAV câmpus Jaboticabal (<http://www.fcav.unesp.br/crebio>), onde foram ressuspendidas em 10 µL de formamida, desnaturadas por 5 min a 95°C e submetidas ao sequenciador automático modelo 3730xl ABI (“Applied Biosystems”).

As fitas senso e antissenso de cada amostra foram sequenciadas, comparadas e verificados os “hits” por meio do aplicativo BLASTN – “Basic Local Alignment Search Tool” (ALTSCHUL *et al.*, 1990) com as sequências depositadas na base nr/nt do GenBank/ NCBI (“National Center for Biotechnology Information”).

3.4 Alinhamento das sequências

Os eletroferogramas das sequências senso e antissenso foram verificados para a identificação e possível correção de erros de leitura. As sequências foram editadas e comparadas para gerar as sequências-consenso com o aplicativo BioEdit 7.0.9.0 (HALL, 1999). O alinhamento entre todas as sequências foi realizado com os programas ClustalW (THOMPSON; HIGGINS; GIBSON, 1994) e Mafft versão 7 (KATO *et al.*, 2002) nos quais os GAPS de extremidades, por serem artefatos do alinhamento, foram substituídos pela máscara “N”.

3.5 Discriminação das espécies

A avaliação do poder de resolução intraespecífico, interespecífico e entre as seções para cada marcador que apresentou amostras amplificadas foi realizada aplicando o método de Agrupamento de Vizinhos “Neighbor-Joining” (SAITOU; NEI, 1987) usando o programa PAUP* versão 4b10 (SWOFFORD, 2002). O modelo evolutivo “best-of-fit” foi escolhido para cada marcador com o aplicativo Mega v. 6.05 (TAMURA *et al.*, 2013), avaliado para as matrizes de dados com o critério “Akaike information criterion” corrigido (AICc). O suporte dos ramos foi avaliado por “bootstrap” com 2000 réplicas com o aplicativo Mega v. 6.05 (TAMURA *et al.*, 2013). As espécies avaliadas para cada marcador foram consideradas discriminadas se possuísssem distâncias entre si diferentes de zero (comprimento de ramos diferente de zero) e se todos os indivíduos de uma única espécie formassem um grupo monofilético (FENG *et al.*, 2013; KIM *et al.*, 2014). Assim, foi feita a razão entre as espécies que atenderam a esses quesitos e o número total de espécies amostradas. A diferenciação intraespecífica foi feita pela razão entre o número de indivíduos que apresentaram distância diferente de zero e o total de indivíduos representantes da espécie. Os dendrogramas foram desenhados com o programa TreeGraph2 v. 2.0.52-347 beta (STÖVER; MÜLLER, 2010). Para enraizamento dos dendrogramas foi utilizada a espécie *Utricularia simulans*.

4. RESULTADOS

4.1 Amplificação, sequenciamento e alinhamento das amostras

Dentre os cinco marcadores testados, aqueles que resultaram em “amplicons” foram *trnS-trnG*, *trnL-trnF* e *coxI*.

Para o espaçador *psbB-psbF* houve amplificação de dois espécimes de *Utricularia arenaria*, um espécime de *Utricularia reniformis*, um espécime de *Utricularia nana*, um espécime de *Utricularia hispida* e um de *Utricularia nelumbifolia*. Assim, por não possuir uma quantidade suficiente de amostras amplificadas, esse marcador não foi utilizado para as avaliações de discriminação para as espécies de *Utricularia*.

Para o espaçador intergênico *trnS-trnG* as amplificações foram bem sucedidas para 27 espécies, exceto *Utricularia blanchetii* e *Utricularia laxa* (Tabela 3). Quanto à qualidade das sequências, alguns indivíduos de *Utricularia tricolor*, *Utricularia amethystina* e *Utricularia gibba* apresentaram baixa qualidade, sendo necessários ajustes manuais quando geradas as sequências consenso. Foram realizados dois alinhamentos, um primeiro, entre as espécies que compõem cada uma das 12 seções avaliadas, que resultou na exclusão de cinco espécies (Tabela 3) e 11 indivíduos por não apresentarem identidade suficiente (similaridade média par-a-par <50%) para construção de um alinhamento robusto, e um segundo alinhamento, entre todos os espécimes restantes gerando uma matriz de 1.153 caracteres (Anexo 8.1).

Tabela 3. Relação de espécies de *Utricularia* (Lentibulariaceae) utilizadas para cada marcador após os alinhamentos.

Espécie	Cloroplasto		Mitocôndria
	<i>trnS-trnG</i>	<i>trnL-trnF</i>	<i>coxI</i>
<i>U. amethystina</i> Salzm. ex A.St.-Hil. & Girard	+	+	+
<i>U. arenaria</i> A.DC.	+	+	+
<i>U. blanchetii</i> A.DC.	-	-	-
<i>U. calycifida</i> Benj.	+	+	+
<i>U. cucullata</i> A.St.-Hil. & Girard	+	+	-
<i>U. flaccida</i> A.DC.	+	+	-
<i>U. foliosa</i> L.	+	+	+
<i>U. geminiloba</i> Benj.	-	-	-
<i>U. gibba</i> L.	+	+	+
<i>U. hispida</i> Lam.	+	+	+
<i>U. inflexa</i> Forssk.	+	+	-
<i>U. intermedia</i> Hayne	-	+	-
<i>U. laciniata</i> A.St.-Hil. & Girard	+	+	+
<i>U. laxa</i> A.St.-Hil. & Girard	-	-	-
<i>U. longifolia</i> Gardner	+	+	+
<i>U. nana</i> A.St.-Hil. & Girard	+	+	-
<i>U. nelumbifolia</i> Gardner	+	+	+
<i>U. neottioides</i> A.St.-Hil. & Girard	+	+	+
<i>U. nervosa</i> Weber ex Benj.	+	+	+
<i>U. parthenopipes</i> P.Taylor	+	+	+

(continuação)

<i>U. praelonga</i> A.St.-Hil. & Girard	-	+	-
<i>U. pusilla</i> Vahl	-	+	-
<i>U. reniformis</i> A.St.-Hil.	+	+	+
<i>U. rostrata</i> A.Fleischm. & Rivadavia	-	+	-
<i>U. simulans</i> Pilg.	+	+	+
<i>U. striata</i> LeConte ex Torr.	+	+	-
<i>U. subulata</i> L.	+	+	+
<i>U. tricolor</i> A.St.-Hil.	+	+	+
<i>U. triloba</i> Benj.	+	+	+
TOTAL:	22	26	17

O espaçador intergênico *trnL-trnF* apresentou amplificações bem sucedidas para 26 espécies, exceto *Utricularia blanchetii*, *Utricularia laxa* e *Utricularia geminiloba* (Tabela 3), porém entre as espécies restantes não foi possível amplificação para 45 indivíduos. As sequências apresentaram boa qualidade, exceto para um indivíduo de *Utricularia praelonga* e dois indivíduos de *Utricularia gibba*. Como feito para o espaçador *trnS-trnG*, um primeiro alinhamento foi realizado entre as espécies de cada seção não sendo necessária nenhuma exclusão. Um segundo alinhamento foi realizado, portanto, para todas as espécies e desse foi necessária a exclusão de dois indivíduos de *Utricularia gibba* e um indivíduo de *Utricularia rostrata*. A matriz de 587 caracteres gerada por esse alinhamento está disponível em Anexos (Anexo 8.2).

Não foram amplificadas as espécies *Utricularia blanchetii*, *Utricularia laxa*, *Utricularia nana* e *Utricularia geminiloba* (Tabela 3) e dentre as espécies restantes 14 indivíduos não foram amplificados para o marcador *coxI*. Dentre as amostras amplificadas, 23 sequências foram perdidas pois não apresentavam condições adequadas de picos nos eletroferogramas, apesar de apresentarem bandas visíveis e únicas no gel de agarose. As sequências que foram obtidas apresentaram boa qualidade para a maioria das espécies, porém para 20 indivíduos apenas uma das fitas, senso ou antissenso foram amplificadas. Na verificação dos “hits” feita com o aplicativo BLASTN foi observado que duas porções diferentes do gene *coxI* foram sequenciadas, não sendo possível a geração de sequências consenso.

Assim, foram realizados dois alinhamentos, um entre as sequências senso e outro entre as sequências antissenso. Desses dois alinhamentos foi observado um “gap” de aproximadamente 100 pb entre as duas sequências (tomando como referência o “scaffold” de *Utricularia gibba* que apresenta *coxI* – SCF00367- código de acesso KC997779.1) e para evitar a perda de dados relativa a não utilização de uma das sequências para as análises, ambas foram concatenadas manualmente e gerado um único alinhamento. Esse gene apresentou baixo rendimento de sequências em relação aos outros dois marcadores utilizados para as análises e, após os alinhamentos foram excluídas oito espécies (Tabela 3) e 37 indivíduos por não apresentarem identidade suficiente (similaridade média par-a-par <50%) nos alinhamentos e o “gap” formado entre as duas fitas foi substituído pela máscara “N”. A matriz de 1.392 caracteres gerada está disponível em Anexos (Anexo 8.3).

4.2 Discriminação das espécies

Baseados nas matrizes de dados, os modelos evolutivos “best-of-fit” escolhidos para os três marcadores foram: GTR+G+I para o espaçador *trnS-trnG* e GTR+G para ambos, *trnL-trnF* e *coxI*. As taxas de discriminação intraespecífica, interespecífica e também entre as seções do gênero *Utricularia* L. foram calculados com base nas sequências de cada uma das regiões avaliadas separadamente (Tabela 4). As matrizes de distância para cada um dos marcadores estão disponíveis nos Anexos 8.4, 8.5 e 8.6.

Tabela 4. Dados descritivos das sequências de DNA e resultados das distâncias intraespecíficas, interespecíficas e entre as seções de *Utricularia* (Lentibulariaceae).

Região	Genoma	Sucesso de Amplificação	Espécies / Indivíduos	Tam. do Alinhamento	Nº sítios variáveis	Sítios únicos	GC (%)	Dist. Intraespecífica Média	Dist. Interespecífica Média	Dist. Média entre Seções
<i>trnS-trnG</i>	cp DNA	98,4 %	22 / 97	1.153	555 (48,13%)	27 (2,34%)	30,0	0,004 (0,0 – 0,033)	0,260 (0,003 – 0,454)	0,036 (0,0 – 0,085)
<i>trnL-trnF</i>	cp DNA	62,2 %	26 / 76	587	210 (35,77%)	23 (3,91%)	36,5	0,004 (0,0 – 0,063)	0,190 (0,009 – 0,409)	0,029 (0,0 – 0,099)
COX1	mt DNA	63,7%	17 / 44	1.392	119 (8,54%)	18 (1,29%)	40,5	0,006 (0,0 – 0,080)	0,043 (0,0 – 0,238)	0,025 (0,0 – 0,080)

A análise baseada na árvore de “Neighbor-Joining” para o marcador *trnS-trnG* mostrou que a maioria das espécies se agruparam em seções de acordo com o proposto para a filogenia do gênero baseados em caracteres morfológicos e moleculares, formando grupos monofiléticos moderadamente congruentes com as propostas filogenéticas mais recentes para *Utricularia* (Figura 3). O mesmo não aconteceu para as espécies de *Utricularia* utilizando o marcador *trnL-trnF*, onde seções *Setiscapella*, *Psyllosperma* e *Aranella* não se mostraram de forma monofilética e para o marcador *coxI*, onde somente a seção *Calpidisca* mostrou-se monofilética (Figuras 4 e 5), entretanto a mesma está representada por apenas uma espécie (*U. arenaria*). A eficácia de discriminação interespecífica foi de 82% para o marcador *trnS-trnG*, 61% para o marcador *trnL-trnF* e 24% para o marcador *coxI*. Em relação à discriminação intraespecífica os valores obtidos foram de 36%, 23% e 24% para *trnS-trnG*, *trnL-trnF* e *coxI*, respectivamente.

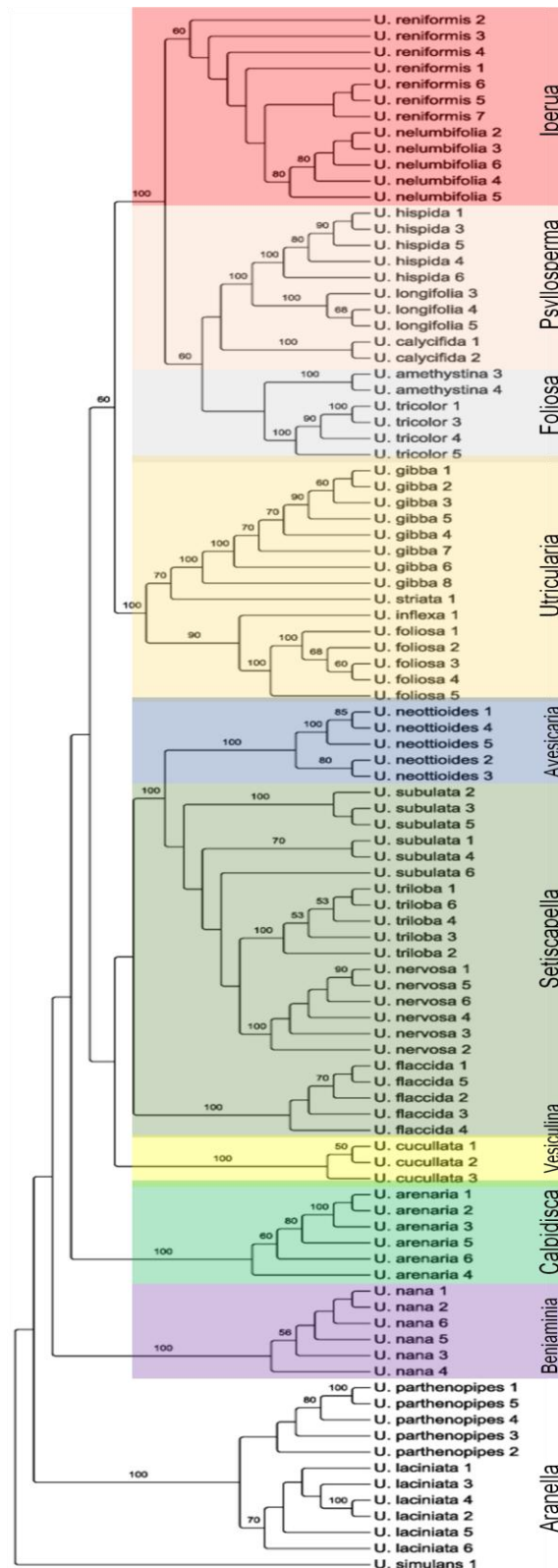


Figura 3. Árvore resultante da análise de “Neighbor-Joining” com o emprego do modelo GTR “General Time Reversible” utilizando o marcador *trnS-trnG* para as espécies de *Utricularia*. Os valores de “bootstrap” acima de 50% encontram-se próximos dos ramos.

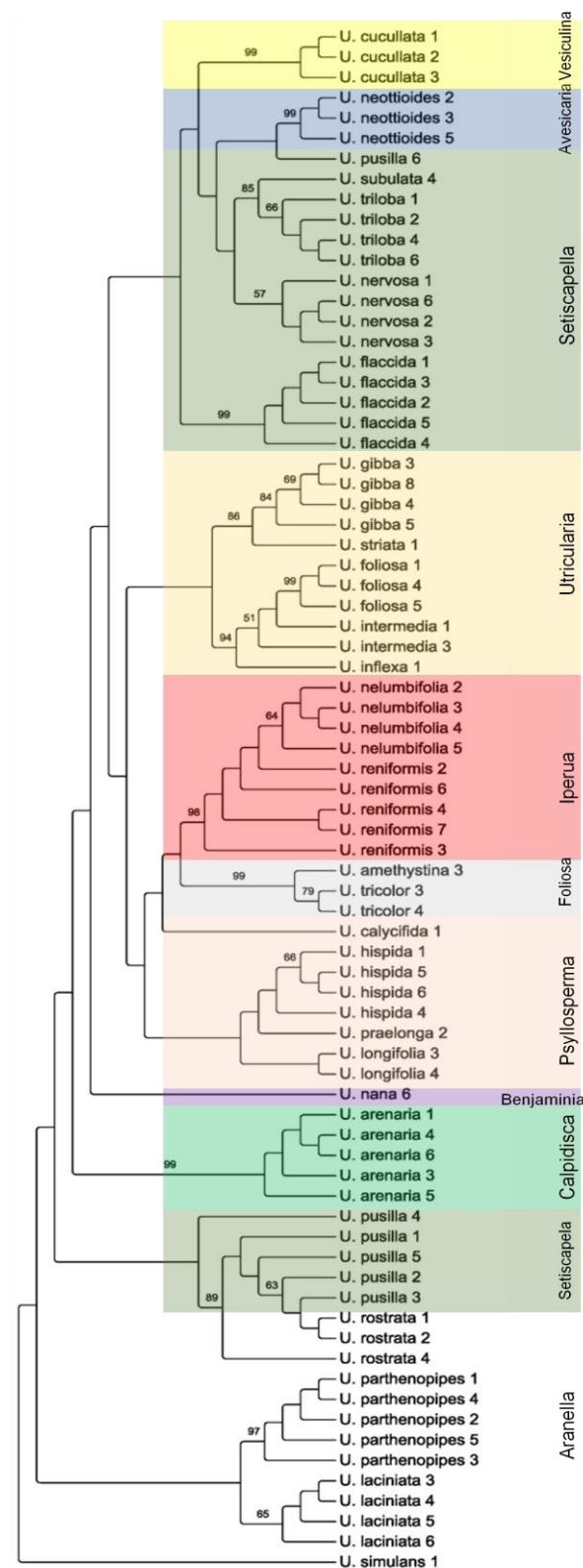


Figura 4. Árvore resultante da análise de “Neighbor-Joining” com o emprego do modelo GTR “General Time Reversible” utilizando o marcador *trnL-trnF* para as espécies de *Utricularia*. Os valores de “bootstrap” acima de 50% encontram-se próximos dos ramos.

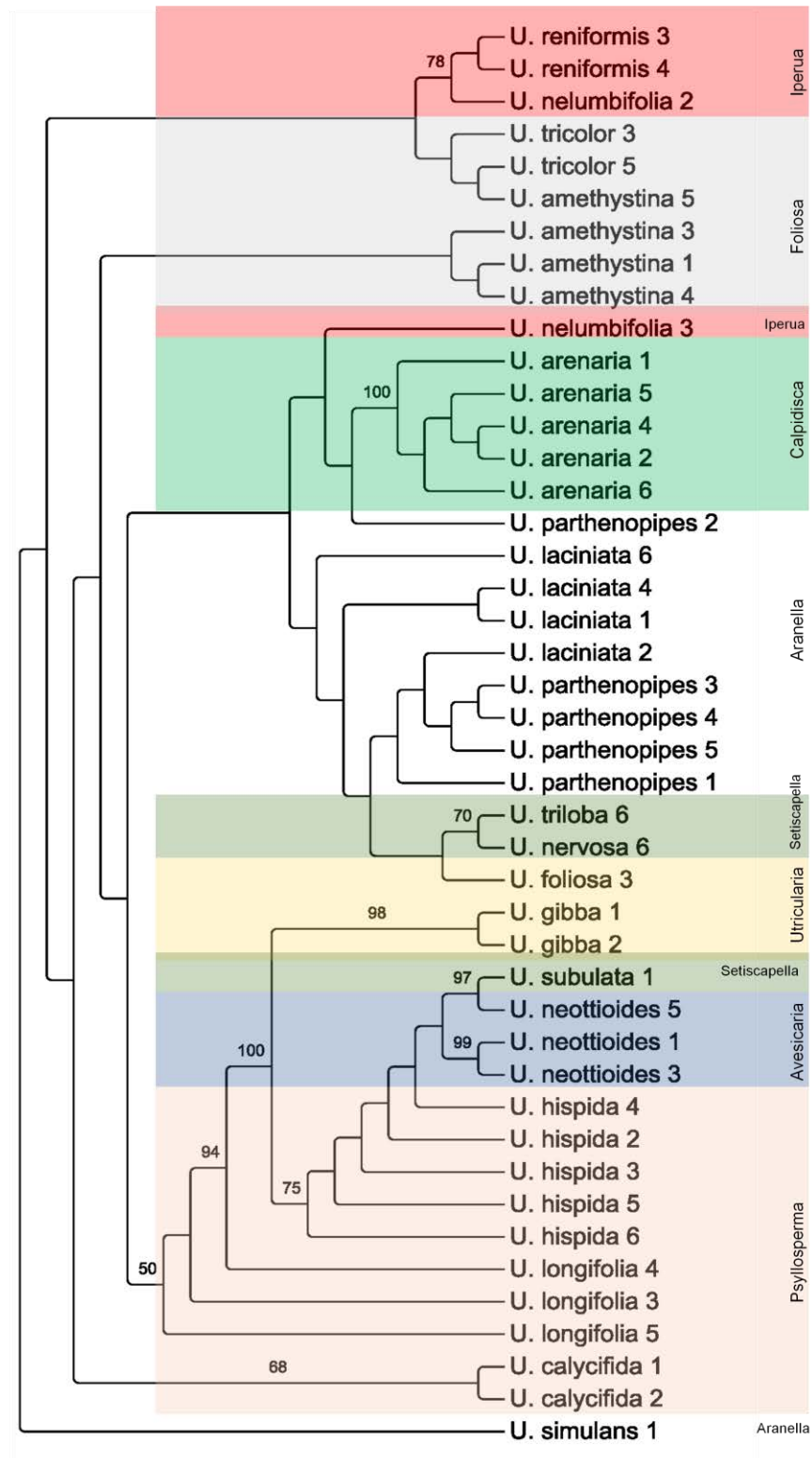


Figura 5. Árvore resultante da análise de “Neighbor-Joining” com o emprego do modelo GTR “General Time Reversible” utilizando o marcador *cox1* para as espécies de *Utricularia*. Os valores de “bootstrap” acima de 50% encontram-se próximos dos ramos.

5. DISCUSSÃO

O DNA “Barcoding” objetiva a identificação de espécies com base em regiões de DNA (HEBERT *et al.*, 2003) e, para isso, algumas regiões cloroplastidiais têm sido propostas como “barcodes” para plantas (CBOL, 2009). O emprego de abordagens baseadas em dados moleculares têm sido de grande valia para a resolução de incongruências na filogenia do gênero *Utricularia* (MÜLLER *et al.*, 2000; JOBSON; ALBERT, 2002; JOBSON *et al.*, 2003; MÜLLER *et al.*, 2004; MÜLLER; BORSCH, 2005).

Dentre as regiões avaliadas nesse estudo como candidatas a “barcode”, o espaçador *trnS-trnG* apresentou o maior número de sítios variáveis (48,13%), foi de fácil amplificação (98,4% sucesso de amplificação), porém não foi uma região de comprimento curto (1.153 pb). O espaçador *trnL-trnF* apresentou o menor comprimento, 587 pb e 35,77% de sítios variáveis, porém com 62,2% de sucesso de amplificação. Apesar de não serem propostas pelo CBOL como “barcodes” para plantas, estas regiões apresentaram algumas das características consideradas desejáveis para regiões de DNA candidadas a “barcodes” (comprimento curto, altas taxas de amplificação e sequenciamento, variabilidade que permita a discriminação intra e interespecífica, possuir um grande número de cópias por célula, ter “primers” universais e resolver todas ou a maioria das espécies em todos os níveis taxonômicos) (KRESS *et al.*, 2005; CBOL, 2009; HOLLINGSWORTH; GRAHAM; LITTLE, 2011). O gene *coxI* apresentou 8,54% de sítios variáveis, demonstrando a alta conservação e baixo polimorfismo dessa região (MOWER *et al.*, 2007), foi a região que apresentou maior comprimento (1.392 pb), o sucesso de amplificação foi de 63,7%, porém muitas sequências foram descartadas após os alinhamentos, o que diminuiu a amostragem final para esse marcador.

A avaliação da discriminação interespecífica revelou uma baixa porcentagem de espécies resolvidas e monofiléticas para o gene *coxI* (24%). Fazekas *et al.* (2008), utilizando o mesmo gene conseguiram apenas 10% de espécies resolvidas. O CBOL (2009) propõe para “locus” único uma porcentagem de 43 – 69% de discriminação entre espécies. Com os marcadores cloroplastidiais utilizados nesse trabalho a discriminação interespecífica foi de 82% e 61% para *trnS-trnG* e *trnL-trnF*,

respectivamente, sendo então os valores compatíveis ao esperado para marcadores quando avaliados sozinhos.

A eficácia de discriminação de espécies varia consideravelmente entre as diversas famílias de angiospermas. Estudos realizados pelo “China Plant BOL Group” (2011) sugerem uma discriminação de 26,4% para o gene *rbcL*, 44,8% para *matK* e 45,2% para *trnH-psbA*. Kress e Erickson (2007) encontraram para o espaçador intergênico *trnH-psbA* o valor de discriminação de 82,6%; esse valor é compatível com os resultados obtidos no presente trabalho para o espaçador intergênico *trnS-trnG*. Pettengill e Neel (2010) encontraram valores de discriminação de 29,8% para *matK*, 30,3% para *rbcL*, 58,7% para *trnH-psbA*.

Alguns estudos apontam a região *matK* como sendo de difícil amplificação (STARR; NACZI; CHOUINAED, 2009). Feng *et al.* (2013) consideraram essa região como sendo o melhor “barcode” com 19% de discriminação entre espécies, enquanto que *rbcL* e *trnH-psbA* falharam em discriminar as espécies de *Populus* L. Lahaye *et al.* (2008) propuseram *matK* como o “barcode” universal para plantas com flores, porém segundo Kress e Erickson (2008) um sistema de identificação “barcoding” deve ser eficaz para todas as plantas terrestres, não apenas para angiospermas.

Devido à grande controvérsia entre assumir apenas uma região de DNA como “barcode” e resultados divergentes entre a eficácia de discriminação de espécies para os marcadores quando utilizados sozinhos, o CBOL (2009) propôs a utilização da combinação entre as regiões de DNA cloroplastidial *rbcL* + *matK* como “core barcodes”. No entanto, Feng *et al.* (2013) verificaram que mesmo com as regiões em combinação, a discriminação de espécies apresentou baixa eficácia (28,6%), assim como Hollingsworth *et al.* (2011) em estudos com *Araucaria* e Ran *et al.* (2010) com Pinaceae. Zhang *et al.* (2013) utilizaram o espaçador *trnS-trnG* em conjunto com outros dois marcadores (*ndhF* e *waxY*) e obtiveram 100% de identificação em Solanaceae. Segundo Fazekas *et al.* (2008), a análise de múltiplos “loci” de regiões cloroplastidiais é a estratégia mais eficaz para a identificação de espécies de plantas, porém a quantidade e a identidade dessas regiões ainda não estão estabelecidas (PENNISI, 2007).

Fazekas *et al.* (2008) relatam que a diferença de opinião entre a escolha do melhor “barcode” para plantas está relacionada com os critérios considerados como mais importantes para medir o sucesso de regiões como “barcodes”, ou seja, a falta de consenso em utilizar uma medida satisfatória e padronizada para avaliar o sucesso de discriminação entre espécies (KRESS; ERICKSON, 2008).

A avaliação da monofilia baseada na topologia das árvores “Neighbor-Joining” foi um dos critérios utilizados nesse trabalho para medir o sucesso de discriminação das regiões cloroplastidiais e mitocondrial, já que segundo Henning (1966), apenas grupos monofiléticos são naturais e seriam os únicos que realmente respeitam o conceito evolutivo da ancestralidade comum. Assim, o gene mitocondrial *coxI* não foi eficaz na discriminação das espécies de *Utricularia* avaliadas, fato esse também observado por Fazekas *et al.* (2008) que apesar da baixa eficácia do gene, não consideram que *coxI* deva ser descartado como marcador “barcode” para plantas sem evidências suficientes para isso.

De acordo com os resultados obtidos pela avaliação das árvores “Neighbor-Joining”, os grupos formados pelas espécies avaliadas corroboram moderadamente com os estudos realizados por Taylor (1989) baseados somente em características morfológicas. Porém foram encontradas ingrongruências nas propostas filogenéticas baseada em dados moleculares de *Utricularia* (MÜLLER *et al.*, 2000; JOBSON; ALBERT, 2002; JOBSON *et al.*, 2003; MÜLLER *et al.*, 2004; MÜLLER; BORSCH, 2005) com a utilização desses dados. Esse resultado demonstra a enorme importância dos estudos taxonômicos aliados aos dados moleculares para discriminação de espécies. Apesar da amostragem de espécies e indivíduos avaliados nesse trabalho não ter sido muito alta, os espaçadores cloroplastidiais possibilitaram uma resolução em níveis de espécies e também de indivíduos para algumas espécies, e estas se agruparam em seções de acordo com o proposto para a filogenia molecular do gênero (JOBSON *et al.*, 2003; MÜLLER; BORSCH, 2005).

Os valores de distância intraespecífica foram de 0,004 para ambos os espaçadores *trnS-trnG* e *trnL-trnF* e de 0,006 para *coxI*, demonstrando a baixa resolução entre os indivíduos representantes de cada uma das espécies de *Utricularia*. Resultados semelhantes foram encontrados por Lahaye *et al.* (2008) para o espaçador *trnH-psbA* (0,0023) e Yan *et al.* (2011) para o espaçador *psbK-*

psbl (0,004), nos quais a baixa eficácia na diferenciação intaespecífica também foi relatada.

Considerando os valores de distância de ramos, os dois marcadores cloroplastidiais avaliados – *trnS-trnG* e *trnL-trnF* – apresentaram valores diferentes de zero para as distâncias interespecíficas com média de 0,260 e 0,190, respectivamente. Segundo Jobson *et al.* (2002) uma possível explicação para esses altos valores de distância é a elevada taxa de evolução molecular comumente observada para espécies de *Utricularia*.

Utricularia é um gênero de plantas carnívoras que juntamente com o gênero *Genlisea* têm sido propostos como plantas modelo pelo fato de possuírem os menores genomas dentre as angiospermas (GREILHUBER *et al.*, 2006; FLEISCHMAM *et al.*, 2014). A miniaturização do genoma é uma tendência compartilhada entre esses dois gêneros e está associada, dentre outros fatores, ao baixo conteúdo de GC e altas taxas de substituição de nucleotídeos (GREILHUBER *et al.*, 2006; IBARRA-LACLETTE *et al.*, 2013). Uma baixa porcentagem de GC foi observada nas sequências dos três marcadores analisados nesse trabalho - 30% em *trnS-trnG*, 36,5% em *trnL-trnF* e 40,5% em *coxI*.

As armadilhas de sucção (utrículos) presentes nas espécies de *Utricularia* demandam um alto gasto energético e as taxas respiratórias nessas estruturas são muito maiores que em qualquer outro tecido da planta (ADAMEC, 2006). Isso pode aumentar as concentrações intracelulares de ROS - espécies reativas ao oxigênio – (IBARRA-LACLETTE *et al.*, 2011), que segundo Albert *et al.* (2010), pode ser a causa do aumento nas taxas de substituição de nucleotídeos encontradas em *Utricularia*. Um dos problemas causados pelo acúmulo de ROS nas células são as mutações na cadeia de DNA (IBARRA-LACLETTE *et al.*, 2011). O dano mais comum é a alteração da base nitrogenada guanina que sofre uma conversão em 8-Oxoguanina e passa a se parear com a adenina no processo de replicação do DNA (KANVAH *et al.*, 2010), podendo ser uma hipótese para explicar as elevadas taxas de AT encontradas nas sequências estudadas.

Estabelecer uma região padrão para “barcoding” em plantas não é um processo tão usual como foi a seleção de *coxI* para animais, no entanto, com o volume de dados avaliados, a atual compreensão da estrutura genômica e a taxa de

substituição nucleotídica dentre outras características do DNA de plantas, a probabilidade de encontrar um gene que seja aplicável e funcione tão bem quanto *coxI* para “barcoding” em animais está cada vez mais próxima (NEWMASTER; FAZEKAS; RAGUPATHY, 2006).

6. CONCLUSÕES

O gene *coxI* apresentou maior número de espécies não resolvidas, apesar de ser uma região de fácil amplificação e sequenciamento, é um gene muito conservado e por esse motivo, aliado à baixa recuperação de sequências nos alinhamentos, não foi considerado um bom “barcode” para *Utricularia*.

O emprego dos espaçadores cloroplastídias *trnS-trnG* e *trnL-trnF* resultaram em grande número de espécies monofiléticas, apesar da baixa resolução intraespecífica na análise “Neighbor-Joining”. Além disso, se avaliadas também outras características como a facilidade de amplificação e sucesso do sequenciamento, a quantidade de sítios variáveis, o tamanho do alinhamento e a resolução de clados baseada na filogenia do gênero, esses dois marcadores podem ser considerados como possíveis “barcodes” para *Utricularia*.

Não há dúvidas de que as abordagens utilizadas para DNA “Barcoding” de plantas serão refinadas futuramente, no entanto o passo chave para isso está no consenso sobre o padrão de “loci” que permitam sequenciamento em larga escala. Os resultados obtidos nesse trabalho com a utilização das regiões de DNA podem ser de grande valia na busca por regiões promissoras em “barcode” de plantas, e aliados a outros resultados obtidos com diversas abordagens tanto moleculares quanto taxonômicas formarão um banco de dados robusto que ajudará a responder questões ecológicas e filogenéticas da família Lentibulariaceae.

7. REFERÊNCIAS

- ADAMEC, L. Respiration and photosynthesis of bladders and leaves of aquatic *Utricularia* species. **Plant Biology**, v. 6, p. 765 – 769, 2006.
- ADAMEC, L.; SIROVÁ, D.; VRBA, J. Contrasting growth effects of prey capture in two aquatic carnivorous plant species. **Fundamental Applied Limnology**, v. 176, p. 153 – 160, 2010.
- ALBERT, V.A.; JOBSON, R.W.; MICHAEL, T. P.; TAYLOR, D. J. The carnivorous bladderwort (*Utricularia*, Lentibulariaceae): a system inflates. **J Exp Bot**, v. 61, p. 5 - 9, 2010.
- ALI, M. A.; GYULAI, G.; HIDVÉGI, N.; KERTI, B.; HEMAND, F. M. A. A.; PANDEY, A. K.; LEE, J. The changing apitome of species identification DNA barcoding. **Saudi Journal of Biological Sciences**. v. 21, p. 204 – 231, 2014.
- ALTSCHUL, S. F.; GISH, W.; MILLER, W.; MYERS, E. W.; LIPMAN, D. J. Basic local alignment search tool. **Journal of Molecular Biology**, v. 215, p. 403 - 410, 1990.
- ANGIOSPERM PHYLOGENY GROUP III (APG III). An update of the Angiosperm Phylogeny Group Classification for the orders and families of flowering plants. **Botanical Journal of the Linnean Society**. v. 161, n. 2, p. 105 - 121, 2009.
- BAFEEL, S. O.; ARIF, I. A.; BAKIR, A.; KHAN, H. A.; FAHAN, A. H. A.; HOMAIDAN, A. A. A.; AHAMED, A.; THOMAS, J. Comparative evaluation of PCR sucess with universal primers of maturase K (*matK*) nad ribulose-1, 5- biphosphate carboxylase oxygenase large subunit (*rbcL*) for barcoding of some arid plants. **Plant Omics Journal**, v.4, p.195 - 198, 2011.
- BARNHART, J. H. Segregation of genera in Lentibulariaceae. **Memoirs of the New York Botanical Garden**. v. 6, p. 39 – 64, 1916.
- BARTHLOTT, W.; POREMBSKI, S.; FISCHER, E.; GEMMEL, B. First protozoa-trapping plant found. *Genlisea*. Subterranean leaves, modified & hollow. **Nature**. v. 392, n. 447, 1998.
- BERGSTEN, J.; BILTON, D. T.; FUJISAWA, T.; ELLIOTT, M.; MONAGHAN, M. T.; BALKE, M.; HENDRICH, L.; GEIJER, J.; HERRMANN, J.; FOSTER, G. N.; RIBERA, I.; NILSSON, A. N.; BARRACLOUGH, T. G.; VOGLER, A. The Effect of Geographical Scale of Sampling on DNA Barcoding. **SYSTEMATIC BIOLOGY**. v. 61, 2012.
- CASPER, S. J. Monographie der Gattung *Pinguicula* L. **Bibliotheca Botanica**. v. 127 / 128, p. 1 – 209, 1966.

CBOL PLANT WORKING GROUP. HOLLINGSWORTH, P. M.; FORREST, L. L.; SPOUGE, J. L.; HAJIBABAEI, M.; RATNASINGHAM, S.; VAN DER BANK, M.; CHASE, M. W.; COWAN, R. S.; ERICKSON, D. L.; FAZEKAS, A. J.; GRAHAM, S. W.; JAMES, K. E.; KIM, K. J.; KRESS, W. J.; SCHNEIDER, H.; VAN ALPHENSTAHL, J.; BARRETT, S. C. H.; VAN DEN BERG, C.; BOGARIN, D.; BURGESS, K. S.; CAMERON, K. M.; CARINE, M.; CHACÓN, J.; CLARK, A.; CLARKSON, J. J.; CONRAD, F.; DEVEY, D. S.; FORD, C. S.; HEDDERSON, T. A. J.; HOLLINGSWORTH, M. L.; HUSBAND, B. C.; KELLY, L. J.; KESANAKURTI, P. R.; KIM, J. S.; KIM, Y. D.; LAHAYE, R.; LEE, H. L.; LONG, D. G.; MADRIÑÁN, S.; MAURIN, O.; MEUSNIER, I.; NEWMASER, S. G.; PARK, CH. W.; PERCY, D. M.; PETERSEN, G.; RICHARDSON, J. E.; SALAZAR, G. A.; SAVOLAINEN, V.; SEBERG, O.; WILKINSON, M. J.; YI, D. K.; LITTLE, D. P.; A DNA barcode for land plants. **Proceedings of the National Academy of Sciences USA**, v. 106, p. 12794 - 12797, 2009.

CHASE, M. W.; SALAMIN, N.; WILKINSON, M.; DUNWELL, J. M.; KESANAKURTH, R. P.; HAIDAR, N.; SAVOLAINEN, V. Land plants and DNA barcodes: short-term and long-term goals. **Philosophical Transactions of the Royal Society B: Biological Sciences**, v. 360, p. 1889 - 1895, 2005.

CHASE M. W.; COWAN R. S.; HOLLINGSWORTH P. M.; BERG, C.V.D.; MADRINAN S.; PETERSEN G.; SEBERG O.; JORGENSEN T.; CAMERON K. M.; CARINE M.; PEDERSEN N.; HEDDERSON T. A. J.; CONRAD F.; SALAZAR G. A.; RICHARDSON J. E.; HOLLINGSWORTH M. L.; BARRACLOUGH T. G.; KELLY L WILKINSON. A proposal for a standardised protocol to barcode all land plants. **Taxon**. v. 56, p. 295 - 299, 2007.

CHEN S. L.; YAO H.; HAN J. P.; LIU C.; SONG J. Y. Validation of the ITS2 region as a novel DNA barcode for identifying medicinal plant species. **PLoS ONE**. v. 5, 2010.

CHINA PLANT BOL GROUP; LI, D. Z.; GAO, L. M.; LI, H. T.; WANG, H.; GE, X.J; LIU, J.Q.; CHEN, Z. D; ZHOU, S. L.; YANG, J. B.; FU, C. X.; ZENG, C. X; YAN, H. F.; ZHU, Y. J.; SUN, Y. S.; CHEN, S. Y.; ZHAO, L.; WANG, K.; YANG, T.; DUAN, G. W. Comparative analysis of a large dataset indicates that internal transcribed spacer (ITS) should be incorporated into the core barcode for seed plants. **Proceedings of the National Academy of Sciences USA**, v. 108, p. 19641 – 19646, 2011.

CHRISTINA V.L.; ANNAMALAI A. Nucleotide based validation of *Ocimum* species by evaluating three candidate barcodes of the chloroplast region. **Molecular Ecology and Resources**, v. 14, n. 1, p. 60 - 68, 2014.

CIESLAK, T.; POLEPALLI, J. S.; WHITE, A.; MÜLLER, K.; BORSCH, T.; BARTHLOTT, W.; STEIGER, J.; MARCHANT, A.; LEGENDRE, L. Phylogenetic analysis of *Pinguicula* (Lentibulariaceae): chloroplast DNA sequences and morphology support several geographically distinct radiations. **American Journal of Botany**. v. 92, p. 1723 - 1736, 2005.

CLEMENT, W. L.; DONOGHUE, M. J. Barcoding success as a function of phylogenetic relatedness in *Viburnum*, a clade of woody angiosperms. **BMC Evolutionary Biology**, v. 12, p. 73, 2012.

CLIVATI, D.; CORDEIRO, G. D.; PLACHNO, B. J.; MIRANDA, V. F. O. de. Reproductive biology and pollination of *Utricularia reniformis* A.St.-Hil. (Lentibulariaceae). **Plant Biology**, v. 16, p. 677 – 682, 2014.

COWAN R.S.; CHASE M.W.; KRESS W.J.; SAVOLAINEN V. 300,000 species to identify: problems, progress, and prospects in DNA barcoding of land plants. **Taxon**, v. 55, p. 611 - 616, 2006.

DE MATTIA F.; BRUNI I.; GALIMBERTI A.; CATTANEO F.; CASIRAGHI M.; LABRA M. A comparative study of different DNA barcoding markers for the identification of some members of Lamiaceae. **Food Research International**, v. 44, p. 693 - 702, 2011.

DONG, W.; XU, C.; LI, C.; SUN, J.; ZUO, Y.; SHI, S.; CHENG, T.; GUO, J.; ZHOU, S. *ycf1*, the most promising plastid DNA barcode of land plants. **Scientific Reports**, v. 5, 2015.

DOYLE, J.J.; DOYLE, J.L. A rapid DNA isolation method for small quantities of fresh tissues. **Phytochem. Bull. Bot. Soc. Amer.** v. 19, p. 11 - 15, 1987.

DROUIN, G., DAOUD, H., XIA, J. Relative rates of synonymous substitutions in the mitochondrial, chloroplast and nuclear genomes of seed plants. **Molecular Phylogenetics and Evolution**, v. 49, p. 827 - 831, 2008.

EGAN, A.N.; SCHLUETER, J.; SPOONER, D.M. Applications of next-generation sequencing in plant biology. **American journal of botany**, v. 99, n. 2, p. 175 - 185, 2012.

ELLISON, A. M.; GOTELLI, N. J. Evolutionary ecology of carnivorous plants. **Trends in Ecology & Evolution**, v. 16, n. 11, p. 623 - 629, 2001.

ELLISON, A. M.; GOTELLI, N. J. Energetics and the evolution of carnivorous plants-Darwin's "most wonderful plants in the world". **Journal of Experimental Botany**, v. 60, p. 19 – 42, 2009.

ERICKSON, D. L.; SPOUGE, J.; RESCH, A.; WEIGT, L. A.; KRESS, J. W. DNA barcoding in land plants: developing standards to quantify and maximize success. **Taxon**, v. 57, p. 1304 – 1316, 2008.

ERNST, A. Revision der Gattung *Pinguicula*. **Botanische Jahrbur Systematik, Pflanzengeschichte und Pflanzengeographie**, v. 80, p. 145 – 194, 1961.

FAZEKAS A. J.; BURGESS K. S.; KESANAKURTI P. R.; GRAHAM S. W.; NEWMASER S. G.; HUSBAND, B. C.; PERCY, D. M.; HAJIBABAEI, M.; BARRET, S. C. H. Multiple Multilocus DNA Barcodes from the Plastid Genome Discriminate Plant Species Equally Well. **PLoS ONE**, v. 3, n. 7, 2008.

FEDERICI, S.; GALIMBERT, A.; BARTOLUCCI, F.; BRUNI, I.; MATTIA, F.; CORTIS, P.; LABRA, M. DNA barcoding to analyse taxonomically complex groups in plants: the case of *Thymus* (Lamiaceae). **Botanical Journal of the Linnean Society**, v. 171, p. 687 - 699, 2013.

FENG, J.; JIANG, D.; SHANG, H.; DONG, M.; WANG, G.; HE, X.; ZHAO, C.; MAO, K. Barcoding Poplars (*Populus* L.) from Western China. **Plos ONE**, v. 8, 2013.

FISCHER, E.; BARTHLOTT, W.; SEINE, R.; THEISEN, I. Lentibulariaceae. In: Kubitzki K. The Families and Genera of Vascular Plants. Berlin : **Springer**. 2004.

FLEISCHMANN, A. *Monograph of the Genus Genlisea*. **Redfern Natural History Productions Poole**, Dorset, England, 727 pp., 2012.

FLEISCHMANN, A.; MICHAEL, T. P.; RIVADAVIA, F.; SOUSA, A.; WANG, W.; TEMSCH, E. M.; GREILHUBER, J.; MÜLLER, K. F.; HEUBL, G. Evolution of genome size and chromosome number in the carnivorous plant genus *Genlisea* (Lentibulariaceae), with a new estimate of the minimum genome size in angiosperms. **Annals of Botany**, v. 114, p. 1651–1663, 2014.

FLOYD, R.; EYUALEM, A.; PAPERT, A.; BLAXTER, M. L. Molecular barcodes for soil nematode identification. **Molecular Ecology**. v. 11, p. 839 – 850, 2002.

FROMM-TRINTA, E. Lentibulariaceae do Brasil. Utriculárias Aquáticas I. **Bradea**. v. 4, n. 29, p. 188 - 210, 1985.

FROMM-TRINTA, E. Lentibulariaceae do Brasil II. Utriculárias Epífitas. **Bradea**. v. 5, n. 9, p. 91 - 107, 1988.

FROMM-TRINTA, E. O gênero *Utricularia* L. no Brasil V. espécies da região sudeste. **Bradea**. v. 5, n. 24, p. 267 - 274, 1989.

FROMM-TRINTA, E. Lentibulariaceae do Brasil. Utriculárias Aquáticas II, espécies fixas. **Bradea**. v. 6, n. 1, p. 1 - 12, 1991.

FROMM-TRINTA, E. Flora da Serra do Cipó, Minas Gerais: Lentibulariaceae. **Boletim de Botânica da Universidade de São Paulo**. v. 14, p. 105 - 118, 1996.

FU Y.M.; JIANG W.M.; FU C.X. Identification of species within *Tetrastigma* (Miq.) Planch. (Vitaceae) based on DNA barcoding techniques. **Journal of Systematics Evolution**, v. 49, n. 3, p. 237 - 245, 2011.

GAO T.; YAO H.; SONG J.; LIU C.; ZHU Y.; MA X. Identification of medicinal plants in the family Fabaceae using a potential DNA barcode ITS2. **Journal of Ethnopharmacology**, v. 130, p. 116 – 121, 2010.

GHAHRAMANZADEH, R.; ESSELINK, G.; KODDE, L. P.; DUISTERMAAT, H.; WIEL, C. C. M. V. D. Efficient distinction of invasive aquatic plant species from non-invasive related species using DNA barcoding. **Molecular Ecology Resources**, v. 13, p. 21 - 31, 2013.

GIVNISH, T. J.; BURKHARDT, E. L.; HAPPED, R. E.; WEINTRAUB, J. D. Carnivory in the bromeliad *Brocchinia reducta*, with a cost/benefit model for the general restriction of carnivorous plants to sunny, moist, nutrient-poor habitats. **The American Naturalist**, v. 124, n. 4, p. 479 – 497, 1984.

GREILHUBER, J.; BORSCH, T.; MÜLLER, K.; WORBERG, A.; POREMBSKI, S.; BARTHLOTT, W. Smallest angiosperm genomes found in Lentibulariaceae, with chromosomes of bacterial size. **Plant Biology**, v. 8, p. 770 - 777, 2006.

GUISANDE, C.; GRANADO-LORENCIO, C.; ANDRADE-SOSSA, C.; DUQUE, S. R. Bladderworts. **Functional Plant Science and Biotechnology**, v. 1, n. 1, p. 58 - 68, 2007.

GUO, X.; SIMMONS M.P.; BUT P.P.H.; SHAW P.C.; WANG R.J. Application of DNA barcodes in *Hedyotis* L. (Spermacoceae, Rubiaceae). **Journal of Systematics and Evolution**, v. 49, p. 203 - 212, 2011.

HAJIBABAEI M.; SINGER G.A.C.; HEBERT P.D.N.; HICKEY D.A. DNA barcoding: how it complements taxonomy, molecular phylogenetics and population genetics. **Trends Genet**, v. 23, p. 167 - 172, 2007.

HALL, T. A. BioEdit: a user-friendly biological sequence alignment editor and analysis program for Windows 95/98/NT. **Nucleic Acids. Symp. Ser.** n. 41, p. 95 - 98, 1999.

HAMILTON, M. B. Four primer pairs for the amplification of chloroplast intergenic regions with intraspecific variation. **Molecular Ecology**, v. 8, p. 521 - 523, 1999.

HAUSNER, G.; OLSON, R.; SIMON, D.; JOHNSON, I.; SANDERS, E. R.; KAROL, K. G.; McCOURT, R. M.; ZIMMERLY, S. ORIGIN AND EVOLUTION OF THE CHLOROPLAST trnK (MATk) intron: a model for evolution of group II intron RNA structures. **Molecular biology and evolution**. v. 23, p. 380 – 391, 2006.

HEBERT P. D. N.; CYWINSKA A.; BALL S. L.; DE WAARD J. R. Biological identifications through DNA barcodes. **Proceedings of the Royal Society of London B**, v. 270, p. 313 – 322, 2003.

HENNING, W. Phylogenetic systematics. University of Illinois, Press, 1966.

HESLOP-HARRISON, Y. *Pinguicula* L. **Journal of Ecology**, v. 92, n. 6, p. 1071 – 1118, 2004.

HOBBHANN, N.; KÜCHMEISTER, H.; POREMBSKI, S. Pollination Biology of Mass Flowering Terrestrial *Utricularia* species (Lentibulariaceae) in the Indian Western Ghats. **Plant Biology**, v. 8, p. 791 – 804, 2006.

HOLLINGSWORTH, M. L.; CLARK, A.; FORREST, L. L.; RICHARDSON, J.; PENNINGTON, R. T.; LONG, D. G.; COWAN, R.; CHASE, M. W.; GAUDEUL, M.; HOLLINGSWORTH, P. M. Selecting barcoding loci for plants: Evaluation of seven candidate loci with species-level sampling in three divergent groups of land plants. **Molecular Ecology Res.** v. 9, p. 439 – 457, 2009.

HOLLINGSWORTH P. M.; GRAHAM S. W.; LITTLE D. P. Choosing and using a plant DNA barcode. **PloS ONE**, v. 6, 2011.

HUYNH, K.-L. Étude de la morphologie du pollen du genre *Utricularia* L. **Pollen et Spores**, v. X, n. 1, p. 11 – 55, 1968.

IBARRA-LACLETTE, E.; ALBERT, V. A.; ESTRELLA, A. H.; ESTRELLA, L. H. Is GC bias in the nuclear genome of the carnivorous plant *Utricularia* driven by ROS-based mutation and biased gene conversion? **Plant Signaling & Behavior**, v. 6, n. 11, p. 1631 – 1634, 2011.

IBARRA-LACLETTE, E.; LYONS, E.; HERNÁNDEZ-GUZMÁN, G.; PÉREZ-TORRES, C. A.; CARRETERO-PAULET, L.; CHANG, T.-H.; HERRERA-ESTRELLA, L.. Architecture and evolution of a minute plant genome. **Nature**, p. 1 – 6, 2013.

JINBO, U.; KATO, T.; ITO M. Current progress in DNA barcoding and future implications for entomology. **Entomological Science**. v. 14, n. 2, p. 107 - 124, 2011.

JOBSON, R. W.; ALBERT, V. Molecular Rates Parallel Diversification Contrasts between Carnivorous Plant Sister Lineages. **Cladistics**, v. 18, p. 127 - 136, 2002.

JOBSON, R. W.; PLAYFORD, J.; CAMERON, K. M.; ALBERT, V. Molecular Phylogenetics of Lentibulariaceae Inferred from Plastid *rps16* Intron and *trnL-F* DNA sequences: Implications for Character Evolution and Biogeography. **Systematic Botany**, v. 28, n. 1, p. 157 - 171, 2003.

JOBSON R.; NIELSEN R.; LAAKKONEN L.; WIKSTRÖM M.; ALBERT V. Adaptive evolution of cytochrome *c* oxidase: infrastructure for a carnivorous plant radiation. **Proceedings of the National Academy of Sciences**, n. 101, p. 18064 - 18068, 2004.

JUDD, W. S.; CAMPBELL, C. S.; KELLOGG, E. A.; STEVENS, P. F. Plant Systematics: A Phylogenetic Approach. **Sinauer Associates, INC.** Sunderland, Massachusetts, USA, 1999.

JUNIPER, B. E.; ROBINS, R. J.; JOEL, D. M. The Carnivorous Plants. **Academic Press**, London, 1989.

KANVAH, S.; JOSEPH, J.; SCHUSTER, G. B.; BARNETT, R. N.; CLEVELAND, C. L.; LANDMAN, U. Oxidation of DNA: Damage to nucleobases. **Accounts of Chemical Research**, v. 43, n. 2, p. 280 – 287, 2010.

KATOH, K.; MISAWA, K.; KUMA, K.; MIYAVA, T. MAFFT: a novel method for rapid multiple sequence alignment based on fast Fourier transform. **Nuc. Ac. Res.** n. 30, p. 3059 - 3066, 2002.

KHOSLA, C.; SHIVANNA, K. R.; RAM, H. Y. M. Pollination in aquatic insectivore *Utricularia inflexa* var. *stellaris*. **Phytomorphology**, v. 48, n. 4, p. 417 – 425, 1998.

KIM, H. M.; OH, S. H.; BHANDARI, G. S.; KIM, C. S. & PARK, C. W. DNA barcoding of Orchidaceae in Korea. **Molecular Ecology and Resources**, v. 14, p. 499 - 507, 2014.

KONDO, K. A Comparison of Variability in *Utricularia cornuta* and *Utricularia juncea*. **American Journal of Botany**, v. 59, n. 1, p. 23 – 37, 1972.

KONDO, K.; SEGAWA, M.; NEHIRA, K. Anatomical Studies on Seeds and Seedlings of Some *Utricularia* (Lentibulariaceae). **Brittonia**, v. 30, n. 1, p. 89 – 95, 1978.

KRESS, W. J.; WURDACK, K. J.; ZIMMER, E. A.; WEIGT, L. A.; JANZEN, D. H. Use of DNA barcodes to identify flowering plants. **Proceedings of the National Academy of Sciences** v. 102, p. 8369 - 8374, 2005.

KRESS W. J.; ERICKSON D. L. A two-locus global DNA barcode for land plants: the coding *rbcl* gene complements the non-coding *trnH-psbA* spacer region. **PLoS ONE**, v. 2, 2007.

KRESS, J.; ERICKSON, D. L. DNA barcodes: Genes, genomics, and bioinformatics. **Proc Natl Acad Sci**, v. 105, p. 2761 – 2762, 2008.

KRÓL, E.; PLACHNO, B. J.; ADAMEC, L.; STOLARZ, M.; DZIUBIŃSKA, H.; TREBACZ, K. Quite a few reasons for calling carnivores “the most wonderful plants in the world”. **Annals of Botany**, v. 109, n. 1, p. 47 – 64, 2011.

KUBO, T.; NEWTON, K. J. Angiosperm mitochondrial genomes and mutations, **Mitochondrion**. v. 8, p. 5 - 14, 2008.

LAACKONEN, L.; JOBSON, R. W.; ALBERT, V. A. A new model for the evolution of carnivory in the bladderwort plant (*Utricularia*): adaptive changes in cytochrome C oxidase (COX) provide respiratory power. **Plant Biology**, v. 8, n. 6, p. 758 – 64, 2006.

LAHAYE, R.; BANK, M. V. D.; BOGARIN, D.; WARNER, J.; PUPULIN, F.; GIGOT, G.; MAURIN, O.; DUTHOIT, S.; BARRACLOUGH, T. G.; SAVOLAINEN, V. DNA barcoding the floras of biodiversity hotspots. **Proceedings of the National Academy of Sciences**, v. 105, p. 2923 – 2928, 2008.

LARSON, B. M. H. DNA barcoding: the social frontier. **Front Ecol Environ**. v. 5, p. 437 – 442, 2007.

LEDFORD, H. Botanical identities: DNA barcoding for plants comes a step closer. **Nature**, v. 451, n. 616, 2008.

LIU Z.; ZENG X.; YANG D.; CHU G.; YUAN Z.; CHEN S. Applying DNA barcodes for identification of plant species in the family Araliaceae. **Gene**, v. 499, n. 1, p. 76 - 80, 2012.

LLOYD, F. E. The Carnivorous Plants. **The Ronald Press Company**, New York, 1942.

LODHI M. A.; YE G. N.; WEEDEN N. F.; REISCH B. I. A simple and efficient method for DNA extraction from grapevine cultivars and vitis species. **Plant Molecular Biology Repoter**, v. 12, n. 1, p. 6 - 13, 1994.

MASON-GAMER, R. J., WELL, C. F., KELLOGG, E. A. Granule-bound starch synthase: structure, function, and phylogenetic utility. **Mol. Biol. Evol.** v. 15, p. 1658 - 1673, 1998.

MIRANDA, V. F. O. de; MARTINS, V. G.; FURLAN, A.; JR, M. B. Plant or Fungal Sequences? An Alternative Optimized PCR Protocol to Avoid ITS (nrDNA) Misamplification. **Genetics and Molecular Biology**, n. 53, p. 141 – 152, 2010.

MIRANDA, V. F. O.; MENEZES, C. G.; SILVA, S. R.; DÍAZ, Y. C. A.; RIVADAVIA, F. *Lentibulariaceae* in **Lista de Espécies da Flora do Brasil**. Jardim Botânico do Rio de Janeiro. Disponível em: <<http://floradobrasil.jbrj.gov.br/jabot/floradobrasil/FB8570>>. Acesso em: 12 Mai. 2015

MOWER, J.P.; TOUZET, P.; GUMMOW, J. S.; DELPH, L. F.; PALMER, J. D. Extensive variation in synonymous substitution rates in mitochondrial gene of seed plants. **BMC Evol Biol**, v. 7, p. 135, 2007.

MÜLLER, K.; BORSCH, T.; LEGENDRE, L.; POREMBSKI, S.; BARTHLOTT, W. A phylogeny of Lentibulariaceae based on sequences of *matK* and adjacent non-coding regions. **American Journal of Botany**. v. 87, p. 145 - 146, 2000.

MÜLLER, K.; BORSCH, T.; LEGENDRE, L.; POREMBSKI, S.; THEISEN, I.; BARTHLOTT, W. Evolution of carnivory in Lentibulariaceae and the Lamiales. **Plant Biology**, n. 6, p. 477 - 490, 2004.

MÜLLER, K.; BORSCH, T. Phylogenetics of *Utricularia* and molecular evolution of the *trnK* intron in a lineage with high substitutional rates. **Plant Systematic and Evolution**, v. 250, p. 39 - 67, 2005.

MÜLLER, K. F.; BORSCH, T.; LEGENDRE L.; POREMBSKI, S.; BARTHLOTT, W. Recent Progress in Understanding the Evolution of Carnivorous Lentibulariaceae (Lamiales). **Plant Biology**, v. 8, p. 748 – 757, 2006.

NEWMMASTER, S. G.; FAZEKAS, A. J.; RAGUPATHY, S. DNA barcoding in land plants: evaluation of *rbcL* in a multigene tiered approach. **Can. J. Bot**, v. 84, p. 335 – 341, 2006.

PANG, X.; LIU, C.; SHI, L.; LIU, R.; LIANG, D.; LI, H.; CHERNY, S.S.; CHEN, S. Utility of the *trnH-psbA* intergenic spacer region and its combinations as plant DNA barcodes: A meta-analysis. **PLoS ONE**, v. 7, 2012.

PAVLOVIC, A.; SAGANOVÁ, M. A novel insight into the cost-benefit model for the evolution of botanical carnivory. **Annals of Botany**, v. 115, p. 1075 – 1092, 2015.

PENNISI E. Taxonomy. Wanted: a barcode for plants. **Science**, v. 318, p. 190 – 191, 2007.

PETTENGIL, J. B.; NEEL, M. C. An Evaluation of Candidate Plant DNA Barcodes and Assignment Methods in Diagnosing 29 Species in the Genus *Agalins* (Orobanchaceae). **American Journal of Botany**, v. 97, n. 8, 2010.

PLACHNO, B. J.; KOZIERADZKA-KISZKURNO, M.; ŚWIĄTEK, P.; DARNOWSKI, D. W. Prey attraction in carnivorous *Genlisea* (Lentibulariaceae). **Acta Biologica Cracoviensia Series Botanica**. v. 50, n. 2, p. 87 – 94, 2008.

RAN, J. H.; WANG, P. P.; ZHAO, H. J.; WANG, X. Q. A test of Seven Candidate Barcode Regions from the Plastome in *Picea* (Pinaceae). **J. Integr. Plant Biol.**, v. 52, p. 1109 - 1126, 2010.

RATNASINGHAM S.; HEBERT P. D. N. BOLD: The Barcode of Life Data System. **Molecular Ecology Notes**. v.7, p. 355 - 364, 2007. Disponível em: <<http://www.barcodinglife.org>>. Acesso em 21/10/2013.

RAVEN, J. A. Rubisco: still the most abundant protein of Earth?. **New Phytologist**. v. 198, p. 1 – 3, 2013.

REIFENRATH, K.; THEISEN, I.; SCHNITZLER, J.; POREMBSKI, S.; BARTHLOTT, W. Trap architecture in carnivorous *Utricularia* (Lentibulariaceae). **Flora**, v. 201, p. 597 – 605, 2006.

RUTISHAUSER, R.; ISLER, B. Developmental genetics and morphological evolution of flowering plants, especially bladderworts (*Utricularia*): fuzzy arberian morphology complements classical morphology. **Annals of Botany**, v. 88, p. 1173 – 1202, 2001.

SAITOU, N.; NEI, M. The neighbor-joining method: a new method for reconstructing phylogenetic trees. **Mol. Biol. Evol.**, v. 4, p. 406 - 425, 1987.

SASS C.; LITTLE D.P.; STEVENSON D.W.; E SPECHT C.D. DNA barcoding in the Cycadales: testing the potential of proposed barcoding markers for species identification of cycads. **PLoS ONE**, v. 2, 2007.

SCHAFERHOFF, B.; FLEISCHMANN, A.; FISCHER, E.; ALBACH, D. C.; BORSCH, T.; HEUBL, G.; MULLER, K. F. Towards resolving Lamiales relationships: insights from rapidly evolving chloroplast sequences. **BMC Evolutionary Biology**, v. 10, 2010.

SEBERG, O.; PETERSEN, G. How many loci does it take to DNA barcode acrocosus?. **PloS ONE**. v. 4, 2009.

SIROVÁ D.; ADAMEC L.; VRBA J. Enzymatic activities in traps of four aquatic species of the carnivorous genus *Utricularia*. **New Phytologist**. v. 159, p. 669 - 675, 2003.

SIROVÁ D.; BOROVEC J.; ČERNÁ B.; REJMÁNKOVÁ E.; ADAMEC L.; VRBA J. Microbial community development in the traps of aquatic *Utricularia* species. **Aquatic Botany**, v. 90, p. 129 - 136, 2009.

SOHMA, K. Pollen morphology of the Japanese species of *Utricularia* L. and *Pinguicula* L. with notes on fossil pollen of *Utricularia*. **Journal of Japanese Botany**, v. 50, p. 164–179, 1975.

SOLTIS, P. S.; SOLTIS, D. E.; DOYLE, J. J. Molecular systematics of plantsII: DNA sequencing. **Springer**. New York, 1998.

SPER-WHITS, G. L.; MOODY, J. L.; VAUGHN, J. C. Universality of mitochondrial RNA editing in cytochrome-c oxidase subunit I (COXI) among the land plants. **Biochimica et Biophysica Acta**, p. 301 – 308, 1996.

STARR, J. R.; NACZI, R. F. C.; CHOUINARD, B. N. Plant DNA barcodes and species resolution in sedges (*Carex*, Cyperaceae). **Molecular Ecology and Resources**, v. 9, s. 1, p. 151 -163, 2009.

STOECKLE, M.; WAGGONER, P. E.; AUSUBEL, J. H. Barcoding Life, Illustrated. **Goals, Rationale, Results**, v. 13, 2005. Disponível em: <http://phe.rockefeller.edu/PDF_FILES/BLIllustrated26jan04print%20v1-3.pdf>. Acesso em: 01/06/2014.

STÖVER B. C.; MÜLLER K. F. TreeGraph 2: Combining and visualizing evidence from different phylogenetic analyses. **BMC Bioinformatics**, v. 11, n. 7, 2010.

SWOFFORD, D.L. PAUP *. Phylogenetic Analysis Using Parsimony (* and Others Methods). (ver 4.0b10). **Sinauer Associates Inc.**, Sunderland, MA, 2002.

TABERLET, P.; GIELLY, L.; PAUTOU, G.; BOUVET, J. Universal primers for amplification of three non-coding regions of chloroplast DNA. **Plant Molecular Biology**, v. 17, n. 5, p. 1105 – 1109, 1991.

TAMURA, K.; STECHER, G.; PETERSON, D.; FILIPSKI, A. & KUMAR, S. MEGA6: Molecular Evolutionary Genetics Analysis version 6.0. **Molecular Biology and Evolution**, 2013.

TAYLOR, P. The Genus *Utricularia* – A Taxonomic Monograph. Kew Bulletin Additional Series XIV. **Royal Botanic Gardens**, Kew. London, 1989.

THANIKAIMONI, G. Pollen morphology of the genus *Utricularia*. **Pollen et Spores**, v. 8, n. 2, p. 265 – 285, 1966.

THOMPSON, J. D.; HIGGINS, D. G.; GIBSON, T. J. CLUSTAL W: improving the sensitivity of progressive multiple sequence alignment through sequence weighting, positions-specific gap penalties and weight matrix choice. **Nucleic Acids Res.** v. 22, p. 4673 - 4680, 1994.

VAUGHN, J. C.; MASON, M. T.; SPER-WHITIS, G. L.; KUHLMAN, P.; PALMER, J. D. Fungal origin by horizontal transfer of a plant mitochondrial group I intron in the chimeric *Coxl* gene of *Peperomia*. **Journal of Molecular Evolution**, v. 41, p. 563 – 572, 1995.

VERNOOY, R.; HARIBABU, E.; RUIZ, M. M.; VOGEL, J. H.; HEBERT, P. D. N.; SCHINDEL, D. E.; SHIMURA, J.; SINGER, G. A. C. Barcoding life to conserve biological diversity: beyond the taxonomic imperative. **PloS Biology**, v. 8, n. 7, 2010.

YAMAMOTO, I.; KADONO, Y. A study on the reproductive biology of aquatic *Utricularia* species in southwestern Japan. **Acta Phytotaxonomica et Geobotanica**, v. 41, p. 189 – 200, 1990.

YAN, H. F.; HAO, G.; HU, C.M.; GE, X. J. DNA barcoding in closely related species: A case study of *Primula* L. sect. *Proliferae* Pax (Primulaceae) in China. **Journal of Systematics and Evolution**, v. 49, p. 225 –236, 2011.

YANG, Y. P.; LIU, H. Y.; CHAO, Y. S. Trap gland morphopogy and its systematic implications in Taiwan *Utricularia* (Lentibulariaceae). **Flora**, v. 204, p. 692 – 699, 2009.

ZHANG, W.; FAN, X.; ZHU, S.; ZHAO, H., FU, L. Species-Specific Identification from Incomplete Sampling: Applying DNA Barcodes to Monitoring Invasive *Solanum* Plants. **PLoS ONE**, v. 8, 2013.

ZIMMER, E. A.; WEN, J. Reprint of: Using nuclear gene data for plant phylogenetics: Progress and prospects. **Molecular Phylogenetics and Evolution**, v. 66, p. 539 - 550, 2013.

[illegible]

[illegible]

	210	220	230	240	250	260	270	280	290
USIMUL1	tag	aatggaagagggacaa	atca			aataaagttagcgccaa	caacc	gaactaaat	a
UPARTH1	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaaggcgccaa	caacc	gaactaaat	a
UPARTH5	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaaggcgccaa	caacc	gaactaaat	a
UPARTH2	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaaggcgccaa	caacc	gaactaaat	a
UPARTH4	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaaggcgccaa	caacc	gaactaaat	a
UPARTH3	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaaggcgccaa	caacc	gaactaaat	a
ULACIN1	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaagcagccaa	caacc	gaactaaat	caaaa
ULACIN3	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaagcagccaa	caacc	gaactaaat	caaaa
ULACIN4	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaagcagccaa	caacc	gaactaaat	caaaa
ULACIN5	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaagcagccaa	caacc	gaactaaat	caaaa
ULACIN6	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaagcagccaa	caacc	gaactaaat	caaaa
ULACIN2	tag	aaoggaaagatcgacaa	at			aaaaagcagccaa	caacc	gaactaaat	caaaa
URENIF1	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
URENIF2	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
URENIF3	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
URENIF4	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
URENIF6	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
URENIF7	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
URENIF5	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
UNELUM2	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
UNELUM5	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
UNELUM6	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c
UNELUM4	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttatac	aaaaaaggcgccaa	cagcc	gaactaaat	c

UNELM3	ata	gat	agatagacaa	ataataac	tttattttat	aaaaaagcggcgccaaacagcc	gaactaaat
UHISP1	ata	gatagagagatcgacaa	atcggaa	tttatttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UHISP5	ata	gatagagagatcgacaa	atcggaa	tttatttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UHISP6	ata	gatagagagatcgacaa	atcggaa	tttatttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UHISP4	ata	gatagagagatcgacaa	atcggaa	tttatttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UHISP3	ata	gatagagagatcgacaa	atcggaa	tttatttttag	taaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
ULONG3	ata	gatatagaaatcgacaa	attaggaa	tttatttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
ULONG4	ata	gatatagaaatcgacaa	attaggaa	tttatttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
ULONG5	ata	gatatagaaatcgacaa	attaggaa	tttatttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UCALY1	ata	gatagagagatagacaa	attggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UCALY2	ata	gatagagagatagacaa	attggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UARENA1	gta	gatcgcaagatcaaccca	atgaggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UARENA2	gta	gatcgcaagatcaaccca	atgaggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UARENA3	gta	gatcgcaagatcaaccca	atgaggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UARENA5	gta	gatcgcaagatcaaccca	atgaggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UARENA6	gta	gatcgcaagatcaaccca	atgaggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UARENA4	gta	gatcgcaagatcaaccca	atgaggaa	tttttttttag	aaaaaagcggggccaaacaccc	gaactaaat	
UGIBB1	atattatcgat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat	
UGIBB2	atattatcgat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat	
UGIBB4	atattatcgat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat	
UGIBB3	atattatcgat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat	
UGIBB5	atattatcgat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat	
UGIBB6	ata	gat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat
UGIBB7	ata	gat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat
UGIBB8	ata	gat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat
USTR1	ata	gat	atagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	aaaaaagtggggccaaacaccc	caataaaaat
UINF1	ata	atagagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	taaaaaagtggcgccaaacaccc	gaataaaaat	
UFOLI1	ata	gatagagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	taaaaaagtggcgccaaacaccc	gaactaaat	
UFOLI5	ata	gatagagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	taaaaaagtggcgccaaacaccc	gaactaaat	
UFOLI2	ata	gatagagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	taaaaaagtggcgccaaacaccc	gaactaaat	
UFOLI3	ata	gatagagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	taaaaaagtggcgccaaacaccc	gaactaaat	
UFOLI4	ata	gatagagagatagacaa	attgggga	tttttttttag	taaaaaagtggcgccaaacaccc	gaactaaat	
UAMETH3	aat	aatagagagatggacaa	atcggaa	tttttttttag	aaaaaagcgaaggccaaacaccc	gaactaaaa	
UAMETH4	aat	aatagagagatggacaa	atcggaa	tttttttttag	aaaaaagcgaaggccaaacaccc	gaactaaaa	
UTRICO1	cta	gatcgagagatcgacaa	atcggaa	tttttttttag	aaaaaagcgaaggccaaacaccc	gaactaaat	
UTRICO3	cta	gatcgagagatcgacaa	atcggaa	tttttttttag	aaaaaagcgaaggccaaacaccc	gaactaaat	
UTRICO4	cta	gatcgagagatcgacaa	atcggaa	tttttttttag	aaaaaagcgaaggccaaacaccc	gaactaaat	
UTRICO5	cta	gatcgagagatcgacaa	atcggaa	tttttttttag	aaaaaagcgaaggccaaacaccc	gaactaaat	
UNEOT1	ata	gatagagaaatcgacgc	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UNEOT4	ata	gatagagaaatcgacgc	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UNEOT5	ata	gatagagaaatcgacgc	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UNEOT2	ata	gatagagaaatcgacgc	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UNEOT3	ata	gatagagaaatcgacgc	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
USUBUL1	taatatagata	gataataatagaggg	atcgggaa	tttttttgat	cgctcgccaaacaccc	gaactaaat	
USUBUL4	taatatagata	gataataatagaggg	atcgggaa	tttttttgat	cgctcgccaaacaccc	gaactaaat	
USUBUL2	ata	gatagataaatcgaggg	atcaggaa	tttttttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
USUBUL3	ata	gatagataaatcgaggg	atcaggaa	tttttttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
USUBUL5	ata	gatagataaatcgaggg	atcaggaa	tttttttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
USUBUL6	ata	gatagataaatcgaggg	atcaggaa	tttttttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UTRIL01	ata	gatagagaaatcgaggg	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UTRIL04	ata	gatagagaaatcgaggg	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UTRIL02	ata	gatagagaaatcgaggg	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat	
UTRIL03	ata	gatagagaaatcgaggg	atcaggaa	tttatttcatac	aaaaaagcgtcgccaaacaccc	gaactaaat</	

(continuação)

	310	320	330	340	350	360	370	380	390
USIMUL1	gggata	tc	aat	tttt	ttt	gtgtta	at	tttt	gtt
UPARTH1	aagggaga	cccg	tttt	at	ttt	gtgttg	gtgttg	at	tttt
UPARTH5	aagggaga	cccg	tttt	at	ttt	gtgttg	gtgttg	at	tttt
UPARTH2	aagggaga	cccg	tttt	at	ttt	gtgttg	gtgttg	at	tttt
UPARTH4	aagggaga	cccg	tttt	at	ttt	gtgttg	gtgttg	at	tttt
UPARTH3	aagggaga	cccg	tttt	at	ttt	gtgttg	gtgttg	at	tttt
ULACIN1	gggggata	cccg	tttt	at	ttt	ttgatt	tagtt	oga	aggc
ULACIN3	gggggata	cccg	tttt	at	ttt	ttgatt	tagtt	oga	aggc
ULACIN4	gggggata	cccg	tttt	at	ttt	ttgatt	tagtt	oga	aggc
ULACIN5	gggggata	cccg	tttt	at	ttt	ttgatt	tagtt	oga	aggc
ULACIN6	gggggata	cccg	tttt	at	ttt	ttgatt	tagtt	oga	aggc
ULACIN2	gggggata	cccg	tttt	at	ttt	ttgatt	tagtt	oga	aggc
URENIF1	aagggga	ctt	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
URENIF2	aagggga	ctt	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
URENIF3	aagggga	ctt	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
URENIF4	aagggga	ctt	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
URENIF6	aagggga	ctt	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
URENIF7	aagggga	ctt	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
URENIF5	aagggga	ctt	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
UNELUM2	aagggga	ctttc	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
UNELUM5	aagggga	ctttc	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
UNELUM6	aagggga	ctttc	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
UNELUM4	aagggga	ctttc	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
UNELUM3	aagggga	ctttc	tc	gaaca	aaatag	acacaa	ataa	agggg	gtat
UHISP1	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
UHISP5	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
UHISP6	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
UHISP4	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
UHISP3	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
ULONG3	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
ULONG4	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
ULONG5	aaggggata	ccccc	tttt	at	ttt	gtgttg	at	tttt	gtt
UCALY1	aaggggata							cccc	ttt
UCALY2	aaggggata							cccc	ttt
UARENA1	aaggat	acccc	ttcc	ott	gtgttg	at	tttt	gtt	oga
UARENA2	aaggat	acccc	ttcc	ott	gtgttg	at	tttt	gtt	oga
UARENA3	aaggat	acccc	ttcc	ott	gtgttg	at	tttt	gtt	oga
UARENA5	aaggat	acccc	ttcc	ott	gtgttg	at	tttt	gtt	oga
UARENA6	aaggat	acccc	ttcc	ott	gtgttg	at	tttt	gtt	oga
UARENA4	aaggat	acccc	ttcc	ott	gtgttg	at	tttt	gtt	oga
UGIBB1	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UGIBB2	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UGIBB4	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UGIBB3	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UGIBB5	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UGIBB6	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UGIBB7	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UGIBB8	aaggta	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
USTRI1	aaggto	cccc	ott		gtgttg	at	tttt	gtt	aga
UINFL1	aaggat	acccc	ttt						
UFOLI1	aaggggt	acccc	tttt	at	tttt	at	tttt	at	tttt
UFOLI5	aaggggt	acccc	tttt	at	tttt	at	tttt	at	tttt
UFOLI2	aaggggt	acccc	tttt	at	tttt	at	tttt	at	tttt
UFOLI3	aaggggt	acccc	tttt	at	tttt	at	tttt	at	tttt
UFOLI4	aaggggt	acccc	tttt	at	tttt	at	tttt	at	tttt
UAMETH3	aaggggata	ctc	ott	ttt	ttt	ttg	at	ttt	ttt
UAMETH4	aaggggata	ctc	ott	ttt	ttt	ttg	at	ttt	ttt
UTRICO1	aaagggc	ottt	caaaa	tc	aaac	acaa	agaaa	ag	gag
UTRICO3	aaagggc	ottt	caaaa	tc	aaac	acaa	agaaa	ag	gag
UTRICO4	aaagggc	ottt	caaaa	tc	aaac	acaa	agaaa	ag	gag
UTRICO5	aaagggc	ottt	caaaa	tc	aaac	acaa	agaaa	ag	gag
UNEOT1								gt	acccc
UNEOT4								gt	acccc
UNEOT5								gt	acccc
UNEOT2								gt	acccc
UNEOT3								gt	acccc
USUBUL1									tt
USUBUL4									tt
USUBUL2									tt
USUBUL3									tt
USUBUL5									tt
USUBUL6									tt
UTRILO1	aat	aag	tg	ga	ta	ct	g	ott	

	410	420	430	440	450	460	470	480	490
USIMUL1	gccccggctgggtcat		tacctagccgggcgtttcagtgaaatacg			aattctag			ctcta
UPARTH1	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
UPARTH5	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttccagcgaataacg			aattctag			acta
UPARTH2	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
UPARTH4	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
UPARTH3	gccccgggtgggtttt		tacccaaacgggggttcccgccaaatttcg			aatttcaa			aata
ULACIN1	gccccggcgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
ULACIN3	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
ULACIN4	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
ULACIN5	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
ULACIN6	gccccggctgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
ULACIN2	gccccggcgggttat		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattctag			acta
URENIF1	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
URENIF2	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
URENIF3	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
URENIF4	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
URENIF6	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
URENIF7	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
URENIF5	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
UNELUM2	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
UNELUM5	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
UNELUM6	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
UNELUM4	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
UNELUM3	gccccggccgggtcag		tacctagccgggcgttcocgcgaataacg			aattatag			acta
UHISP1	gccccggctgggtgag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattgtag			acta
UHISP5	gccccggctgggtgag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattgtag			acta
UHISP6	gccccggctgggtgag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattgtag			acta
UHISP4	gccccggctgggtgag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattgtag			acta
UHISP3	gccccggctgggtgag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattgtag			acta
ULONG3	gccccggctgggtcag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattatag			acta
ULONG4	gccccggctgggtcag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattatag			acta
ULONG5	gccccggctgggtcag		tacctagccgggcattcccgcaataacg			aattatag			acta
UCALY1	gcccgaactgggttcag		tacctagtccgggcgttcacgcgaattaca			aattctaaaaattatagactataaattatagacta			
UCALY2	gcccgaactgggttcag		tacctagtccgggcgttcacgcgaattaca			aattctaaaaattatagactataaattatagacta			
UARENA1	gccccggctgggtcag		taccagctggggattccagcgaataacg			aattctag			agta
UARENA2	gccccggctgggtcag		taccagctggggattccagcgaataacg			aattctag			agta
UARENA3	gccccggctgggtcag		taccagctggggattccagcgaataacg			aattctag			agta
UARENA5	gccccggctgggtcag		taccagctggggattccagcgaataacg			aattctag			agta
UARENA6	gccccggctgggtcag		taccagctggggattccagcgaataacg			aattctag			agta
UARENA4	gccccggctgggtcag		taccagctggggattccagcgaataacg			aattctag			agta
UGIBB1	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta
UGIBB2	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta
UGIBB4	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta
UGIBB3	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta
UGIBB5	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta
UGIBB6	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta
UGIBB7	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta
UGIBB8	gccccggctagggtact		cacccagccgggcgctcccgctaattatg			aattatac			acta

(continuação)

USTR11	gccccggttaggtact	gacccagccccggcgctcaogctaattatgaatttgattatac	acta
UINF11	gccccggtttggtaact	gacccagccccggcggtttcccgcaaaattaog	aattatacaattacgaattat aogaaatta
UFOLI1	gccccggtttggtaact	gacccagccccggcggtttcccgcaaaattaog	aattatac atta
UFOLI2	gccccggtttggtaact	gacccagccccggcggtttcccgcaaaattaog	aattatac atta
UFOLI3	gccccggtttggtaact	gacccagccccggcggtttcccgcaaaattaog	aattatac atta
UFOLI4	gccccggtttggtaact	gacccagccccggcggtttcccgcaaaattaog	aattatac cttta
UAMETH3	gccccggttggttogt	tacctaaccggggcggtttctttccaattaca	aattatag acta
UAMETH4	gccccggttggttogat	tacctaaccggggcggtttctttccaattaca	aattatag acta
UTRICO1	gccccggttggttogag	tacctagccccggcggtttctttccaattaca	aattotag acta
UTRICO3	gccccggttggttogag	tacctagccccggcggtttctttccaattaca	aattotag acta
UTRICO4	gccccggttggttogag	tacctagccccggcggtttctttccaattaca	aattotag acta
UTRICO5	gccccggttggttogag	tacctagccccggcggtttctttccaattaca	aattotag acta
UNEOT1	tacccggccgggttoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aatttttagaataaaat aata
UNEOT4	tacccggccgggttoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aatttttagaataaaat aata
UNEOT5	tacccggccgggttoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aatttttagaataaaat aata
UNEOT2	tacccggctgggttoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattttagaataaaat aata
UNEOT3	tacccggctgggttoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattttagaataaaat aata
USUBUL1	gccccggttgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
USUBUL4	gccccggttgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
USUBUL2	gccccgactgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aat-
USUBUL3	gccccgactgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aat-
USUBUL5	gccccgactgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aat-
USUBUL6	gccccggttgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UTRIL01	gccccagatgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UTRIL04	gccccagatgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UTRIL02	gccccagatgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UTRIL03	gccccagatgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UTRIL06	gccccagatgggtoga	tacctaagctggggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UNERV1	gctcagctgggtoga	tacctaagctaggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UNERV2	gctcagctgggtoga	tacctaagctaggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UNERV3	gctcagctgggtoga	tacctaagctaggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UNERV4	gctcagctgggtoga	tacctaagctaggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UNERV5	gctcagctgggtoga	tacctaagctaggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UNERV6	gctcagctgggtoga	tacctaagctaggcggtttccgattaattaog	aattatag aata
UFLAC1	gacccggttgaatcagttaccta	gacccagctggggcggtttccaggaattatg	aattatat aata
UFLAC5	gacccggttgaatcagttaccta	gacccagctggggcggtttccaggaattatg	aattatat aata
UFLAC2	gacccggttgaatcagttaccta	gacccagctggggcggtttccaggaattatg	aattatat aata
UFLAC3	gacccggttgaatcagttaccta	gacccagctggggcggtttccaggaattatg	aattatat aata
UFLAC4	gacccggttgaatcagttaccta	gacccagctggggcggtttccaggaattatg	aattatat aata
UCUCUL1	gctctgtctagggtoga	tatctagctaggcggtttactggtaattaog	aattatat aata
UCUCUL2	gctctgtctagggtoga	tatctagctaggcggtttactggtaattaog	aattatat aata
UCUCUC3	gctctgtctagggtoga	tatctagctaggcggtttactggtaattaog	aattatat aata
UNANA1	ccccggatgggtoga	tacctaaccggggcggtttccagcaaaattaag	aatttgag acta
UNANA2	ccccggatgggtoga	tacctaaccggggcggtttccagcaaaattaag	aatttgag acta
UNANA3	ccccggatgggtoga	tacctaaccggggcggtttccagcaaaattaag	aatttgag acta
UNANA4	ccccggatgggtoga	tacctaaccggggcggtttccagcaaaattaag	aatttgag acta
UNANA5	ccccggatgggtoga	tacctaaccggggcggtttccagcaaaattaag	aatttgag acta
UNANA6	ccccggatgggtoga	tacctaaccggggcggtttccagcaaaattaag	aatttgag acta

	510	520	530	540	550	560	570	580	590
USIMUL1	ttt					ctatctgatttgaaaa	aaaa		
UPARTH1	ttt					ctatctgatttgaaaa	ccaaaa		
UPARTH5	ttt					ctatctgatttgaaaa	ccaaaa		
UPARTH2	ttt					ctatctgatttgaaaa	ccaaaa		
UPARTH4	ttt					ctatctgatttgaaaa	ccaaaa		
UPARTH3	ttt					ttatctgaatttgaaaa	ccaaaa		
ULACIN1	ttt					ctatctgatttgaaaa	ctaaaa		
ULACIN3	ttt					ctatctgatttgaaaa	ctaaaa		
ULACIN4	ttt					ctatctgatttgaaaa	ctaaaa		
ULACIN5	ttt					ctatctgatttgaaaa	ctaaaa		
ULACIN6	ttt					ctatctgatttgaaaa	ctaaaa		
ULACIN2	ttt					ctatctgatttgaaaa	ctaaaa		
URENIF1	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
URENIF2	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
URENIF3	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
URENIF4	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
URENIF6	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
URENIF7	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
URENIF5	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
UNELUM2	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
UNELUM5	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
UNELUM6	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		
UNELUM4	ttttctat					cattttatogtatttaac	caataaaaa		

(continuação)

```

UNELUM3      tttctat                                     catttatatogtattaacaataaaaaa
UHISP1       tttatatattttt   aatttatattttatatatttatatttatatttatogataoggtattgaaaaaaaaa
UHISP5       tttatatattttt   aatttatattttatatatttatatttatatttatogataoggtattgaaaaaaaaa
UHISP6       tttatatattttt   aatttatattttatatatttatatttatatttatogataoggtattgaaaaaaaaa
UHISP4       tttatatattttt   aa          tttatatattttattttatatatttatogataoggtattgaaaaaaaaa
UHISP3       tttatatattttt   aatttatattttatatatttatatttatatttatogataoggtattgaaaaaaaaaactttt
ULONG3       tttatatattt                                     atoggtattgaaaaaaaaa
ULONG4       tttatatattt                                     atoggtattgaaaaaaaaa
ULONG5       tttatatattt                                     atoggtattgaaaaaaaaa
UCALY1       ttttaataatttattgagatattattttatttagatatttatataat - tattatttagatatttatogataaaaaaa
UCALY2       ttttaataatttattgagatattattttatttagatatttatataat - tattatttagatatttatogataaaaaaa
UARENA1      ttt                                     atotgtattgaaaaaCaaaaa
UARENA2      ttt                                     atotgtattgaaaaCaaaaa
UARENA3      ttt                                     atotgtattgaaaaCaaaaa
UARENA5      ttt                                     atotgtattgaaaaCaaaaa
UARENA6      ttt                                     atotgtattgaaaaCaaaaa
UARENA4      ttt                                     atotgtattgaaaaCaaaaa
UGIBB1      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
UGIBB2      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
UGIBB4      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
UGIBB3      ---                                     atattggtattgaaaaaaaaaata
UGIBB5      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
UGIBB6      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
UGIBB7      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
UGIBB8      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
USTRI1      ---                                     atoggtattgaaaaaaaaaata
UINFL1      tatttttaatt                                     tatatoggtatoggtattgaaaaaaaaaaaaataactttt
UFOLI1      tatttaattt                                     tatatcagtatoggtattaaaaagaaaaatac
UFOLI5      tatttaattt                                     tatatcagtatoggtattaaaaagaaaaatac
UFOLI2      tatttaattt                                     tatatcagtatoggtattaaaaagaaaaatac
UFOLI3      tatttaattt                                     tatatcagtatoggtattaaaaagaaaaatac
UFOLI4      tatttaattt                                     tatatcagtatoggtattaaaaagaaaaatac
UAMETH3      atagaactaa
UAMETH4      atagaactaa
UTRICO1      atagaactaa
UTRICO3      atagaactaa
UTRICO4      atagaactaa
UTRICO5      atagaactaa
UNEOT1      ---                                     ogatttatatogttaaaaatact
UNEOT4      ---                                     ogatttatatogttaaaaatact
UNEOT5      ---                                     ogatttatatogttaaaaatact
UNEOT2      ---                                     agatttatatogttcaaaaatacttggtattttattttat
UNEOT3      ---                                     agatttatatogttcaaaaatacttggtattttattttat
USUBUL1     atat
USUBUL4     atat
USUBUL2     atat
USUBUL3     atat
USUBUL5     atat
USUBUL6     atat
UTRIL01     atat
UTRIL04     atat
UTRIL02     atat
UTRIL03     atat
UTRIL06     atat
UNERV1      atat          ogttaaaaatacttggtttttttattttat
UNERV2      atat          ogttaaaaatacttggtttttttattttat
UNERV3      atat          ogttaaaaatacttggtttttttattttat
UNERV4      atat          ogttaaaaatacttggtttttttattttat
UNERV5      atat          ogttaaaaatacttggtttttttattttat
UNERV6      atat          ogttaaaaatacttggtttttttattttat
UFLAC1      ---
UFLAC5      ---
UFLAC2      ---
UFLAC3      ---
UFLAC4      ---
UCUCUL1     atatogttatttgaaaaatCocaaatac
UCUCUL2     atatogttatttgaaaaatCocaaatac
UCUCUC3     atatogttatttgaaaaatCocaaatac
UNANA1      atatctccttggtgaaaaaaaaattattatt
UNANA2      atatctccttggtgaaaaaaaaattattatt
UNANA3      atatctccttggtgaaaaaaaaattattatt
UNANA4      atatctccttggtgaaaaaaaaattattatt
UNANA5      atatctccttggtgaaaaaaaaattattatt
UNANA6      atatctccttggtgaaaaaaaaattattatt

```

(continuação)

	610	620	630	640	650	660	670	680	690
USIMUL1	tcctagtttt	tttag	ttatttatatto	caattg	aatattcaa	acaa	caa		
UPARTH1	tcctagtttt	tta	ttatttatatto	caattg	aacgttcaa	acaa	caa		
UPARTH5	tcctagtttt	tta	ttatttatatto	caattg	aacgttcaa	acaa	caa		
UPARTH2	tcctagtttt	tta	ttatttatatto	caattg	aacgttcaa	acaa	caa		
UPARTH4	tcctagtttt	tta	ttatttatatto	caattg	aacgttcaa	acaa	caa		
UPARTH3	tcocaaat	ttta	ttatttaaat	caattg	aacgttcaa	acaa	aaa		
ULACIN1	tcctagtttt	tt	ttatttatatto	caattg	aagggtcaa	acaa	caa		
ULACIN3	tcctagtttt	tt	ttatttatatto	caattg	aagggtcaa	acaa	caa		
ULACIN4	tcctagtttt	tt	ttatttatatto	caattg	aagggtcaa	acaa	caa		
ULACIN5	tcctagtttt	tt	ttatttatatto	caattg	aagggtcaa	acaa	caa		
ULACIN6	tcctagtttt	tt	ttatttatatto	caattg	aagggtcaa	acaa	caa		
ULACIN2	tcctagtttt	tt	ttatttatatto	caattg	aagggtcaa	acaa	caa		
URENIF1	tactat	tt	tttgaatat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
URENIF2	tactat	tt	tttgaatat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
URENIF3	tactat	tt	tttgaatat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
URENIF4	tactat	tt	tttgaatat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
URENIF6	tactat	tt	tttgaatat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
URENIF7	tactat	tt	tttgaatat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
URENIF5	tactat	tt	tttgaatat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
UNELUM2	tactat	tt	ttttaaat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
UNELUM5	tactat	tt	ttttaaat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
UNELUM6	tactat	tt	ttttaaat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
UNELUM4	tactat	tt	ttttaaat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
UNELUM3	tactat	tt	ttttaaat	ttaactat	tattattcaa	tact	aaa		
UHISP1	tacttgottt	tt	ttatttat	actcaattg	aatagtcaa	caa	aag		
UHISP5	tacttgottt	tt	ttatttat	actcaattg	aatagtcaa	caa	aag		
UHISP6	tacttgottt	tt	ttatttat	actcaattg	aatagtcaa	caa	aag		
UHISP4	tacttgottt	tt	ttatttat	actcaattg	aatagtcaa	caa	aag		
UHISP3	ttacttgottt	tt	ttatttat	actcaattg	aatagtcaaac	caac	aag		
ULONG3	tcotttgottt	tt	ttatttat	taaaattg	aatagtcaa	caa	aag		
ULONG4	tcotttgottt	tt	ttatttat	taaaattg	aatagtcaa	caa	aag		
ULONG5	tcotttgottt	tt	ttatttat	taaaattg	aatagtcaa	caa	aag		
UCALY1	atotttgottt	tt	ttattgtat	taactg	aatagtcaa	cca	aaa		
UCALY2	atotttgottt	tt	ttattgtat	taactg	aatagtcaa	cca	aaa		
UARENA1	tcogtgtttttt	ttttattatatt	tattat	taactg	catatogaa	caaac	aaa		
UARENA2	tcogtgtttttt	ttttattatatt	tattat	taactg	catatogaa	caaac	aaa		
UARENA3	tcogtgtttttt	ttttattatatt	tattat	taactg	catatogaa	caaac	aaa		
UARENA5	tcogtgtttttt	ttttattatatt	tattat	taactg	catatogaa	caaac	aaa		
UARENA6	tcogtgtttttt	ttttattatatt	tattat	taactg	catatogaa	caaac	aaa		
UARENA4	tcogtgtttttt	ttttattatatt	tattat	taactg	catatogaa	caaac	aaa		
UGIBB1	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UGIBB2	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UGIBB4	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UGIBB3	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UGIBB5	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UGIBB6	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UGIBB7	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UGIBB8	cttttttttt	at	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
USTRI1	tactttttt	tt	ttattt	tagtcaattg	aatagtcaa	caaac	aca		
UINFL1	ttgtttattat	at	ttatttat	taaaattg	aatagtcaa	caaac	aaa		
UFOLI1	ttt	tt	ttatttat	taactg	aatagtcaa	caaac	aaa		
UFOLI5	ttt	tt	ttatttat	taactg	aatagtcaa	caaac	aaa		
UFOLI2	tttt	tt	ttatttat	taactg	aatagtcaa	caaac	aaa		
UFOLI3	tttt	tt	ttatttat	taactg	aatagtcaa	caaac	aaa		
UFOLI4	tttt	tt	ttatttat	taactg	aatagtcaa	caaac	aaa		
UAMETH3	ttottatttatat		ttagaatat		cgtagcgga	tttgc	aaa		
UAMETH4	ttottatttatat		ttagaatat		cgtagcgga	tttgc	aaa		
UTRICO1	ttottatttatat		ttagaatat		cgtagcgga	tttgc	aaa		
UTRICO3	ttottatttatat		ttagaatat		cgtagcgga	tttgc	aaa		
UTRICO4	ttottatttatat		ttagaatat		cgtagcgga	tttgc	aaa		
UTRICO5	ttottatttatat		ttagaatat		cgtagcgga	tttgc	aaa		
UNEOT1	tggtgtttt	at	ttatttat	taactg	aatattgaata	taagttaa	aaa		
UNEOT4	tggtgtttt	at	ttatttat	taactg	aatattgaata	taagttaa	aaa		
UNEOT5	tggtgtttt	at	ttatttat	taactg	aatattgaata	taagttaa	aaa		
UNEOT2	aattaattgaat	tattgttttt	at	ttatttat	taactg	aatattgaata	taagttaa	aaa	
UNEOT3	aattaattgaat	tattgttttt	at	ttatttat	taactg	aatattgaata	taagttaa	aaa	
USUBUL1					ttat	atogtt	aaa		
USUBUL4					ttat	atogtt	aaa		
USUBUL2					ttat	atogtt	aaa		
USUBUL3					ttat	atogtt	aaa		
USUBUL5					ttat	atogtt	aaa		
USUBUL6					ttat	atogtt	aaa		
UTRIL01					ttat	atogtt	aaa		

[illegible]

(continuação)

USTRI1	aataaogactcttt	ttgttgtgtgtttatatt	gtttttta	catt	aaaata	catt	aaaagaaaact	
UINFL1	agtcgttctctctt	ttttgtgtgttgatatt	gt	attgttttttc		cgtt	aaaagaaaact	
UFOLI1	aagaaogactcttt	ttttgtgtgttgatatt	gt	attgttttttc		cgtt	aaaagaaaact	
UFOLI5	aagaaogactcttt	ttttgtgtgttgatatt	gt	attgttttttc		cgtt	aaaagaaaact	
UFOLI2	aagaaogactcttt	ttttgtgtgttgatatt	gt	attgttttttc		cgtt	aaaagaaaact	
UFOLI3	aagaaogactcttt	ttttgtgtgttgatatt	gt	attgttttttc		cgtt	aaaagaaaact	
UFOLI4	aagaaogactcttt	ttttgtgtgttgatatt	gt	attgttttttc		cgtt	aaaagaaaact	
UAMETH3	cggggttcttagtt	ttgtttttttgtgttatattgtttgtat	tatt	cttttttc		gttt	aaaagaaaact	
UAMETH4	cggggttcttagtt	ttgtttttttgtgttatattgtttgtat	tatt	cttttttc		gttt	aaaagaaaact	
UTRICO1	ttgggttctctctt	ttgtttttttgtgtttacattgt	agt	atattgtatta		ttct	ttttcogaaaact	
UTRICO3	ttgggttctctctt	ttgtttttttgtgtttacattgt	agt	atattgtatta		ttct	ttttcogaaaact	
UTRICO4	ttgggttctctctt	ttgtttttttgtgtttacattgt	agt	atattgtatta		ttct	ttttcogaaaact	
UTRICO5	ttgggttctctctt	ttgtttttttgtgtttacattgt	agt	atattgtatta		ttct	ttttcogaaaact	
UNEOT1	aagaaogactcttt	tt	ctgtgtttatatt	gt	attgtttttga		cgtt	aaaagaaaact
UNEOT4	aagaaogactcttt	tt	ctgtgtttatatt	gt	attgtttttga		cgtt	aaaagaaaact
UNEOT5	aagaaogactcttt	tt	ctgtgtttatatt	gt	attgtttttga		cgtt	aaaagaaaact
UNEOT2	aagaaogactcttt	ttt	ttgtgtttatatt	gt	attgtttttga		cgtt	aaaagaaaact
UNEOT3	aagaaogactcttt	ttt	ttgtgtttatatt	gt	attgtttttga		cgtt	aaaagaaaact
USUBUL1	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
USUBUL4	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
USUBUL2	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
USUBUL3	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
USUBUL5	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
USUBUL6	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UTRIL01	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UTRIL04	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UTRIL02	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UTRIL03	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UTRIL06	aagaaogactcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	atogtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UNERV1	aaaagagactcttt	tttctgtgtgtttatatt	tt	attgtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UNERV2	aaaagagactcttt	tttctgtgtgtttatatt	tt	attgtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UNERV3	aaaagagactcttt	tttctgtgtgtttatatt	tt	attgtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UNERV4	aaaagagactcttt	tttctgtgtgtttatatt	tt	attgtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UNERV5	aaaagagactcttt	tttctgtgtgtttatatt	tt	attgtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UNERV6	aaaagagactcttt	tttctgtgtgtttatatt	tt	attgtttttta		cgtt	aaaagaaaact	
UFLAC1	aagaagggctcttt	tttctgggtgtgtttatatt	gt	attgttttttt		cgtt	aaaagaaaact	
UFLAC5	aagaagggctcttt	tttctgggtgtgtttatatt	gt	attgttttttt		cgtt	aaaagaaaact	
UFLAC2	aagaagggctcttt	tttctgggtgtgtttatatt	gt	attgttttttt		cgtt	aaaagaaaact	
UFLAC3	aagaagggctcttt	tttctgggtgtgtttatatt	gt	attgttttttt		cgtt	aaaagaaaact	
UFLAC4	aagaagggctcttt	tttctgggtgtgtttatatt	gt	attgttttttt		cgtt	aaaagaaaact	
UCUCUL1	aataagggctcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	attg	ttttta		cgtt	aaaataaaaact
UCUCUL2	aataagggctcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	attg	ttttta		cgtt	aaaataaaaact
UCUCUC3	aataagggctcttt	tttctgtgtgtttatatt	gt	attg	ttttta		cgtt	aaaataaaaact
UNANA1	aaCaagaaactagtt	tttttgtgtgtttatattgta	ttattattatttatta			cgtt	aaaagaaaact	
UNANA2	aaCaagaaactagtt	tttttgtgtgtttatattgta	ttattattatttatta			cgtt	aaaagaaaact	
UNANA3	aaCaagaaactagtt	tttttgtgtgtttatattgta	ttattattatttatta			cgtt	aaaagaaaact	
UNANA4	aaCaagaaactagtt	tttttgtgtgtttatattgta	ttattattatttatta			cgtt	aaaagaaaact	
UNANA5	aaCaagaaactagtt	tttttgtgtgtttatattgta	ttattattatttatta			cgtt	aaaagaaaact	
UNANA6	aaCaagaaactagtt	tttttgtgtgtttatattgta	ttattattatttatta			cgtt	aaaagaaaact	

	810	820	830	840	850	860	870	880	890
USIMUL1	aatcgtagttaaaa		aatacatttcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
UPARTH1	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaaa	cct			gtat	tata
UPARTH5	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaaa	cct			gtat	tata
UPARTH2	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaaa	cct			gtat	tata
UPARTH4	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
UPARTH3	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaaa	cct			gtat	tata
ULACIN1	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	ct			gtat	tata
ULACIN3	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	ct			gtat	tata
ULACIN4	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	ct			gtat	tata
ULACIN5	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	ct			gtat	tata
ULACIN6	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	ct			gtat	tata
ULACIN2	agagttaaaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	ct			gtat	tata
URENIF1	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
URENIF2	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
URENIF3	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
URENIF4	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
URENIF6	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
URENIF7	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
URENIF5	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
UNELUM2	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
UNELUM5	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
UNELUM6	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata
UNELUM4	attgttccaa		aatgcattcttctgttatgatttgagtg	gttttttaga	cct			gtat	tata

[illegible]

	910	920	930	940	950	960	970	980	990
USIMUL1	gcaac	cotag	tattaa	cttg		aaatt	taataa	gaag	cotcttttaacg
UPARTH1	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	ttttacg	
UPARTH5	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	ttttacg	
UPARTH2	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	ttttacg	
UPARTH4	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	ttttacg	
UPARTH3	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	ttttacg	
ULACIN1	gcaac	cotag	tattga	cttg		aaatt	gaata	ctacg	
ULACIN3	gcaac	cotag	tattga	cttg		aaatt	gaata	ctacg	
ULACIN4	gcaac	cotag	tattga	cttg		aaatt	gaata	ctacg	
ULACIN5	gcaac	cotag	tattga	cttg		aaatt	gaata	ctacg	
ULACIN6	gcaac	cotag	tattga	cttg		aaatt	gaata	ctacg	
ULACIN2	gcaac	cotag	tattga	cttg		aaatt	gaata	ctacg	
URENIF1	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
URENIF2	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
URENIF3	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
URENIF4	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
URENIF6	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
URENIF7	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
URENIF5	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
UNELUM2	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
UNELUM5	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
UNELUM6	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
UNELUM4	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
UNELUM3	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaatt	taata	gaagcatct	
UHISP1	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaagt	gaat	gaaacatat	
UHISP5	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaagt	gaat	gaaacatat	
UHISP6	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaagt	gaat	gaaacatat	
UHISP4	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaagt	gaat	gaaacatat	
UHISP3	gcaac	cotag	tattca	cttg		aaagt	gaat	gaaacatat	
ULONG3	gcaac	cotag	catc	cttg		caagt	gaat	gaagcatct	
ULONG4	gcaac	cotag	catc	cttg		caagt	gaat	gaagcatct	
ULONG5	gcaac	cotag	catc	cttg		caagt	gaat	gaagcatct	
UCALY1	gcaac	cttag	tattca	cttg		aaagt	taaat	gaagcatct	
UCALY2	gcaac	cttag	tattca	cttg		aaagt	taaat	gaagcatct	
UARENA1	gcaac	cogag	tattta	tttt		attttaa	attta	atgaagcatct	
UARENA2	gcaac	cogag	tattta	tttt		attttaa	attta	atgaagcatct	
UARENA3	gcaac	cogag	tattta	tttt		attttaa	attta	atgaagcatct	
UARENA5	gcaac	cogag	tattta	tttt		attttaa	attta	atgaagcatct	
UARENA6	gcaac	cogag	tattta	tttt		attttaa	attta	atgaagcatct	
UARENA4	gcaac	cogag	tattta	tttt		attttaa	attta	atgaagcatct	
UGIBB1	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UGIBB2	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UGIBB4	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UGIBB3	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UGIBB5	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UGIBB6	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UGIBB7	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UGIBB8	gcaac	caaag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
USTR11	gaaa	cocag	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UINF11	gaaa	cocac	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UFOLI1	gcaac	taatt	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UFOLI5	gcaac	taatt	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UFOLI2	gcaac	taatt	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	
UFOLI3	gcaac	taatt	tattca	cttg		gaaatt	taata	gaagcatct	</

[illegible]

[illegible]

[illegible]

8.2 Matriz do alinhamento *trnL-trnF*

	10	20	30	40	50	60	70	80	90
USIMUL1	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagtct	agttt	actccccaaa	actttatccta			
UPART1	agtgggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UPART4	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UPART2	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UPART3	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UPART5	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
ULAC13	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
ULAC16	agtgggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
ULAC14	agtgggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
ULAC15	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UCUCU1	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UCUCU3	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UCUCU2	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UNEOT2	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagtct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UNEOT3	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UNEOT5	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagtct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
USUBUL4	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcctatttta	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UTRIL1	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	attttactct	actctcaaaa	actttatccta			
UTRIL2	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	attttactct	actctcaaaa	actttatccta			
UTRIL4	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	attttactct	actctcaaaa	actttatccta			
UTRIL6	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	attttactct	actctcaaaa	actttatccta			
UNERV1	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actctcaaaa	actttatccta			
UNERV6	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actctcaaaa	actttatccta			
UNERV3	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actctcaaaa	actttatccta			
UNERV2	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actctcaaaa	actttatccta			
UPUSS6	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actctcaaaa	actttatccta			
UFLAC1	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UFLAC2	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UFLAC3	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UFLAC4	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UFLAC5	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UGIBB3	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actctcaaaa	actttatccta			
UGIBB4	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actctcaaaa	actttatccta			
UGIBB5	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actctcaaaa	actttatccta			
USTRI1	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UGIBB8	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UINTE1	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttgtccta			
UINTE3	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttgtccta			
UINFL1	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttgtccta			
UFOLI1	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttgtccta			
UFOLI5	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttgtccta			
UFOLI4	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagtct	atttg	actccccaaa	actttgtccta			
URENI2	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
URENI3	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
URENI4	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
URENI7	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UNELU2	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UNELU3	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UNELU5	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UNELU4	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
URENI6	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	taagcct	atttt	actccccaaa	actttatccta			
UCALY1	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UHISP1	ngtgggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UHISP4	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UHISP5	nnnnnnnncaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UHISP6	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
ULONG3	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
ULONG4	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UROST1	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
UROST4	nnnggttcaagt	tccctctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
UPUSS2	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
UPUSS3	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
UROST2	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
UPUSS5	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
UPUSS4	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
UPUSS1	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caagaagcct	atttt	actgccaaa	actttatccta			
uaren1	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
uaren3	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
uaren4	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
uaren5	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
uaren6	nnnggttcaag	tccctctatccccaaa	caagcct	atttg	actccccaaa	actttatccta			
UNANA6	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caaaact	atttt	actcaaaaa	actttatccta			
UAMETH3	nnnnnnnnnnnnnnnnnn	tctatccccaaa	caaaact	atttn	actcaaaaa	actttatccta			

	110	120	130	140	150	160	170	180	190
USIMUL1	ttccctttcgggtccaaaa		ttgcttg	atttttatgattottttaac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
UPART1	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
UPART4	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
UPART2	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
UPART3	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
UPART5	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
ULACI3	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
ULACI6	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
ULACI4	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgacaaocg		tagttgggogtaaatga	actttctc		
ULACI5	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttg	attttgatgattottttgac	aaocg	tagttgggogtaaatga	actttctc		
UCUCU1	taacctttcgggttacaaa		ttggttt	atttttatgattottttgoc	aaocg	taggtgggogtaaatga	actttttc		
UCUCU3	taacctttcgggttacaaa		ttggttt	atttttatgattottttgoc	aaocg	taggtgggogtaaatga	actttttc		
UCUCU2	taacctttcgggttacaaa		ttggttt	atttttatgattottttgoc	aaocg	taggtgggogtaaatga	actttttc		
UNEO2	t	cggtacaaa	ttgcttt	atttttataatttttttc	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc		
UNEO3	t	cggtacaaa	ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UNEO5	t	cggtacaaa	ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
USUBUL4	cttataacataac	ttccttgcgggttacaaa	ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UTRIL1	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UTRIL2	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UTRIL4	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UTRIL6	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UNERV1	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UNERV6	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UNERV3	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UNERV2	taaccttgcgggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tagatgagcgtaaatga	actttttc
UPUSS6	taaccttgcgggttacaaa		ttgtttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	taggtgagcgtaaatga	actttttc
UFLAC1	taaccttttggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tgagtggagcgtaaatga	actttttc
UFLAC2	taaccttttggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tgagtggagcgtaaatga	actttttc
UFLAC3	taaccttttggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tgagtggagcgtaaatga	actttttc
UFLAC4	taaccttttggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tgagtggagcgtaaatga	actttttc
UFLAC5	taaccttttggttacaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	tgagtggagcgtaaatga	actttttc
UGIBB3	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UGIBB4	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UGIBB5	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
USTRI1	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UGIBB8	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UINTE1	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UINTE3	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UINFL1	tatcttttcagttaaaaa		ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UFOLI1	c	tttatcttttcagttaaaaa	ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UFOLI5	c	tttatcttttcagttaaaaa	ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
UFOLI4	c	tttatcttttcagttaaaaa	ttttctt	atttttaggattottttgac	aaocg	cagatggac	taaatgattttctc		
URENI2	tcocctttcgggttcgaaa		ttgcttt	attttttc	taaat	ttttttct	ttgag	taggtggagcgtaaatga	

	210	220	230	240	250	260	270	280	290
USIMUL1	atgtga	tat	agaatacac	atccgaatttagcaaaataatccta		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UPART1	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaagaatcctg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UPART4	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaagaatcctg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UPART2	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaagaatcctg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UPART3	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaagaatcctg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UPART5	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaagaatcctg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
ULACI3	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaataatccta		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott	
ULACI6	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaataatccta		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott	
ULACI4	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaataatccta		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott	
ULACI5	atgtga	tatagaataagaatacac	atccgaatttagcaaaataatccta		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott	
UCUCU1	amgtga	tgt	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaaatt	attcacaaacc	aatag	ott
UCUCU3	acgtga	tgt	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaaatt	attcacaaacc	aatag	ott
UCUCU2	acgtga	tgt	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaaatt	attcacaaacc	aatag	ott
UNEOT2	acgtga	tgt	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attgcaaatg	aatag	ott
UNEOT3	acgtga	tat	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attgcaaatg	aatag	ott
UNEOT5	acgtga	tat	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attgcaaatg	aatag	ott
USUBUL4	acgtga	tat	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attgcaaatg	aatag	ott
UTRIL1	acgtga	tat	agaatacac	tgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UTRIL2	acgtga	tat	agaatacac	tgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UTRIL4	acgtga	tat	agaatacac	tgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UTRIL6	acgtga	tat	agaatacac	tgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UNERV1	acgtga	tat	agaatacacatccaaatccaaattgagcaaaagaatccct		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UNERV6	acgtga	tat	agaatacacatccaaatccaaattgagcaaaagaatccct		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UNERV3	acgtga	tat	agaatacacatccaaatccaaattgagcaaaagaatccct		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UNERV2	acgtga	tat	agaatacacatccaaatccaaattgagcaaaagaatccct		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott	
UPUSS6	acgtga	tat	agaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcctg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UFLAC1	acatga	tatagaataagaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcccaatc	aatag	ott	
UFLAC2	acatga	tatagaataagaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcccaatc	aatag	ott	
UFLAC3	acatga	tatagaataagaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcccaatc	aatag	ott	
UFLAC4	acatga	tatagaataagaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcccaatc	aatag	ott	
UFLAC5	acatga	tatagaataagaatacac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcccaatc	aatag	ott	
UGIBB3	gtgtga	tag	agaatgcac	gtcgaaattgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UGIBB4	gtgtga	tag	agaatgcac	gtcgaaattgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UGIBB5	gtgtga	tag	agaatgcac	gtcgaaattgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
USTRI1	gtgtga	tag	agaatgcac	gtcgaaattgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UGIBB8	gtgtga	tag	agaatgcac	gtcgaaattgagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UINTE1	gtgtga	tat	agaatgcac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UINTE3	gtgtga	tat	agaatgcac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UINFL1	gtgtga	tat	agaatgcac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UFOLI1	gtgtga	tat	agaatgcac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UFOLI5	gtgtga	tat	agaatgcac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
UFOLI4	gtgtga	tat	agaatgcac	atccaaatggagcaaaagaatcccg		atttaaatg	attcacaaatc	aatag	ott
URENI2	atgtga	tat	agaatacac	atccaaatgttgcagaagaatcccg		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott
URENI3	atgtga	tat	agaatacac	atccaaatgttgcagaagaatcccg		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott
URENI4	atgtga	tat	agaatacac	atccaaatgttgcagaagaatcccg		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott
URENI7	atgtga	tat	agaatacac	atccaaatgttgcagaagaatcccg		atttaaatg	attcacatc	aatag	ott

(continuação)

UPUSS1	atgtga-tat	agaatacat	atcataatttagcaaaaaatcctg	atttaaatc-attcaggatc	aatag-ctt
uaren1	atgtga-tat	agaatacac	atccccatttttagcaaaagaatcccg	attgaaatg-attcacaatc	aatag-ctt
uaren3	atgtga-tat	agaatacac	atccccatttttagcaaaagaatcccg	attgaaatg-attcacaatc	aatag-ctt
uaren4	atgtga-tat	agaatacac	atccccatttttagcaaaagaatcccg	attgaaatg-annnnnaanc	nnnnn-ctt
uaren5	atgtga-tat	agaatacac	atccccatttttagcaaaagaatcccg	attgaaatg-attcacaatc	aatag-ctt
uaren6	atgtga-tat	agaatacac	atccccatttttagcaaaagaatcccg	attgaaatg-attcacaatc	aatag-ctt
UNANA6	atgtga-tat	agaatacac	acccaaatttttagcaaaagaatcccg	attcacaatgaattcacaatt	aatag-ctt
UAMETH3	atgtaa-tat	agaatacac	atccaaatttttagcaaaagaatcccg	atttaataa-attcaccatcaataaataag	ctt
UTRIC3	atgtaa-tat	agaatacac	gtccataatttttagcaaaaaatcccg	atttaataa-attcaccatcaataaataag	ctt
UTRIC4	atgtaa-tat	agaatacac	gtccataatttttagcaaaaaatcccg	atttaataa-attcaccatcaataaataag	ctt
UPRAEL2	atgtgattat	agaatacac			

	310	320	330	340	350	360	370	380	390
USIMUL1	actgaaacot					aaaaagtggtc	tttttgaagatcaa		
UPART1	acttaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
UPART4	acttaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
UPART2	acttaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
UPART3	acttaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
UPART5	acttaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
ULACI3	actgaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
ULACI6	actgaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
ULACI4	actgaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
ULACI5	actgaaacot					caaaagtggtc	tttttgaagatc		
UCUCU1	actgaaattg					aaaaagaggtc	cttttgaatac		
UCUCU3	actgaaattg					aaaaagaggtc	cttttgaatac		
UCUCU2	actgaaattg					aaaaagaggtc	cttttgaatac		
UNEOT2	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UNEOT3	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UNEOT5	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
USUBUL4	actgaaacgg					aaaaagtgtgcttttt	atttttaagatc		
UTRIL1	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UTRIL2	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UTRIL4	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UTRIL6	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UNERV1	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UNERV6	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UNERV3	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UNERV2	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UPUSS6	actgaaacgg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UFLAC1	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UFLAC2	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UFLAC3	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UFLAC4	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UFLAC5	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatc		
UGIBB3	actgaaactg					aaaaagtgtgc	gttttgaagatt		
UGIBB4	actgaaactg					aaaaagtgtgc	gttttgaagatt		
UGIBB5	actgaaactg					aaaaagtgtgc	gttttgaagatt		
USTRI1	actgaaactg					aaaaaaatgtgc	gttttgaagatt		
UGIBB8	actgaaactg					aaaaagtgtgc	gttttgaagatt		
UINTE1	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatt		
UINTE3	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatt		
UINFL1	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatt		
UFOLI1	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatt		
UFOLI5	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatt		
UFOLI4	actgaaactg					aaaaagtgtgc	tttttgaagatt		
URENI2	actgaaactt					taaaagtgtgc	ttttttaagatt		
URENI3	actgaaacaa					taaaagtgtgc	ttttttaagatt		
URENI4	actgaaactt					taaaagtgtgc	ttttttaagatt		
URENI7	actgaaactt					taaaagtgtgc	ttttttaagatt		
UNELU2	actgaaactt					taaaaggggtgc	ttttttaagatt		
UNELU3	actgaaactt					taaaaggggtgc	ttttttaagatt		
UNELU5	actgaaactt					taaaaggggtgc	ttttttaagatt		
UNELU4	actgaaactt					taaaaggggtgc	ttttttaagatt		
URENI6	actgaaactt					taaaaggtgtgc	ttttttaagatt		
UCALY1	acttaaacct					taaaagtgtgc	tttttgaagatcaaatgaag		
UHISP1	acttaaaccttgaaaa	ogaatacttaaaccttgaaaagtgtgcttttaacttaaaaaaaagcggtc					ttttttaagatc		
UHISP4	acttaaaccttgaaaa	ogaatacttaaaccttgaaaagtgtgcttttaacttaaaaaaaagcggtc					ttttttaagatc		
UHISP5	acttaaaccttgaaaa	ogaatacttaaaccttgaaaagtgtgcttttaacttaaaaaaaagcggtc					ttttttaagatc		
UHISP6	acttaaaccttgaaaa	ogaatacttaaaccttgaaaagtgtgcttttaacttaaaaaaaagcggtc					ttttttaagatc		
ULONG3	acttaaacct					gaaaagtgtgcttttttttttttgaagatc			
ULONG4	acttaaacct					gaaaagtgtgcttttttttttttgaagatc			
UROST1	actgaaactt					cgacagtgtgc	ttttttaagatc		
UROST4	actgaaactt					cgacagtgtgc	ttttttaagatc		
UPUSS2	actgaaactt					cgacagtgtgc	ttttttaagatc		

[illegible]

(continuação)

[illegible][illegible]

8.3 Matriz do alinhamento coxl

[illegible]

(continuação)

UAMETH1 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg nnnnnnnnnnnnnnnntttctagattttcccgatctagt
UAMETH4 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg --- nnataaagtgggtttctagattttcccgatctagt
UCALY1 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttcataaagtgggtttctagattttcccgatctagt
UCALY2 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttcataaagtgggtttctagattttcccgatctagt
uaren1 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttcataaagtgggtttctagattttcccgatctagt
uaren5 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg nnnataaagtgggtttctagattttcccgatctagt
uaren4 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg nnnatnnntgggtttctagattttcccgatctagt
uaren2 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg nnnatnnntgggtttctagattttcccgatctagt
uaren6 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttcataaagtgggtttctagattttcccgatctagt
UGIBB1 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttcataaagtgggtttctagattttcccgatctagt
UTRIL6 nnnnnnnnnnttgcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactat nnnnnnnnnnnnnnnnnntttctagattttcccgatctagt
UNERV6 nnnnnnnnnnttgcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg nnnnnnnnnnnggtttctagattttcccgatctagt
UFOLI3 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg --- nnnnnnnntnnntttctagattttcccgatctagt
UGIBB2 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg --- nnnnnnnnnntttttctagattttcccgatctagt
UNEOT1 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttaaaacagtgggtttctagattttcccgatctagt
UNEOT3 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttaaaacagtgggtttctagattttcccgatctagt
UNEOT5 gaatacgcattggcgtatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttaaaacagtgggtttctagattttcccgatctagt
USUBUL1 gaatatgcattgctgatatatgctgggaactgctgcaaatggtaactcctactatg ttaaaacagtgggtttctagattttcccgatctagt

[illegible]

310 320 330 340 350 360 370 380 390

USIMUL ctgtgagtggttagctggaattatcgatggtgatggaaatgaaagttagttaaacaagggatatacaaacctttgaaattactatgggaacttga

UAMETH5 ctgtgagtggttagctggaattatcgatggtgatggaaatgaaagttagttaaacaagggatatacagctctttgaaattactatgggaacttga

UPART3 ctgtgagtggttagctggaattatcgatggtgatggaaatgaaagttagttaaacaagggatatacaaacctttgaaattactatgggaacttga

ULAC12 ctgtgagtggttagctggaattatcgatggtgatggaaatgaaagttagttaaacaagggatatacaaacctttgaaattactatgggaacttga

UPART2 ctgtgagtggttagctggaattatcgatggtgatggaaatgaaagttagttaaacaagggatatacaaacctttgaaattactatgggaacttga

ULAC16 ctgtgagtggttagctggaattatcgatggtgatggaaatgaaagttagttaaacaagggatatacaaacctttgaaattactatgggaacttga

ULAC14 ctgtgagtggttagctggaattatcgatggtgatggaaatgaaagttagttaaacaagggatatacaaacctttgaaattactatgggaacttga

[illegible]

[illegible][illegible]

(continuação)

[illegible][illegible]

	1010	1020	1030	1040	1050	1060	1070	1080	1090
USIMUL	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaatt	tttgatt
UAMETH5	tttccag	tgggga	cagc	gtat	gatcat	tggt	tagctg	cg	ggtaga
UPART3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
ULACI2	tttccag	tgggga	cagc	gtat	gatcat	tggt	tagctg	cg	ggtaga
UPART2	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
ULACI6	tttccag	tgggga	cagc	gtat	gatcat	tggt	tagctg	cg	ggtaga
ULACI4	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
ULACI1	tttccag	tgggga	cagc	gtat	gatcat	tggt	tagctg	cg	ggtaga
UPART4	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UPART5	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
ULONG4	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
ULONG3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UPART1	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UNELU3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
ULONG5	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UTRIC3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UAMETH3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UHISP2	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UHISP5	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UHISP3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UHISP6	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UHISP4	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
URENIF3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
URENIF4	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UNELU2	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UAMETH1	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UAMETH4	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UCALY1	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UCALY2	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
uaren1	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
uaren5	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
uaren4	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
uaren2	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
uaren6	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UGIBB1	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UTRIL6	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UNERV6	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UFOLI3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UGIBB2	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UNEOT1	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UNEOT3	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
UNEOT5	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt
USUBUL1	gtattg	tatcg	aaccccc	cccatg	gtag	gcata	ccaa	ttaagt	tttgatt

[illegible]

[illegible]

[illegible]

8.4 Matriz de distância *trnS-trnG* de acordo com o modelo GTR+G+I

	USIMUL1	UPARTH1	UPARTH5	UPARTH2	UPARTH4	UPARTH3	ULACIN1	ULACIN3
USIMUL1								
UPARTH1	0,10627							
UPARTH5	0,10222	0,00340						
UPARTH2	0,10222	0,00340	0,00000					
UPARTH4	0,10222	0,00340	0,00000	0,00000				
UPARTH3	0,19502	0,08166	0,08166	0,08166	0,08166			
ULACIN1	0,10202	0,03886	0,03525	0,03525	0,03525	0,10213		
ULACIN3	0,09777	0,03517	0,03158	0,03158	0,03158	0,10643	0,00340	
ULACIN4	0,09777	0,03517	0,03158	0,03158	0,03158	0,10643	0,00340	0,00000
ULACIN5	0,09777	0,03517	0,03158	0,03158	0,03158	0,10643	0,00340	0,00000
ULACIN6	0,10627	0,04257	0,03893	0,03893	0,03893	0,11510	0,01030	0,00684
ULACIN2	0,10202	0,03886	0,03525	0,03525	0,03525	0,10213	0,00000	0,00340
URENIF1	0,19544	0,18523	0,18060	0,18060	0,18060	0,26632	0,18539	0,18531
URENIF2	0,19544	0,18523	0,18060	0,18060	0,18060	0,26632	0,18539	0,18531
URENIF3	0,19544	0,18523	0,18060	0,18060	0,18060	0,26632	0,18539	0,18531
URENIF4	0,19544	0,18523	0,18060	0,18060	0,18060	0,26632	0,18539	0,18531
URENIF6	0,19544	0,18523	0,18060	0,18060	0,18060	0,26632	0,18539	0,18531
URENIF7	0,19544	0,18523	0,18060	0,18060	0,18060	0,26632	0,18539	0,18531
URENIF5	0,19544	0,18523	0,18060	0,18060	0,18060	0,26632	0,18539	0,18531
UNELUM2	0,20066	0,19035	0,18568	0,18568	0,18568	0,27231	0,19051	0,19043
UNELUM5	0,20066	0,19035	0,18568	0,18568	0,18568	0,27231	0,19051	0,19043
UNELUM6	0,20066	0,19035	0,18568	0,18568	0,18568	0,27231	0,19051	0,19043
UNELUM4	0,20066	0,19035	0,18568	0,18568	0,18568	0,27231	0,19051	0,19043
UNELUM3	0,20066	0,19035	0,18568	0,18568	0,18568	0,27231	0,19051	0,19043
UHISP1	0,21095	0,17580	0,17580	0,17580	0,17580	0,25477	0,17545	0,17048
UHISP5	0,21095	0,17580	0,17580	0,17580	0,17580	0,25477	0,17545	0,17048
UHISP6	0,21095	0,17580	0,17580	0,17580	0,17580	0,25477	0,17545	0,17048
UHISP4	0,21095	0,17580	0,17580	0,17580	0,17580	0,25477	0,17545	0,17048
UHISP3	0,21095	0,17580	0,17580	0,17580	0,17580	0,25477	0,17545	0,17048
ULONG3	0,22006	0,18861	0,18861	0,18861	0,18861	0,27474	0,17903	0,17406
ULONG4	0,22006	0,18861	0,18861	0,18861	0,18861	0,27474	0,17903	0,17406
ULONG5	0,22006	0,18861	0,18861	0,18861	0,18861	0,27474	0,17903	0,17406
UCALY1	0,19395	0,17398	0,17398	0,17398	0,17398	0,24741	0,18435	0,17931
UCALY2	0,19395	0,17398	0,17398	0,17398	0,17398	0,24741	0,18435	0,17931
UARENA1	0,26565	0,25844	0,25327	0,25327	0,25327	0,30692	0,25223	0,24651
UARENA2	0,26565	0,25844	0,25327	0,25327	0,25327	0,30692	0,25223	0,24651
UARENA3	0,26565	0,25844	0,25327	0,25327	0,25327	0,30692	0,25223	0,24651
UARENA5	0,26565	0,25844	0,25327	0,25327	0,25327	0,30692	0,25223	0,24651
UARENA6	0,26565	0,25844	0,25327	0,25327	0,25327	0,30692	0,25223	0,24651
UARENA4	0,26565	0,25844	0,25327	0,25327	0,25327	0,30692	0,25223	0,24651
UGIBB1	0,35310	0,31971	0,31971	0,31971	0,31971	0,35387	0,31738	0,31093
UGIBB2	0,34620	0,31321	0,31321	0,31321	0,31321	0,34695	0,31093	0,30456
UGIBB4	0,34620	0,31321	0,31321	0,31321	0,31321	0,34695	0,31093	0,30456
UGIBB3	0,36009	0,32629	0,32629	0,32629	0,32629	0,36088	0,32390	0,31738
UGIBB5	0,34620	0,31321	0,31321	0,31321	0,31321	0,34695	0,31093	0,30456
UGIBB6	0,33224	0,30007	0,30007	0,30007	0,30007	0,33295	0,29791	0,29170
UGIBB7	0,33224	0,30007	0,30007	0,30007	0,30007	0,33295	0,29791	0,29170
UGIBB8	0,33224	0,30007	0,30007	0,30007	0,30007	0,33295	0,29791	0,29170
USTR1	0,35360	0,32015	0,32015	0,32015	0,32015	0,35438	0,31216	0,30576
UINFL1	0,27427	0,25137	0,25137	0,25137	0,25137	0,28076	0,23429	0,22868
UFOLI1	0,32988	0,31609	0,31609	0,31609	0,31609	0,33784	0,31378	0,30734
UFOLI5	0,32988	0,31609	0,31609	0,31609	0,31609	0,33784	0,31378	0,30734
UFOLI2	0,32988	0,31609	0,31609	0,31609	0,31609	0,33784	0,31378	0,30734
UFOLI3	0,32988	0,31609	0,31609	0,31609	0,31609	0,33784	0,31378	0,30734
UFOLI4	0,32321	0,32267	0,32267	0,32267	0,32267	0,34471	0,32030	0,31378

(continuação)

	USIMUL1	UPARTH1	UPARTH5	UPARTH2	UPARTH4	UPARTH3	ULACIN1	ULACIN3
UAMETH3	0,23371	0,24275	0,24275	0,24275	0,24275	0,30785	0,24346	0,23779
UAMETH4	0,23419	0,24324	0,24324	0,24324	0,24324	0,32730	0,24396	0,23827
UTRICO1	0,29796	0,29504	0,29504	0,29504	0,29504	0,38002	0,28982	0,28364
UTRICO3	0,29796	0,29504	0,29504	0,29504	0,29504	0,38002	0,28982	0,28364
UTRICO4	0,29796	0,29504	0,29504	0,29504	0,29504	0,38002	0,28982	0,28364
UTRICO5	0,29796	0,29504	0,29504	0,29504	0,29504	0,38002	0,28982	0,28364
UNEOT1	0,35190	0,35021	0,35619	0,35619	0,35619	0,39250	0,35619	0,35602
UNEOT4	0,35190	0,35021	0,35619	0,35619	0,35619	0,39250	0,35619	0,35602
UNEOT5	0,35190	0,35021	0,35619	0,35619	0,35619	0,39250	0,35619	0,35602
UNEOT2	0,33855	0,33694	0,34280	0,34280	0,34280	0,37123	0,34280	0,34264
UNEOT3	0,33855	0,33694	0,34280	0,34280	0,34280	0,37123	0,34280	0,34264
USUBUL1	0,30139	0,29447	0,29998	0,29998	0,29998	0,34610	0,30618	0,29985
USUBUL4	0,30139	0,29447	0,29998	0,29998	0,29998	0,34610	0,30618	0,29985
USUBUL2	0,29509	0,28140	0,28679	0,28679	0,28679	0,33168	0,29284	0,28667
USUBUL3	0,29509	0,28140	0,28679	0,28679	0,28679	0,33168	0,29284	0,28667
USUBUL5	0,29509	0,28140	0,28679	0,28679	0,28679	0,33168	0,29284	0,28667
USUBUL6	0,31503	0,30075	0,30632	0,30632	0,30632	0,35300	0,31259	0,30618
UTRILO1	0,33373	0,31893	0,32465	0,32465	0,32465	0,36591	0,33112	0,32450
UTRILO4	0,33373	0,31893	0,32465	0,32465	0,32465	0,36591	0,33112	0,32450
UTRILO2	0,33373	0,31893	0,32465	0,32465	0,32465	0,36591	0,33112	0,32450
UTRILO3	0,33373	0,31893	0,32465	0,32465	0,32465	0,36591	0,33112	0,32450
UTRILO6	0,33373	0,31893	0,32465	0,32465	0,32465	0,36591	0,33112	0,32450
UNERV1	0,31422	0,31274	0,31840	0,31840	0,31840	0,37223	0,32312	0,31662
UNERV2	0,31422	0,31274	0,31840	0,31840	0,31840	0,37223	0,32312	0,31662
UNERV3	0,31422	0,31274	0,31840	0,31840	0,31840	0,37223	0,32312	0,31662
UNERV4	0,31422	0,31274	0,31840	0,31840	0,31840	0,37223	0,32312	0,31662
UNERV5	0,31422	0,31274	0,31840	0,31840	0,31840	0,37223	0,32312	0,31662
UNERV6	0,31422	0,31274	0,31840	0,31840	0,31840	0,37223	0,32312	0,31662
UFLAC1	0,28174	0,29122	0,28581	0,28581	0,28581	0,33735	0,29183	0,28568
UFLAC5	0,28174	0,29122	0,28581	0,28581	0,28581	0,33735	0,29183	0,28568
UFLAC2	0,28174	0,29122	0,28581	0,28581	0,28581	0,33735	0,29183	0,28568
UFLAC3	0,28174	0,29122	0,28581	0,28581	0,28581	0,33735	0,29183	0,28568
UFLAC4	0,29380	0,30962	0,30406	0,30406	0,30406	0,35740	0,31028	0,30392
UCUCUL1	0,36926	0,37558	0,37558	0,37558	0,37558	0,42817	0,37440	0,36731
UCUCUL2	0,36926	0,37558	0,37558	0,37558	0,37558	0,42817	0,37440	0,36731
UCUCUC3	0,36926	0,37558	0,37558	0,37558	0,37558	0,42817	0,37440	0,36731
UNANA1	0,35321	0,34406	0,33817	0,33817	0,33817	0,39050	0,34999	0,34316
UNANA2	0,35321	0,34406	0,33817	0,33817	0,33817	0,39050	0,34999	0,34316
UNANA3	0,35321	0,34406	0,33817	0,33817	0,33817	0,39050	0,34999	0,34316
UNANA4	0,35321	0,34406	0,33817	0,33817	0,33817	0,39050	0,34999	0,34316
UNANA5	0,35321	0,34406	0,33817	0,33817	0,33817	0,39050	0,34999	0,34316
UNANA6	0,35321	0,34406	0,33817	0,33817	0,33817	0,39050	0,34999	0,34316

(continuação)

	ULACIN4	ULACIN5	ULACIN6	ULACIN2	URENIF1	URENIF2	URENIF3	URENIF4
USIMUL1								
UPARTH1								
UPARTH5								
UPARTH2								
UPARTH4								
UPARTH3								
ULACIN1								
ULACIN3								
ULACIN4								
ULACIN5	0,00000							
ULACIN6	0,00684	0,00684						
ULACIN2	0,00340	0,00340	0,01030					
URENIF1	0,18531	0,18531	0,18989	0,18539				
URENIF2	0,18531	0,18531	0,18989	0,18539	0,00000			
URENIF3	0,18531	0,18531	0,18989	0,18539	0,00000	0,00000		
URENIF4	0,18531	0,18531	0,18989	0,18539	0,00000	0,00000	0,00000	
URENIF6	0,18531	0,18531	0,18989	0,18539	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000
URENIF7	0,18531	0,18531	0,18989	0,18539	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000
URENIF5	0,18531	0,18531	0,18989	0,18539	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000
UNELUM2	0,19043	0,19043	0,19505	0,19051	0,00340	0,00340	0,00340	0,00340
UNELUM5	0,19043	0,19043	0,19505	0,19051	0,00340	0,00340	0,00340	0,00340
UNELUM6	0,19043	0,19043	0,19505	0,19051	0,00340	0,00340	0,00340	0,00340
UNELUM4	0,19043	0,19043	0,19505	0,19051	0,00340	0,00340	0,00340	0,00340
UNELUM3	0,17048	0,17048	0,18040	0,17545	0,13762	0,13762	0,13762	0,13762
UHISP1	0,17048	0,17048	0,18040	0,17545	0,13762	0,13762	0,13762	0,13762
UHISP5	0,17048	0,17048	0,18040	0,17545	0,13762	0,13762	0,13762	0,13762
UHISP6	0,17048	0,17048	0,18040	0,17545	0,13762	0,13762	0,13762	0,13762
UHISP4	0,17048	0,17048	0,18040	0,17545	0,13762	0,13762	0,13762	0,13762
UHISP3	0,17406	0,17406	0,18398	0,17903	0,13698	0,13698	0,13698	0,13698
ULONG3	0,17406	0,17406	0,18398	0,17903	0,13698	0,13698	0,13698	0,13698
ULONG4	0,17406	0,17406	0,18398	0,17903	0,13698	0,13698	0,13698	0,13698
ULONG5	0,17931	0,17931	0,18936	0,18435	0,12826	0,12826	0,12826	0,12826
UCALY1	0,17931	0,17931	0,18936	0,18435	0,12826	0,12826	0,12826	0,12826
UCALY2	0,24651	0,24651	0,25791	0,25223	0,18536	0,18536	0,18536	0,18536
UARENA1	0,24651	0,24651	0,25791	0,25223	0,18536	0,18536	0,18536	0,18536
UARENA2	0,24651	0,24651	0,25791	0,25223	0,18536	0,18536	0,18536	0,18536
UARENA3	0,24651	0,24651	0,25791	0,25223	0,18536	0,18536	0,18536	0,18536
UARENA5	0,24651	0,24651	0,25791	0,25223	0,18536	0,18536	0,18536	0,18536
UARENA6	0,24651	0,24651	0,25791	0,25223	0,18536	0,18536	0,18536	0,18536
UARENA4	0,31093	0,31093	0,31642	0,31738	0,26639	0,26639	0,26639	0,26639
UGIBB1	0,30456	0,30456	0,30999	0,31093	0,26047	0,26047	0,26047	0,26047
UGIBB2	0,30456	0,30456	0,30999	0,31093	0,26047	0,26047	0,26047	0,26047
UGIBB4	0,31738	0,31738	0,32292	0,32390	0,27239	0,27239	0,27239	0,27239
UGIBB3	0,30456	0,30456	0,31724	0,31093	0,27239	0,27239	0,27239	0,27239
UGIBB5	0,29170	0,29170	0,29702	0,29791	0,24905	0,24905	0,24905	0,24905
UGIBB6	0,29170	0,29170	0,29702	0,29791	0,24905	0,24905	0,24905	0,24905
UGIBB7	0,29170	0,29170	0,29702	0,29791	0,24905	0,24905	0,24905	0,24905
UGIBB8	0,30576	0,30576	0,31122	0,31216	0,26070	0,26070	0,26070	0,26070
USTR11	0,22868	0,22868	0,23360	0,23429	0,18663	0,18663	0,18663	0,18663
UINFL1	0,30734	0,30734	0,31283	0,31378	0,22265	0,22265	0,22265	0,22265
UFOLI1	0,30734	0,30734	0,31283	0,31378	0,22265	0,22265	0,22265	0,22265
UFOLI5	0,30734	0,30734	0,31283	0,31378	0,22265	0,22265	0,22265	0,22265
UFOLI2	0,30734	0,30734	0,31283	0,31378	0,22265	0,22265	0,22265	0,22265
UFOLI3	0,31378	0,31378	0,31932	0,32030	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818
UFOLI4								

(continuação)

	ULACIN4	ULACIN5	ULACIN6	ULACIN2	URENIF1	URENIF2	URENIF3	URENIF4
UAMETH3	0,23779	0,23779	0,24908	0,24346	0,20553	0,20553	0,20553	0,20553
UAMETH4	0,23827	0,23827	0,24960	0,24396	0,20075	0,20075	0,20075	0,20075
UTRICO1	0,28364	0,28364	0,29593	0,28982	0,22725	0,22725	0,22725	0,22725
UTRICO3	0,28364	0,28364	0,29593	0,28982	0,22725	0,22725	0,22725	0,22725
UTRICO4	0,28364	0,28364	0,29593	0,28982	0,22725	0,22725	0,22725	0,22725
UTRICO5	0,28364	0,28364	0,29593	0,28982	0,22725	0,22725	0,22725	0,22725
UNEOT1	0,35602	0,35602	0,36187	0,35619	0,27613	0,27613	0,27613	0,27613
UNEOT4	0,35602	0,35602	0,36187	0,35619	0,27613	0,27613	0,27613	0,27613
UNEOT5	0,35602	0,35602	0,36187	0,35619	0,27613	0,27613	0,27613	0,27613
UNEOT2	0,34264	0,34264	0,34838	0,34280	0,26365	0,26365	0,26365	0,26365
UNEOT3	0,34264	0,34264	0,34838	0,34280	0,26365	0,26365	0,26365	0,26365
USUBUL1	0,29985	0,29985	0,30526	0,30618	0,23689	0,23689	0,23689	0,23689
USUBUL4	0,29985	0,29985	0,30526	0,30618	0,23689	0,23689	0,23689	0,23689
USUBUL2	0,28667	0,28667	0,29196	0,29284	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630
USUBUL3	0,28667	0,28667	0,29196	0,29284	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630
USUBUL5	0,28667	0,28667	0,29196	0,29284	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630
USUBUL6	0,30618	0,30618	0,31164	0,31259	0,24763	0,24763	0,24763	0,24763
UTRILO1	0,32450	0,32450	0,33011	0,33112	0,27081	0,27081	0,27081	0,27081
UTRILO4	0,32450	0,32450	0,33011	0,33112	0,27081	0,27081	0,27081	0,27081
UTRILO2	0,32450	0,32450	0,33011	0,33112	0,27081	0,27081	0,27081	0,27081
UTRILO3	0,32450	0,32450	0,33011	0,33112	0,27081	0,27081	0,27081	0,27081
UTRILO6	0,32450	0,32450	0,33011	0,33112	0,27081	0,27081	0,27081	0,27081
UNERV1	0,31662	0,31662	0,32214	0,32312	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824
UNERV2	0,31662	0,31662	0,32214	0,32312	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824
UNERV3	0,31662	0,31662	0,32214	0,32312	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824
UNERV4	0,31662	0,31662	0,32214	0,32312	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824
UNERV5	0,31662	0,31662	0,32214	0,32312	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824
UNERV6	0,31662	0,31662	0,32214	0,32312	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824
UFLAC1	0,28568	0,28568	0,29096	0,29183	0,25190	0,25190	0,25190	0,25190
UFLAC5	0,28568	0,28568	0,29096	0,29183	0,25190	0,25190	0,25190	0,25190
UFLAC2	0,28568	0,28568	0,29096	0,29183	0,25190	0,25190	0,25190	0,25190
UFLAC3	0,28568	0,28568	0,29096	0,29183	0,25190	0,25190	0,25190	0,25190
UFLAC4	0,30392	0,30392	0,30934	0,31028	0,25757	0,25757	0,25757	0,25757
UCUCUL1	0,36731	0,36731	0,38140	0,37440	0,30021	0,30021	0,30021	0,30021
UCUCUL2	0,36731	0,36731	0,38140	0,37440	0,30021	0,30021	0,30021	0,30021
UCUCUC3	0,36731	0,36731	0,38140	0,37440	0,30021	0,30021	0,30021	0,30021
UNANA1	0,34316	0,34316	0,35673	0,34999	0,32825	0,32825	0,32825	0,32825
UNANA2	0,34316	0,34316	0,35673	0,34999	0,32825	0,32825	0,32825	0,32825
UNANA3	0,34316	0,34316	0,35673	0,34999	0,32825	0,32825	0,32825	0,32825
UNANA4	0,34316	0,34316	0,35673	0,34999	0,32825	0,32825	0,32825	0,32825
UNANA5	0,34316	0,34316	0,35673	0,34999	0,32825	0,32825	0,32825	0,32825
UNANA6	0,34316	0,34316	0,35673	0,34999	0,32825	0,32825	0,32825	0,32825

(continuação)

	URENIF6	URENIF7	URENIF5	UNELUM2	UNELUM5	UNELUM6	UNELUM4	UNELUM3
USIMUL1								
UPARTH1								
UPARTH5								
UPARTH2								
UPARTH4								
UPARTH3								
ULACIN1								
ULACIN3								
ULACIN4								
ULACIN5								
ULACIN6								
ULACIN2								
URENIF1								
URENIF2								
URENIF3								
URENIF4								
URENIF6								
URENIF7	0,00000							
URENIF5	0,00000	0,00000						
UNELUM2	0,00340	0,00340	0,00340					
UNELUM5	0,00340	0,00340	0,00340	0,00000				
UNELUM6	0,00340	0,00340	0,00340	0,00000	0,00000			
UNELUM4	0,00340	0,00340	0,00340	0,00000	0,00000	0,00000		
UNELUM3	0,00340	0,00340	0,00340	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000	
UHISP1	0,13762	0,13762	0,13762	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227
UHISP5	0,13762	0,13762	0,13762	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227
UHISP6	0,13762	0,13762	0,13762	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227
UHISP4	0,13762	0,13762	0,13762	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227
UHISP3	0,13762	0,13762	0,13762	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227	0,14227
ULONG3	0,13698	0,13698	0,13698	0,14160	0,14160	0,14160	0,14160	0,14160
ULONG4	0,13698	0,13698	0,13698	0,14160	0,14160	0,14160	0,14160	0,14160
ULONG5	0,13698	0,13698	0,13698	0,14160	0,14160	0,14160	0,14160	0,14160
UCALY1	0,12826	0,12826	0,12826	0,13280	0,13280	0,13280	0,13280	0,13280
UCALY2	0,12826	0,12826	0,12826	0,13280	0,13280	0,13280	0,13280	0,13280
UARENA1	0,18536	0,18536	0,18536	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049
UARENA2	0,18536	0,18536	0,18536	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049
UARENA3	0,18536	0,18536	0,18536	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049
UARENA5	0,18536	0,18536	0,18536	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049
UARENA6	0,18536	0,18536	0,18536	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049
UARENA4	0,18536	0,18536	0,18536	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049	0,19049
UGIBB1	0,26639	0,26639	0,26639	0,27239	0,27239	0,27239	0,27239	0,27239
UGIBB2	0,26047	0,26047	0,26047	0,26639	0,26639	0,26639	0,26639	0,26639
UGIBB4	0,26047	0,26047	0,26047	0,26639	0,26639	0,26639	0,26639	0,26639
UGIBB3	0,27239	0,27239	0,27239	0,27845	0,27845	0,27845	0,27845	0,27845
UGIBB5	0,27239	0,27239	0,27239	0,27845	0,27845	0,27845	0,27845	0,27845
UGIBB6	0,24905	0,24905	0,24905	0,25484	0,25484	0,25484	0,25484	0,25484
UGIBB7	0,24905	0,24905	0,24905	0,25484	0,25484	0,25484	0,25484	0,25484
UGIBB8	0,24905	0,24905	0,24905	0,25484	0,25484	0,25484	0,25484	0,25484
USTR11	0,26070	0,26070	0,26070	0,26663	0,26663	0,26663	0,26663	0,26663
UINFL1	0,18663	0,18663	0,18663	0,19179	0,19179	0,19179	0,19179	0,19179
UFOLI1	0,22265	0,22265	0,22265	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818
UFOLI5	0,22265	0,22265	0,22265	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818
UFOLI2	0,22265	0,22265	0,22265	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818
UFOLI3	0,22265	0,22265	0,22265	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818	0,22818
UFOLI4	0,22818	0,22818	0,22818	0,23377	0,23377	0,23377	0,23377	0,23377

(continuação)

	URENIF6	URENIF7	URENIF5	UNELUM2	UNELUM5	UNELUM6	UNELUM4	UNELUM3
UAMETH3	0,20553	0,20553	0,20553	0,21086	0,21086	0,21086	0,21086	0,21086
UAMETH4	0,20075	0,20075	0,20075	0,20603	0,20603	0,20603	0,20603	0,20603
UTRICO1	0,22725	0,22725	0,22725	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282
UTRICO3	0,22725	0,22725	0,22725	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282
UTRICO4	0,22725	0,22725	0,22725	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282
UTRICO5	0,22725	0,22725	0,22725	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282	0,23282
UNEOT1	0,27613	0,27613	0,27613	0,28220	0,28220	0,28220	0,28220	0,28220
UNEOT4	0,27613	0,27613	0,27613	0,28220	0,28220	0,28220	0,28220	0,28220
UNEOT5	0,27613	0,27613	0,27613	0,28220	0,28220	0,28220	0,28220	0,28220
UNEOT2	0,26365	0,26365	0,26365	0,26957	0,26957	0,26957	0,26957	0,26957
UNEOT3	0,26365	0,26365	0,26365	0,26957	0,26957	0,26957	0,26957	0,26957
USUBUL1	0,23689	0,23689	0,23689	0,24253	0,24253	0,24253	0,24253	0,24253
USUBUL4	0,23689	0,23689	0,23689	0,24253	0,24253	0,24253	0,24253	0,24253
USUBUL2	0,23630	0,23630	0,23630	0,24193	0,24193	0,24193	0,24193	0,24193
USUBUL3	0,23630	0,23630	0,23630	0,24193	0,24193	0,24193	0,24193	0,24193
USUBUL5	0,23630	0,23630	0,23630	0,24193	0,24193	0,24193	0,24193	0,24193
USUBUL6	0,24763	0,24763	0,24763	0,25338	0,25338	0,25338	0,25338	0,25338
UTRILO1	0,27081	0,27081	0,27081	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683
UTRILO4	0,27081	0,27081	0,27081	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683
UTRILO2	0,27081	0,27081	0,27081	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683
UTRILO3	0,27081	0,27081	0,27081	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683
UTRILO6	0,27081	0,27081	0,27081	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683	0,27683
UNERV1	0,24824	0,24824	0,24824	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402
UNERV2	0,24824	0,24824	0,24824	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402
UNERV3	0,24824	0,24824	0,24824	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402
UNERV4	0,24824	0,24824	0,24824	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402
UNERV5	0,24824	0,24824	0,24824	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402
UNERV6	0,24824	0,24824	0,24824	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402	0,25402
UFLAC1	0,25190	0,25190	0,25190	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769
UFLAC5	0,25190	0,25190	0,25190	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769
UFLAC2	0,25190	0,25190	0,25190	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769
UFLAC3	0,25190	0,25190	0,25190	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769	0,25769
UFLAC4	0,25757	0,25757	0,25757	0,26342	0,26342	0,26342	0,26342	0,26342
UCUCUL1	0,30021	0,30021	0,30021	0,30655	0,30655	0,30655	0,30655	0,30655
UCUCUL2	0,30021	0,30021	0,30021	0,30655	0,30655	0,30655	0,30655	0,30655
UCUCUC3	0,30021	0,30021	0,30021	0,30655	0,30655	0,30655	0,30655	0,30655
UNANA1	0,32825	0,32825	0,32825	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496
UNANA2	0,32825	0,32825	0,32825	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496
UNANA3	0,32825	0,32825	0,32825	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496
UNANA4	0,32825	0,32825	0,32825	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496
UNANA5	0,32825	0,32825	0,32825	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496
UNANA6	0,32825	0,32825	0,32825	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496	0,33496

(continuação)

	UHISP1	UHISP5	UHISP6	UHISP4	UHISP3	ULONG3	ULONG4	ULONG5	UCALY1
USIMUL1									
UPARTH1									
UPARTH5									
UPARTH2									
UPARTH4									
UPARTH3									
ULACIN1									
ULACIN3									
ULACIN4									
ULACIN5									
ULACIN6									
ULACIN2									
URENIF1									
URENIF2									
URENIF3									
URENIF4									
URENIF6									
URENIF7									
URENIF5									
UNELUM2									
UNELUM5									
UNELUM6									
UNELUM4									
UNELUM3									
UHISP1									
UHISP5	0,00000								
UHISP6	0,00000	0,00000							
UHISP4	0,00000	0,00000	0,00000						
UHISP3	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000					
ULONG3	0,07715	0,07715	0,07715	0,07715	0,07715				
ULONG4	0,07715	0,07715	0,07715	0,07715	0,07715	0,00000			
ULONG5	0,07715	0,07715	0,07715	0,07715	0,07715	0,00000	0,00000		
UCALY1	0,10179	0,10179	0,10179	0,10179	0,10179	0,11001	0,11001	0,11001	
UCALY2	0,10179	0,10179	0,10179	0,10179	0,10179	0,11001	0,11001	0,11001	0,00000
UARENA1	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,21500	0,21500	0,21500	0,22012
UARENA2	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,21500	0,21500	0,21500	0,22012
UARENA3	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,21500	0,21500	0,21500	0,22012
UARENA5	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,21500	0,21500	0,21500	0,22012
UARENA6	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,21500	0,21500	0,21500	0,22012
UARENA4	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,22745	0,21500	0,21500	0,21500	0,22012
UGIBB1	0,25231	0,25231	0,25231	0,25231	0,25231	0,29327	0,29327	0,29327	0,26505
UGIBB2	0,25810	0,25810	0,25810	0,25810	0,25810	0,29952	0,29952	0,29952	0,27101
UGIBB4	0,25810	0,25810	0,25810	0,25810	0,25810	0,29952	0,29952	0,29952	0,27101
UGIBB3	0,25810	0,25810	0,25810	0,25810	0,25810	0,29952	0,29952	0,29952	0,27101
UGIBB5	0,24658	0,24658	0,24658	0,24658	0,24658	0,28709	0,28709	0,28709	0,25917
UGIBB6	0,25117	0,25117	0,25117	0,25117	0,25117	0,29191	0,29191	0,29191	0,26384
UGIBB7	0,25117	0,25117	0,25117	0,25117	0,25117	0,29191	0,29191	0,29191	0,26384
UGIBB8	0,25117	0,25117	0,25117	0,25117	0,25117	0,29191	0,29191	0,29191	0,26384
USTR11	0,25833	0,25833	0,25833	0,25833	0,25833	0,29980	0,29980	0,29980	0,25940
UINFL1	0,20518	0,20518	0,20518	0,20518	0,20518	0,21083	0,21083	0,21083	0,19645
UFOLI1	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,27045	0,27045	0,27045	0,23282
UFOLI5	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,27045	0,27045	0,27045	0,23282
UFOLI2	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,27045	0,27045	0,27045	0,23282
UFOLI3	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,25368	0,27045	0,27045	0,27045	0,23282
UFOLI4	0,25951	0,25951	0,25951	0,25951	0,25951	0,27646	0,27646	0,27646	0,23845

(continuação)

	UHISP1	UHISP5	UHISP6	UHISP4	UHISP3	ULONG3	ULONG4	ULONG5	UCALY1
UAMETH3	0,19450	0,19450	0,19450	0,19450	0,19450	0,17981	0,17981	0,17981	0,15586
UAMETH4	0,19488	0,19488	0,19488	0,19488	0,19488	0,18017	0,18017	0,18017	0,15616
UTRICO1	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,18912	0,18912	0,18912	0,17044
UTRICO3	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,18912	0,18912	0,18912	0,17044
UTRICO4	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,18912	0,18912	0,18912	0,17044
UTRICO5	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,19511	0,18912	0,18912	0,18912	0,17044
UNEOT1	0,29442	0,29442	0,29442	0,29442	0,29442	0,30678	0,30678	0,30678	0,27001
UNEOT4	0,29442	0,29442	0,29442	0,29442	0,29442	0,30678	0,30678	0,30678	0,27001
UNEOT5	0,29442	0,29442	0,29442	0,29442	0,29442	0,30678	0,30678	0,30678	0,27001
UNEOT2	0,27613	0,27613	0,27613	0,27613	0,27613	0,29354	0,29354	0,29354	0,25844
UNEOT3	0,27613	0,27613	0,27613	0,27613	0,27613	0,29354	0,29354	0,29354	0,25844
USUBUL1	0,23689	0,23689	0,23689	0,23689	0,23689	0,26040	0,26040	0,26040	0,23208
USUBUL4	0,23689	0,23689	0,23689	0,23689	0,23689	0,26040	0,26040	0,26040	0,23208
USUBUL2	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,24813	0,24813	0,24813	0,22159
USUBUL3	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,24813	0,24813	0,24813	0,22159
USUBUL5	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,24813	0,24813	0,24813	0,22159
USUBUL6	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,23630	0,25974	0,25974	0,25974	0,24275
UTRILO1	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,28351	0,28351	0,28351	0,25402
UTRILO4	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,28351	0,28351	0,28351	0,25402
UTRILO2	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,28351	0,28351	0,28351	0,25402
UTRILO3	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,28351	0,28351	0,28351	0,25402
UTRILO6	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,25898	0,28351	0,28351	0,28351	0,25402
UNERV1	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,26040	0,26040	0,26040	0,24846
UNERV2	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,26040	0,26040	0,26040	0,24846
UNERV3	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,26040	0,26040	0,26040	0,24846
UNERV4	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,26040	0,26040	0,26040	0,24846
UNERV5	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,26040	0,26040	0,26040	0,24846
UNERV6	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,24824	0,26040	0,26040	0,26040	0,24846
UFLAC1	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,26743	0,26743	0,26743	0,23027
UFLAC5	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,26743	0,26743	0,26743	0,23027
UFLAC2	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,26743	0,26743	0,26743	0,23027
UFLAC3	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,25674	0,26743	0,26743	0,26743	0,23027
UFLAC4	0,27994	0,27994	0,27994	0,27994	0,27994	0,27324	0,27324	0,27324	0,24679
UCUCUL1	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,28123
UCUCUL2	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,28123
UCUCUC3	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,29751	0,28123
UNANA1	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,37900	0,37900	0,37900	0,34587
UNANA2	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,37900	0,37900	0,37900	0,34587
UNANA3	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,37900	0,37900	0,37900	0,34587
UNANA4	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,37900	0,37900	0,37900	0,34587
UNANA5	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,37900	0,37900	0,37900	0,34587
UNANA6	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,35371	0,37900	0,37900	0,37900	0,34587

[illegible]

(continuação)

	UGIBB2	UGIBB4	UGIBB3	UGIBB5	UGIBB6	UGIBB7	UGIBB8	USTRI1	UINFL1	UFOLI1
UAMETH3	0,35897	0,35897	0,35897	0,34513	0,35031	0,35031	0,35031	0,35250	0,25700	0,29540
UAMETH4	0,36619	0,36619	0,36619	0,35217	0,35740	0,35740	0,35740	0,35965	0,26226	0,30715
UTRICO1	0,37600	0,37600	0,37600	0,36167	0,36700	0,36700	0,36700	0,37636	0,32431	0,31604
UTRICO3	0,37600	0,37600	0,37600	0,36167	0,36700	0,36700	0,36700	0,37636	0,32431	0,31604
UTRICO4	0,37600	0,37600	0,37600	0,36167	0,36700	0,36700	0,36700	0,37636	0,32431	0,31604
UTRICO5	0,37600	0,37600	0,37600	0,36167	0,36700	0,36700	0,36700	0,37636	0,32431	0,31604
UNEOT1	0,32078	0,32078	0,32825	0,33408	0,30093	0,30093	0,30093	0,30903	0,34298	0,28617
UNEOT4	0,32078	0,32078	0,32825	0,33408	0,30093	0,30093	0,30093	0,30903	0,34298	0,28617
UNEOT5	0,32078	0,32078	0,32825	0,33408	0,30093	0,30093	0,30093	0,30903	0,34298	0,28617
UNEOT2	0,30715	0,30715	0,31440	0,32010	0,28782	0,28782	0,28782	0,29566	0,32871	0,27332
UNEOT3	0,30715	0,30715	0,31440	0,32010	0,28782	0,28782	0,28782	0,29566	0,32871	0,27332
USUBUL1	0,26047	0,26047	0,26707	0,27239	0,24853	0,24853	0,24853	0,26148	0,28097	0,23467
USUBUL4	0,26047	0,26047	0,26707	0,27239	0,24853	0,24853	0,24853	0,26148	0,28097	0,23467
USUBUL2	0,27703	0,27703	0,28385	0,28929	0,26474	0,26474	0,26474	0,27811	0,28025	0,23915
USUBUL3	0,27703	0,27703	0,28385	0,28929	0,26474	0,26474	0,26474	0,27811	0,28025	0,23915
USUBUL5	0,27703	0,27703	0,28385	0,28929	0,26474	0,26474	0,26474	0,27811	0,28025	0,23915
USUBUL6	0,27251	0,27251	0,27928	0,28471	0,25951	0,25951	0,25951	0,27275	0,29268	0,24547
UTRILO1	0,29602	0,29602	0,30313	0,30874	0,28326	0,28326	0,28326	0,29719	0,31814	0,26879
UTRILO4	0,29602	0,29602	0,30313	0,30874	0,28326	0,28326	0,28326	0,29719	0,31814	0,26879
UTRILO2	0,29602	0,29602	0,30313	0,30874	0,28326	0,28326	0,28326	0,29719	0,31814	0,26879
UTRILO3	0,29602	0,29602	0,30313	0,30874	0,28326	0,28326	0,28326	0,29719	0,31814	0,26879
UTRILO6	0,29602	0,29602	0,30313	0,30874	0,28326	0,28326	0,28326	0,29719	0,31814	0,26879
UNERV1	0,29553	0,29553	0,30262	0,30823	0,27658	0,27658	0,27658	0,30134	0,30461	0,26226
UNERV2	0,29553	0,29553	0,30262	0,30823	0,27658	0,27658	0,27658	0,30134	0,30461	0,26226
UNERV3	0,29553	0,29553	0,30262	0,30823	0,27658	0,27658	0,27658	0,30134	0,30461	0,26226
UNERV4	0,29553	0,29553	0,30262	0,30823	0,27658	0,27658	0,27658	0,30134	0,30461	0,26226
UNERV5	0,29553	0,29553	0,30262	0,30823	0,27658	0,27658	0,27658	0,30134	0,30461	0,26226
UNERV6	0,29553	0,29553	0,30262	0,30823	0,27658	0,27658	0,27658	0,30134	0,30461	0,26226
UFLAC1	0,26384	0,26384	0,26462	0,26989	0,24608	0,24608	0,24608	0,25316	0,27113	0,25294
UFLAC5	0,26384	0,26384	0,26462	0,26989	0,24608	0,24608	0,24608	0,25316	0,27113	0,25294
UFLAC2	0,26384	0,26384	0,26462	0,26989	0,24608	0,24608	0,24608	0,25316	0,27113	0,25294
UFLAC3	0,26384	0,26384	0,26462	0,26989	0,24608	0,24608	0,24608	0,25316	0,27113	0,25294
UFLAC4	0,28144	0,28144	0,28228	0,28769	0,26307	0,26307	0,26307	0,27045	0,28903	0,27021
UCUCUL1	0,30401	0,30401	0,31117	0,30401	0,30957	0,30957	0,30957	0,32415	0,33352	0,34695
UCUCUL2	0,30401	0,30401	0,31117	0,30401	0,30957	0,30957	0,30957	0,32415	0,33352	0,34695
UCUCUC3	0,30401	0,30401	0,31117	0,30401	0,30957	0,30957	0,30957	0,32415	0,33352	0,34695
UNANA1	0,42570	0,42570	0,44164	0,42570	0,41850	0,41850	0,41850	0,42654	0,45487	0,39587
UNANA2	0,42570	0,42570	0,44164	0,42570	0,41850	0,41850	0,41850	0,42654	0,45487	0,39587
UNANA3	0,42570	0,42570	0,44164	0,42570	0,41850	0,41850	0,41850	0,42654	0,45487	0,39587
UNANA4	0,42570	0,42570	0,44164	0,42570	0,41850	0,41850	0,41850	0,42654	0,45487	0,39587
UNANA5	0,42570	0,42570	0,44164	0,42570	0,41850	0,41850	0,41850	0,42654	0,45487	0,39587
UNANA6	0,42570	0,42570	0,44164	0,42570	0,41850	0,41850	0,41850	0,42654	0,45487	0,39587

(continuação)

	UFOLI5	UFOLI2	UFOLI3	UFOLI4	UAMETH3	UAMETH4	UTRICO1	UTRICO3	UTRICO4
UAMETH3	0,29540	0,29540	0,29540	0,30170					
UAMETH4	0,30715	0,30715	0,30715	0,31359	0,01376				
UTRICO1	0,31604	0,31604	0,31604	0,32261	0,14280	0,14308			
UTRICO3	0,31604	0,31604	0,31604	0,32261	0,14280	0,14308	0,00000		
UTRICO4	0,31604	0,31604	0,31604	0,32261	0,14280	0,14308	0,00000	0,00000	
UTRICO5	0,31604	0,31604	0,31604	0,32261	0,14280	0,14308	0,00000	0,00000	0,00000
UNEOT1	0,28617	0,28617	0,28617	0,29241	0,35344	0,36140	0,34191	0,34191	0,34191
UNEOT4	0,28617	0,28617	0,28617	0,29241	0,35344	0,36140	0,34191	0,34191	0,34191
UNEOT5	0,28617	0,28617	0,28617	0,29241	0,35344	0,36140	0,34191	0,34191	0,34191
UNEOT2	0,27332	0,27332	0,27332	0,27941	0,33896	0,34669	0,32871	0,32871	0,32871
UNEOT3	0,27332	0,27332	0,27332	0,27941	0,33896	0,34669	0,32871	0,32871	0,32871
USUBUL1	0,23467	0,23467	0,23467	0,24035	0,32099	0,32846	0,31760	0,31760	0,31760
USUBUL4	0,23467	0,23467	0,23467	0,24035	0,32099	0,32846	0,31760	0,31760	0,31760
USUBUL2	0,23915	0,23915	0,23915	0,24486	0,31445	0,32183	0,31677	0,31677	0,31677
USUBUL3	0,23915	0,23915	0,23915	0,24486	0,31445	0,32183	0,31677	0,31677	0,31677
USUBUL5	0,23915	0,23915	0,23915	0,24486	0,31445	0,32183	0,31677	0,31677	0,31677
USUBUL6	0,24547	0,24547	0,24547	0,25126	0,32760	0,33518	0,31677	0,31677	0,31677
UTRILO1	0,26879	0,26879	0,26879	0,27485	0,35454	0,36254	0,34331	0,34331	0,34331
UTRILO4	0,26879	0,26879	0,26879	0,27485	0,35454	0,36254	0,34331	0,34331	0,34331
UTRILO2	0,26879	0,26879	0,26879	0,27485	0,35454	0,36254	0,34331	0,34331	0,34331
UTRILO3	0,26879	0,26879	0,26879	0,27485	0,35454	0,36254	0,34331	0,34331	0,34331
UTRILO6	0,26879	0,26879	0,26879	0,27485	0,35454	0,36254	0,34331	0,34331	0,34331
UNERV1	0,26226	0,26226	0,26226	0,26823	0,33430	0,34197	0,32917	0,32917	0,32917
UNERV2	0,26226	0,26226	0,26226	0,26823	0,33430	0,34197	0,32917	0,32917	0,32917
UNERV3	0,26226	0,26226	0,26226	0,26823	0,33430	0,34197	0,32917	0,32917	0,32917
UNERV4	0,26226	0,26226	0,26226	0,26823	0,33430	0,34197	0,32917	0,32917	0,32917
UNERV5	0,26226	0,26226	0,26226	0,26823	0,33430	0,34197	0,32917	0,32917	0,32917
UNERV6	0,26226	0,26226	0,26226	0,26823	0,33430	0,34197	0,32917	0,32917	0,32917
UFLAC1	0,25294	0,25294	0,25294	0,25875	0,32675	0,32745	0,31595	0,31595	0,31595
UFLAC5	0,25294	0,25294	0,25294	0,25875	0,32675	0,32745	0,31595	0,31595	0,31595
UFLAC2	0,25294	0,25294	0,25294	0,25875	0,32675	0,32745	0,31595	0,31595	0,31595
UFLAC3	0,25294	0,25294	0,25294	0,25875	0,32675	0,32745	0,31595	0,31595	0,31595
UFLAC4	0,27021	0,27021	0,27021	0,27621	0,33326	0,33398	0,32886	0,32886	0,32886
UCUCUL1	0,34695	0,34695	0,34695	0,35387	0,38411	0,38533	0,38704	0,38704	0,38704
UCUCUL2	0,34695	0,34695	0,34695	0,35387	0,38411	0,38533	0,38704	0,38704	0,38704
UCUCUC3	0,34695	0,34695	0,34695	0,35387	0,38411	0,38533	0,38704	0,38704	0,38704
UNANA1	0,39587	0,39587	0,39587	0,40348	0,38415	0,38415	0,40048	0,40048	0,40048
UNANA2	0,39587	0,39587	0,39587	0,40348	0,38415	0,38415	0,40048	0,40048	0,40048
UNANA3	0,39587	0,39587	0,39587	0,40348	0,38415	0,38415	0,40048	0,40048	0,40048
UNANA4	0,39587	0,39587	0,39587	0,40348	0,38415	0,38415	0,40048	0,40048	0,40048
UNANA5	0,39587	0,39587	0,39587	0,40348	0,38415	0,38415	0,40048	0,40048	0,40048
UNANA6	0,39587	0,39587	0,39587	0,40348	0,38415	0,38415	0,40048	0,40048	0,40048

(continuação)

	UTRICO5	UNEOT1	UNEOT4	UNEOT5	UNEOT2	UNEOT3	USUBUL1	USUBUL4
UAMETH3								
UAMETH4								
UTRICO1								
UTRICO3								
UTRICO4								
UTRICO5								
UNEOT1	0,34191							
UNEOT4	0,34191	0,00000						
UNEOT5	0,34191	0,00000	0,00000					
UNEOT2	0,32871	0,01730	0,01730	0,01730				
UNEOT3	0,32871	0,01730	0,01730	0,01730	0,00000			
USUBUL1	0,31760	0,08172	0,08172	0,08172	0,07346	0,07346		
USUBUL4	0,31760	0,08172	0,08172	0,08172	0,07346	0,07346	0,00000	
USUBUL2	0,31677	0,08545	0,08545	0,08545	0,07715	0,07715	0,01725	0,01725
USUBUL3	0,31677	0,08545	0,08545	0,08545	0,07715	0,07715	0,01725	0,01725
USUBUL5	0,31677	0,08545	0,08545	0,08545	0,07715	0,07715	0,01725	0,01725
USUBUL6	0,31677	0,08154	0,08154	0,08154	0,07329	0,07329	0,01732	0,01732
UTRILO1	0,34331	0,10217	0,10217	0,10217	0,08939	0,08939	0,03158	0,03158
UTRILO4	0,34331	0,10217	0,10217	0,10217	0,08939	0,08939	0,03158	0,03158
UTRILO2	0,34331	0,10217	0,10217	0,10217	0,08939	0,08939	0,03158	0,03158
UTRILO3	0,34331	0,10217	0,10217	0,10217	0,08939	0,08939	0,03158	0,03158
UTRILO6	0,34331	0,10217	0,10217	0,10217	0,08939	0,08939	0,03158	0,03158
UNERV1	0,32917	0,10175	0,10175	0,10175	0,09314	0,09314	0,05364	0,05364
UNERV2	0,32917	0,10175	0,10175	0,10175	0,09314	0,09314	0,05364	0,05364
UNERV3	0,32917	0,10175	0,10175	0,10175	0,09314	0,09314	0,05364	0,05364
UNERV4	0,32917	0,10175	0,10175	0,10175	0,09314	0,09314	0,05364	0,05364
UNERV5	0,32917	0,10175	0,10175	0,10175	0,09314	0,09314	0,05364	0,05364
UNERV6	0,32917	0,10175	0,10175	0,10175	0,09314	0,09314	0,05364	0,05364
UFLAC1	0,31595	0,13592	0,13592	0,13592	0,13108	0,13108	0,13185	0,13185
UFLAC5	0,31595	0,13592	0,13592	0,13592	0,13108	0,13108	0,13185	0,13185
UFLAC2	0,31595	0,13592	0,13592	0,13592	0,13108	0,13108	0,13185	0,13185
UFLAC3	0,31595	0,13592	0,13592	0,13592	0,13108	0,13108	0,13185	0,13185
UFLAC4	0,32886	0,15427	0,15427	0,15427	0,14921	0,14921	0,14547	0,14547
UCUCUL1	0,38704	0,21368	0,21368	0,21368	0,20271	0,20271	0,20297	0,20297
UCUCUL2	0,38704	0,21368	0,21368	0,21368	0,20271	0,20271	0,20297	0,20297
UCUCUC3	0,38704	0,21368	0,21368	0,21368	0,20271	0,20271	0,20297	0,20297
UNANA1	0,40048	0,41078	0,41078	0,41078	0,39601	0,39601	0,37636	0,37636
UNANA2	0,40048	0,41078	0,41078	0,41078	0,39601	0,39601	0,37636	0,37636
UNANA3	0,40048	0,41078	0,41078	0,41078	0,39601	0,39601	0,37636	0,37636
UNANA4	0,40048	0,41078	0,41078	0,41078	0,39601	0,39601	0,37636	0,37636
UNANA5	0,40048	0,41078	0,41078	0,41078	0,39601	0,39601	0,37636	0,37636
UNANA6	0,40048	0,41078	0,41078	0,41078	0,39601	0,39601	0,37636	0,37636

(continuação)

	USUBUL2	USUBUL3	USUBUL5	USUBUL6	UTRILO1	UTRILO4	UTRILO2	UTRILO3
UAMETH3								
UAMETH4								
UTRICO1								
UTRICO3								
UTRICO4								
UTRICO5								
UNEOT1								
UNEOT4								
UNEOT5								
UNEOT2								
UNEOT3								
USUBUL1								
USUBUL4								
USUBUL2								
USUBUL3	0,00000							
USUBUL5	0,00000	0,00000						
USUBUL6	0,02079	0,02079	0,02079					
UTRILO1	0,03510	0,03510	0,03510	0,03159				
UTRILO4	0,03510	0,03510	0,03510	0,03159	0,00000			
UTRILO2	0,03510	0,03510	0,03510	0,03159	0,00000	0,00000		
UTRILO3	0,03510	0,03510	0,03510	0,03159	0,00000	0,00000	0,00000	
UTRILO6	0,03510	0,03510	0,03510	0,03159	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000
UNERV1	0,05722	0,05722	0,05722	0,05352	0,06521	0,06521	0,06521	0,06521
UNERV2	0,05722	0,05722	0,05722	0,05352	0,06521	0,06521	0,06521	0,06521
UNERV3	0,05722	0,05722	0,05722	0,05352	0,06521	0,06521	0,06521	0,06521
UNERV4	0,05722	0,05722	0,05722	0,05352	0,06521	0,06521	0,06521	0,06521
UNERV5	0,05722	0,05722	0,05722	0,05352	0,06521	0,06521	0,06521	0,06521
UNERV6	0,05722	0,05722	0,05722	0,05352	0,06521	0,06521	0,06521	0,06521
UFLAC1	0,13119	0,13119	0,13119	0,13154	0,15423	0,15423	0,15423	0,15423
UFLAC5	0,13119	0,13119	0,13119	0,13154	0,15423	0,15423	0,15423	0,15423
UFLAC2	0,13119	0,13119	0,13119	0,13154	0,15423	0,15423	0,15423	0,15423
UFLAC3	0,13119	0,13119	0,13119	0,13154	0,15423	0,15423	0,15423	0,15423
UFLAC4	0,14933	0,14933	0,14933	0,14974	0,16367	0,16367	0,16367	0,16367
UCUCUL1	0,20249	0,20249	0,20249	0,20249	0,21871	0,21871	0,21871	0,21871
UCUCUL2	0,20249	0,20249	0,20249	0,20249	0,21871	0,21871	0,21871	0,21871
UCUCUC3	0,20249	0,20249	0,20249	0,20249	0,21871	0,21871	0,21871	0,21871
UNANA1	0,36914	0,36914	0,36914	0,38366	0,39601	0,39601	0,39601	0,39601
UNANA2	0,36914	0,36914	0,36914	0,38366	0,39601	0,39601	0,39601	0,39601
UNANA3	0,36914	0,36914	0,36914	0,38366	0,39601	0,39601	0,39601	0,39601
UNANA4	0,36914	0,36914	0,36914	0,38366	0,39601	0,39601	0,39601	0,39601
UNANA5	0,36914	0,36914	0,36914	0,38366	0,39601	0,39601	0,39601	0,39601
UNANA6	0,36914	0,36914	0,36914	0,38366	0,39601	0,39601	0,39601	0,39601

(continuação)

	UFLAC2	UFLAC3	UFLAC4	UCUCUL1	UCUCUL2	UCUCUC3	UNANA1	UNANA2	UNANA3	UNANA4	UNANA5	UNANA6
UAMETH3												
UAMETH4												
UTRICO1												
UTRICO3												
UTRICO4												
UTRICO5												
UNEOT1												
UNEOT4												
UNEOT5												
UNEOT2												
UNEOT3												
USUBUL1												
USUBUL4												
USUBUL2												
USUBUL3												
USUBUL5												
USUBUL6												
UTRILO1												
UTRILO4												
UTRILO2												
UTRILO3												
UTRILO6												
UNERV1												
UNERV2												
UNERV3												
UNERV4												
UNERV5												
UNERV6												
UFLAC1												
UFLAC5												
UFLAC2												
UFLAC3	0,00000											
UFLAC4	0,01378	0,01378										
UCUCUL1	0,19156	0,19156	0,20678									
UCUCUL2	0,19156	0,19156	0,20678	0,00000								
UCUCUC3	0,19156	0,19156	0,20678	0,00000	0,00000							
UNANA1	0,37651	0,37651	0,39791	0,41281	0,41281	0,41281						
UNANA2	0,37651	0,37651	0,39791	0,41281	0,41281	0,41281	0,00000					
UNANA3	0,37651	0,37651	0,39791	0,41281	0,41281	0,41281	0,00000	0,00000				
UNANA4	0,37651	0,37651	0,39791	0,41281	0,41281	0,41281	0,00000	0,00000	0,00000			
UNANA5	0,37651	0,37651	0,39791	0,41281	0,41281	0,41281	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000		
UNANA6	0,37651	0,37651	0,39791	0,41281	0,41281	0,41281	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000	0,00000	

8.5 Matriz de distância *trnL-trnF* de acordo com o modelo GTR+G

	USIMUL1	UPART1	UPART4	UPART2	UPART3	UPART5	ULACI3	ULACI6	ULACI4
USIMUL1									
UPART1	0,105								
UPART4	0,105	0,000							
UPART2	0,105	0,000	0,000						
UPART3	0,105	0,000	0,000	0,000					
UPART5	0,105	0,000	0,000	0,000	0,000				
ULACI3	0,118	0,009	0,009	0,009	0,009	0,009			
ULACI6	0,118	0,009	0,009	0,009	0,009	0,009	0,000		
ULACI4	0,118	0,009	0,009	0,009	0,009	0,009	0,000	0,000	
ULACI5	0,118	0,009	0,009	0,009	0,009	0,009	0,000	0,000	0,000
UCUCU1	0,187	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
UCUCU2	0,187	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
UCUCU3	0,187	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
UNEOT2	0,337	0,358	0,358	0,358	0,358	0,358	0,380	0,380	0,380
UNEOT3	0,337	0,358	0,358	0,358	0,358	0,358	0,380	0,380	0,380
UNEOT5	0,315	0,335	0,335	0,335	0,335	0,335	0,355	0,355	0,355
USUBUL4	0,201	0,173	0,173	0,173	0,173	0,173	0,188	0,188	0,188
UTRIL1	0,216	0,188	0,188	0,188	0,188	0,188	0,203	0,203	0,203
UTRIL2	0,216	0,188	0,188	0,188	0,188	0,188	0,203	0,203	0,203
UTRIL4	0,232	0,203	0,203	0,203	0,203	0,203	0,218	0,218	0,218
UTRIL6	0,216	0,188	0,188	0,188	0,188	0,188	0,203	0,203	0,203
UNERV1	0,231	0,202	0,202	0,202	0,202	0,202	0,218	0,218	0,218
UNERV6	0,231	0,202	0,202	0,202	0,202	0,202	0,218	0,218	0,218
UNERV3	0,231	0,202	0,202	0,202	0,202	0,202	0,218	0,218	0,218
UNERV2	0,231	0,202	0,202	0,202	0,202	0,202	0,218	0,218	0,218
UPUSS6	0,248	0,218	0,218	0,218	0,218	0,218	0,234	0,234	0,234
UFLAC1	0,243	0,213	0,213	0,213	0,213	0,213	0,229	0,229	0,229
UFLAC2	0,243	0,213	0,213	0,213	0,213	0,213	0,229	0,229	0,229
UFLAC3	0,243	0,213	0,213	0,213	0,213	0,213	0,229	0,229	0,229
UFLAC4	0,243	0,213	0,213	0,213	0,213	0,213	0,229	0,229	0,229
UFLAC5	0,243	0,213	0,213	0,213	0,213	0,213	0,229	0,229	0,229
UGIBB3	0,264	0,244	0,244	0,244	0,244	0,244	0,260	0,260	0,260
UGIBB4	0,264	0,244	0,244	0,244	0,244	0,244	0,260	0,260	0,260
UGIBB5	0,264	0,244	0,244	0,244	0,244	0,244	0,260	0,260	0,260
USTR11	0,266	0,245	0,245	0,245	0,245	0,245	0,262	0,262	0,262
UGIBB8	0,247	0,227	0,227	0,227	0,227	0,227	0,244	0,244	0,244
UINTE1	0,215	0,197	0,197	0,197	0,197	0,197	0,212	0,212	0,212
UINTE3	0,215	0,197	0,197	0,197	0,197	0,197	0,212	0,212	0,212
UINFL1	0,231	0,212	0,212	0,212	0,212	0,212	0,227	0,227	0,227
UFOLI1	0,306	0,302	0,302	0,302	0,302	0,302	0,321	0,321	0,321
UFOLI5	0,306	0,302	0,302	0,302	0,302	0,302	0,321	0,321	0,321
UFOLI4	0,306	0,302	0,302	0,302	0,302	0,302	0,321	0,321	0,321
URENI2	0,184	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
URENI3	0,184	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
URENI4	0,184	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
URENI7	0,184	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
UNELU2	0,201	0,205	0,205	0,205	0,205	0,205	0,221	0,221	0,221
UNELU3	0,201	0,205	0,205	0,205	0,205	0,205	0,221	0,221	0,221
UNELU5	0,201	0,205	0,205	0,205	0,205	0,205	0,221	0,221	0,221
UNELU4	0,201	0,205	0,205	0,205	0,205	0,205	0,221	0,221	0,221
URENI6	0,184	0,189	0,189	0,189	0,189	0,189	0,204	0,204	0,204
UCALY1	0,169	0,173	0,173	0,173	0,173	0,173	0,188	0,188	0,188
UHISP1	0,142	0,133	0,133	0,133	0,133	0,133	0,146	0,146	0,146
UHISP4	0,128	0,119	0,119	0,119	0,119	0,119	0,132	0,132	0,132
UHISP5	0,142	0,133	0,133	0,133	0,133	0,133	0,146	0,146	0,146

(continuação)

	USIMUL1	UPART1	UPART4	UPART2	UPART3	UPART5	ULACI3	ULACI6	ULACI4
UHISP6	0,142	0,133	0,133	0,133	0,133	0,133	0,146	0,146	0,146
ULONG3	0,129	0,120	0,120	0,120	0,120	0,120	0,133	0,133	0,133
ULONG4	0,142	0,133	0,133	0,133	0,133	0,133	0,146	0,146	0,146
UROST1	0,130	0,106	0,106	0,106	0,106	0,106	0,118	0,118	0,118
UROST4	0,130	0,106	0,106	0,106	0,106	0,106	0,118	0,118	0,118
UPUSS2	0,132	0,119	0,119	0,119	0,119	0,119	0,132	0,132	0,132
UPUSS3	0,132	0,119	0,119	0,119	0,119	0,119	0,132	0,132	0,132
UROST2	0,130	0,106	0,106	0,106	0,106	0,106	0,118	0,118	0,118
UPUSS5	0,130	0,106	0,106	0,106	0,106	0,106	0,118	0,118	0,118
UPUSS4	0,130	0,106	0,106	0,106	0,106	0,106	0,118	0,118	0,118
UPUSS1	0,170	0,144	0,144	0,144	0,144	0,144	0,158	0,158	0,158
uaren1	0,192	0,211	0,211	0,211	0,211	0,211	0,227	0,227	0,227
uaren3	0,192	0,211	0,211	0,211	0,211	0,211	0,227	0,227	0,227
uaren4	0,192	0,211	0,211	0,211	0,211	0,211	0,227	0,227	0,227
uaren5	0,192	0,211	0,211	0,211	0,211	0,211	0,227	0,227	0,227
uaren6	0,192	0,211	0,211	0,211	0,211	0,211	0,227	0,227	0,227
UNANA6	0,221	0,191	0,191	0,191	0,191	0,191	0,207	0,207	0,207
UAMETH3	0,218	0,223	0,223	0,223	0,223	0,223	0,239	0,239	0,239
UTRIC3	0,234	0,239	0,239	0,239	0,239	0,239	0,257	0,257	0,257
UTRIC4	0,250	0,239	0,239	0,239	0,239	0,239	0,257	0,257	0,257
UPRAEL2	0,172	0,193	0,193	0,193	0,193	0,193	0,209	0,209	0,209

(continuação)

	ULACI5	UCUCU1	UCUCU3	UCUCU2	UNEOT2	UNEOT3	UNEOT5	USUBUL4	UTRIL1
USIMUL1									
UPART1									
UPART4									
UPART2									
UPART3									
UPART5									
ULACI3									
ULACI6									
ULACI4									
ULACI5									
UCUCU1	0,204								
UCUCU3	0,204	0,000							
UCUCU2	0,204	0,000	0,000						
UNEOT2	0,380	0,262	0,262	0,262					
UNEOT3	0,380	0,262	0,262	0,262	0,000				
UNEOT5	0,355	0,282	0,282	0,282	0,009	0,009			
USUBUL4	0,188	0,126	0,126	0,126	0,143	0,143	0,158		
UTRIL1	0,203	0,138	0,138	0,138	0,143	0,143	0,158	0,018	
UTRIL2	0,203	0,138	0,138	0,138	0,143	0,143	0,158	0,018	0,000
UTRIL4	0,218	0,152	0,152	0,152	0,157	0,157	0,172	0,028	0,009
UTRIL6	0,203	0,138	0,138	0,138	0,143	0,143	0,158	0,018	0,000
UNERV1	0,218	0,128	0,128	0,128	0,132	0,132	0,146	0,027	0,027
UNERV6	0,218	0,128	0,128	0,128	0,132	0,132	0,146	0,027	0,027
UNERV3	0,218	0,128	0,128	0,128	0,132	0,132	0,146	0,027	0,027
UNERV2	0,218	0,128	0,128	0,128	0,132	0,132	0,146	0,027	0,027
UPUSS6	0,234	0,114	0,114	0,114	0,142	0,142	0,157	0,047	0,047
UFLAC1	0,229	0,124	0,124	0,124	0,251	0,251	0,269	0,133	0,133
UFLAC2	0,229	0,124	0,124	0,124	0,251	0,251	0,269	0,133	0,133
UFLAC3	0,229	0,124	0,124	0,124	0,251	0,251	0,269	0,133	0,133
UFLAC4	0,229	0,124	0,124	0,124	0,251	0,251	0,269	0,133	0,133
UFLAC5	0,229	0,124	0,124	0,124	0,251	0,251	0,269	0,133	0,133
UGIBB3	0,260	0,268	0,268	0,268	0,356	0,356	0,379	0,224	0,240
UGIBB4	0,260	0,268	0,268	0,268	0,356	0,356	0,379	0,224	0,240
UGIBB5	0,260	0,268	0,268	0,268	0,356	0,356	0,379	0,224	0,240
USTRI1	0,262	0,237	0,237	0,237	0,358	0,358	0,382	0,225	0,241
UGIBB8	0,244	0,252	0,252	0,252	0,376	0,376	0,401	0,240	0,256
UINTE1	0,212	0,200	0,200	0,200	0,294	0,294	0,314	0,191	0,191
UINTE3	0,212	0,200	0,200	0,200	0,294	0,294	0,314	0,191	0,191
UINFL1	0,227	0,236	0,236	0,236	0,297	0,297	0,317	0,193	0,193
UFOLI1	0,321	0,270	0,270	0,270	0,401	0,401	0,427	0,275	0,275
UFOLI5	0,321	0,270	0,270	0,270	0,401	0,401	0,427	0,275	0,275
UFOLI4	0,321	0,270	0,270	0,270	0,401	0,401	0,427	0,275	0,275
URENI2	0,204	0,183	0,183	0,183	0,299	0,299	0,320	0,167	0,167
URENI3	0,204	0,183	0,183	0,183	0,299	0,299	0,320	0,167	0,167
URENI4	0,204	0,183	0,183	0,183	0,299	0,299	0,320	0,167	0,167
URENI7	0,204	0,183	0,183	0,183	0,299	0,299	0,320	0,167	0,167
UNELU2	0,221	0,199	0,199	0,199	0,320	0,320	0,342	0,183	0,183
UNELU3	0,221	0,199	0,199	0,199	0,320	0,320	0,342	0,183	0,183
UNELU5	0,221	0,199	0,199	0,199	0,320	0,320	0,342	0,183	0,183
UNELU4	0,221	0,199	0,199	0,199	0,320	0,320	0,342	0,183	0,183
URENI6	0,204	0,183	0,183	0,183	0,299	0,299	0,320	0,167	0,167
UCALY1	0,188	0,154	0,154	0,154	0,320	0,320	0,342	0,143	0,156
UHISP1	0,146	0,155	0,155	0,155	0,297	0,297	0,277	0,141	0,141
UHISP4	0,132	0,141	0,141	0,141	0,277	0,277	0,258	0,127	0,127
UHISP5	0,146	0,155	0,155	0,155	0,297	0,297	0,277	0,141	0,141
UHISP6	0,146	0,155	0,155	0,155	0,297	0,297	0,277	0,141	0,141
ULONG3	0,133	0,115	0,115	0,115	0,241	0,241	0,259	0,102	0,102
ULONG4	0,146	0,127	0,127	0,127	0,241	0,241	0,259	0,102	0,126
UROST1	0,118	0,129	0,129	0,129	0,258	0,258	0,278	0,105	0,118
UROST4	0,118	0,129	0,129	0,129	0,258	0,258	0,278	0,105	0,118
UPUSS2	0,132	0,143	0,143	0,143	0,257	0,257	0,276	0,118	0,131
UPUSS3	0,132	0,143	0,143	0,143	0,257	0,257	0,276	0,118	0,131
UROST2	0,118	0,129	0,129	0,129	0,258	0,258	0,278	0,105	0,118
UPUSS5	0,118	0,129	0,129	0,129	0,258	0,258	0,278	0,105	0,118
UPUSS4	0,118	0,129	0,129	0,129	0,258	0,258	0,278	0,105	0,118
UPUSS1	0,158	0,168	0,168	0,168	0,313	0,313	0,335	0,143	0,157
uaren1	0,227	0,219	0,219	0,219	0,307	0,307	0,329	0,184	0,184
uaren3	0,227	0,219	0,219	0,219	0,307	0,307	0,329	0,184	0,184
uaren4	0,227	0,219	0,219	0,219	0,307	0,307	0,329	0,184	0,184
uaren5	0,227	0,219	0,219	0,219	0,307	0,307	0,329	0,184	0,184
uaren6	0,227	0,219	0,219	0,219	0,307	0,307	0,329	0,184	0,184
UNANA6	0,207	0,185	0,185	0,185	0,389	0,389	0,414	0,184	0,199
UAMETH3	0,239	0,168	0,168	0,168	0,337	0,337	0,359	0,196	0,196
UTRIC3	0,257	0,182	0,182	0,182	0,357	0,357	0,380	0,211	0,211
UTRIC4	0,257	0,197	0,197	0,197	0,378	0,378	0,402	0,227	0,227
UPRAEL2	0,209	0,218	0,218	0,218	0,325	0,325	0,304	0,188	0,188

(continuação)

	UTRIL2	UTRIL4	UTRIL6	UNERV1	UNERV6	UNERV3	UNERV2	UPUSS6	UFLAC1	UFLA
USIMUL1										
UPART1										
UPART4										
UPART2										
UPART3										
UPART5										
ULACI3										
ULACI6										
ULACI4										
ULACI5										
UCUCU1										
UCUCU3										
UCUCU2										
UNEOT2										
UNEOT3										
UNEOT5										
USUBUL4										
UTRIL1										
UTRIL2										
UTRIL4	0,009									
UTRIL6	0,000	0,009								
UNERV1	0,027	0,037	0,027							
UNERV6	0,027	0,037	0,027	0,000						
UNERV3	0,027	0,037	0,027	0,000	0,000					
UNERV2	0,027	0,037	0,027	0,000	0,000	0,000				
UPUSS6	0,047	0,057	0,047	0,038	0,038	0,038	0,038			
UFLAC1	0,133	0,145	0,133	0,123	0,123	0,123	0,123	0,121		
UFLAC2	0,133	0,145	0,133	0,123	0,123	0,123	0,123	0,121	0,000	
UFLAC3	0,133	0,145	0,133	0,123	0,123	0,123	0,123	0,121	0,000	0,000
UFLAC4	0,133	0,145	0,133	0,123	0,123	0,123	0,123	0,121	0,000	0,000
UFLAC5	0,133	0,145	0,133	0,123	0,123	0,123	0,123	0,121	0,000	0,000
UGIBB3	0,240	0,224	0,240	0,255	0,255	0,255	0,255	0,266	0,266	0,266
UGIBB4	0,240	0,224	0,240	0,255	0,255	0,255	0,255	0,266	0,266	0,266
UGIBB5	0,240	0,224	0,240	0,255	0,255	0,255	0,255	0,266	0,266	0,266
USTRI1	0,241	0,225	0,241	0,257	0,257	0,257	0,257	0,267	0,235	0,235
UGIBB8	0,256	0,240	0,256	0,272	0,272	0,272	0,272	0,283	0,249	0,249
UINTE1	0,191	0,206	0,191	0,205	0,205	0,205	0,205	0,200	0,186	0,186
UINTE3	0,191	0,206	0,191	0,205	0,205	0,205	0,205	0,200	0,186	0,186
UINFL1	0,193	0,208	0,193	0,207	0,207	0,207	0,207	0,217	0,200	0,200
UFOLI1	0,275	0,292	0,275	0,292	0,292	0,292	0,292	0,302	0,267	0,267
UFOLI4	0,275	0,292	0,275	0,292	0,292	0,292	0,292	0,302	0,267	0,267
UFOLI5	0,275	0,292	0,275	0,292	0,292	0,292	0,292	0,302	0,267	0,267
URENI2	0,167	0,181	0,167	0,181	0,181	0,181	0,181	0,178	0,151	0,151
URENI3	0,167	0,181	0,167	0,181	0,181	0,181	0,181	0,178	0,151	0,151
URENI4	0,167	0,181	0,167	0,181	0,181	0,181	0,181	0,178	0,151	0,151
URENI7	0,167	0,181	0,167	0,181	0,181	0,181	0,181	0,178	0,151	0,151
UNELU2	0,183	0,197	0,183	0,197	0,197	0,197	0,197	0,194	0,166	0,166
UNELU3	0,183	0,197	0,183	0,197	0,197	0,197	0,197	0,194	0,166	0,166
UNELU5	0,183	0,197	0,183	0,197	0,197	0,197	0,197	0,194	0,166	0,166
UNELU4	0,183	0,197	0,183	0,197	0,197	0,197	0,197	0,194	0,166	0,166
URENI6	0,167	0,181	0,167	0,181	0,181	0,181	0,181	0,178	0,151	0,151
UCALY1	0,156	0,170	0,156	0,169	0,169	0,169	0,169	0,167	0,136	0,136
UHISP1	0,141	0,154	0,141	0,154	0,154	0,154	0,154	0,152	0,126	0,126
UHISP4	0,127	0,140	0,127	0,139	0,139	0,139	0,139	0,138	0,113	0,113
UHISP5	0,141	0,154	0,141	0,154	0,154	0,154	0,154	0,152	0,126	0,126
UHISP6	0,141	0,154	0,141	0,154	0,154	0,154	0,154	0,152	0,126	0,126
ULONG3	0,102	0,114	0,102	0,113	0,113	0,113	0,113	0,112	0,089	0,089
ULONG4	0,126	0,139	0,126	0,138	0,138	0,138	0,138	0,137	0,112	0,112
UROST1	0,118	0,130	0,118	0,130	0,130	0,130	0,130	0,143	0,164	0,164
UROST4	0,118	0,130	0,118	0,130	0,130	0,130	0,130	0,143	0,164	0,164
UPUSS2	0,131	0,144	0,131	0,144	0,144	0,144	0,144	0,158	0,179	0,179
UPUSS3	0,131	0,144	0,131	0,144	0,144	0,144	0,144	0,158	0,179	0,179
UROST2	0,118	0,130	0,118	0,130	0,130	0,130	0,130	0,143	0,164	0,164
UPUSS5	0,118	0,130	0,118	0,130	0,130	0,130	0,130	0,143	0,164	0,164
UPUSS4	0,118	0,130	0,118	0,130	0,130	0,130	0,130	0,143	0,164	0,164
UPUSS1	0,157	0,171	0,157	0,170	0,170	0,170	0,170	0,184	0,153	0,153
uaren1	0,184	0,199	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,210	0,210
uaren3	0,184	0,199	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,210	0,210
uaren4	0,184	0,199	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,210	0,210
uaren5	0,184	0,199	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,210	0,210
uaren6	0,184	0,199	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184	0,210	0,210
UNANA6	0,199	0,214	0,199	0,213	0,213	0,213	0,213	0,229	0,196	0,196
UAMETH3	0,196	0,181	0,196	0,197	0,197	0,197	0,197	0,180	0,166	0,166
UTRIC3	0,211	0,196	0,211	0,213	0,213	0,213	0,213	0,195	0,180	0,180
UTRIC4	0,227	0,211	0,227	0,228	0,228	0,228	0,228	0,210	0,195	0,195
UPRAEL2	0,188	0,203	0,188	0,202	0,202	0,202	0,202	0,199	0,183	0,183

(continuação)

	UFLAC3	UFLAC4	UFLAC5	UGIBB3	UGIBB4	UGIBB5	USTRI1	UGIBB8	UINTE1	UINTE3
USIMUL1										
UPART1										
UPART4										
UPART2										
UPART3										
UPART5										
ULACI3										
ULACI6										
ULACI4										
ULACI5										
UCUCU1										
UCUCU3										
UCUCU2										
UNEOT2										
UNEOT3										
UNEOT5										
USUBUL4										
UTRIL1										
UTRIL2										
UTRIL4										
UTRIL6										
UNERV1										
UNERV6										
UNERV3										
UNERV2										
UPUSS6										
UFLAC1										
UFLAC2										
UFLAC3										
UFLAC4	0,000									
UFLAC5	0,000	0,000								
UGIBB3	0,266	0,266	0,266							
UGIBB4	0,266	0,266	0,266	0,000						
UGIBB5	0,266	0,266	0,266	0,000	0,000					
USTRI1	0,235	0,235	0,235	0,028	0,028	0,028				
UGIBB8	0,249	0,249	0,249	0,009	0,009	0,009	0,018			
UINTE1	0,186	0,186	0,186	0,070	0,070	0,070	0,082	0,059		
UINTE3	0,186	0,186	0,186	0,070	0,070	0,070	0,082	0,059	0,000	
UINFL1	0,200	0,200	0,200	0,081	0,081	0,081	0,093	0,070	0,028	0,028
UFOLI1	0,267	0,267	0,267	0,119	0,119	0,119	0,120	0,107	0,082	0,082
UFOLI5	0,267	0,267	0,267	0,119	0,119	0,119	0,120	0,107	0,082	0,082
UFOLI4	0,267	0,267	0,267	0,119	0,119	0,119	0,120	0,107	0,082	0,082
URENI2	0,151	0,151	0,151	0,278	0,278	0,278	0,245	0,260	0,194	0,194
URENI3	0,151	0,151	0,151	0,278	0,278	0,278	0,245	0,260	0,194	0,194
URENI4	0,151	0,151	0,151	0,278	0,278	0,278	0,245	0,260	0,194	0,194
URENI7	0,151	0,151	0,151	0,278	0,278	0,278	0,245	0,260	0,194	0,194
UNELU2	0,166	0,166	0,166	0,259	0,259	0,259	0,227	0,242	0,178	0,178
UNELU3	0,166	0,166	0,166	0,259	0,259	0,259	0,227	0,242	0,178	0,178
UNELU5	0,166	0,166	0,166	0,259	0,259	0,259	0,227	0,242	0,178	0,178
UNELU4	0,166	0,166	0,166	0,259	0,259	0,259	0,227	0,242	0,178	0,178
URENI6	0,151	0,151	0,151	0,278	0,278	0,278	0,245	0,260	0,194	0,194
UCALY1	0,136	0,136	0,136	0,191	0,191	0,191	0,192	0,177	0,179	0,179
UHISP1	0,126	0,126	0,126	0,213	0,213	0,213	0,214	0,197	0,139	0,139
UHISP4	0,113	0,113	0,113	0,196	0,196	0,196	0,197	0,181	0,126	0,126
UHISP5	0,126	0,126	0,126	0,213	0,213	0,213	0,214	0,197	0,139	0,139
UHISP6	0,126	0,126	0,126	0,213	0,213	0,213	0,214	0,197	0,139	0,139
ULONG3	0,089	0,089	0,089	0,166	0,166	0,166	0,167	0,153	0,101	0,101
ULONG4	0,112	0,112	0,112	0,180	0,180	0,180	0,181	0,166	0,125	0,125
UROST1	0,164	0,164	0,164	0,226	0,226	0,226	0,227	0,210	0,181	0,181
UROST4	0,164	0,164	0,164	0,226	0,226	0,226	0,227	0,210	0,181	0,181
UPUSS2	0,179	0,179	0,179	0,244	0,244	0,244	0,245	0,227	0,197	0,197
UPUSS3	0,179	0,179	0,179	0,244	0,244	0,244	0,245	0,227	0,197	0,197
UROST2	0,164	0,164	0,164	0,226	0,226	0,226	0,227	0,210	0,181	0,181
UPUSS5	0,164	0,164	0,164	0,226	0,226	0,226	0,227	0,210	0,181	0,181
UPUSS4	0,164	0,164	0,164	0,226	0,226	0,226	0,227	0,210	0,181	0,181
UPUSS1	0,153	0,153	0,153	0,246	0,246	0,246	0,248	0,230	0,199	0,199
uaren1	0,210	0,210	0,210	0,289	0,289	0,289	0,273	0,271	0,202	0,202
uaren3	0,210	0,210	0,210	0,289	0,289	0,289	0,273	0,271	0,202	0,202
uaren4	0,210	0,210	0,210	0,289	0,289	0,289	0,273	0,271	0,202	0,202
uaren5	0,210	0,210	0,210	0,289	0,289	0,289	0,273	0,271	0,202	0,202
uaren6	0,210	0,210	0,210	0,289	0,289	0,289	0,273	0,271	0,202	0,202
UNANA6	0,196	0,196	0,196	0,282	0,282	0,282	0,266	0,264	0,231	0,231
UAMETH3	0,166	0,166	0,166	0,222	0,222	0,222	0,224	0,207	0,176	0,176
UTRIC3	0,180	0,180	0,180	0,238	0,238	0,238	0,240	0,222	0,190	0,190
UTRIC4	0,195	0,195	0,195	0,254	0,254	0,254	0,256	0,238	0,204	0,204
UPRAEL2	0,183	0,183	0,183	0,181	0,181	0,181	0,183	0,167	0,140	0,140

(continuação)

	UINFL1	UFOLI1	UFOLI5	UFOLI4	URENI2	URENI3	URENI4	URENI7	UNELU2	UNELU3
USIMUL1										
UPART1										
UPART4										
UPART2										
UPART3										
UPART5										
ULACI3										
ULACI6										
ULACI4										
ULACI5										
UCUCU1										
UCUCU3										
UCUCU2										
UNEOT2										
UNEOT3										
UNEOT5										
USUBUL4										
UTRIL1										
UTRIL2										
UTRIL4										
UTRIL6										
UNERV1										
UNERV6										
UNERV3										
UNERV2										
UPUSS6										
UFLAC1										
UFLAC2										
UFLAC3										
UFLAC4										
UFLAC5										
UGIBB3										
UGIBB4										
UGIBB5										
USTRI1										
UGIBB8										
UINTE1										
UINTE3										
UINFL1										
UFOLI1	0,093									
UFOLI5	0,093	0,000								
UFOLI4	0,093	0,000	0,000							
URENI2	0,209	0,280	0,280	0,280						
URENI3	0,209	0,280	0,280	0,280	0,000					
URENI4	0,209	0,280	0,280	0,280	0,000	0,000				
URENI7	0,209	0,280	0,280	0,280	0,000	0,000	0,000			
UNELU2	0,193	0,260	0,260	0,260	0,009	0,009	0,009	0,009		
UNELU3	0,193	0,260	0,260	0,260	0,009	0,009	0,009	0,009	0,000	
UNELU5	0,193	0,260	0,260	0,260	0,009	0,009	0,009	0,009	0,000	0,000
UNELU4	0,193	0,260	0,260	0,260	0,009	0,009	0,009	0,009	0,000	0,000
URENI6	0,209	0,280	0,280	0,280	0,000	0,000	0,000	0,000	0,009	0,009
UCALY1	0,181	0,264	0,264	0,264	0,142	0,142	0,142	0,142	0,156	0,156
UHISP1	0,153	0,230	0,230	0,230	0,116	0,116	0,116	0,116	0,129	0,129
UHISP4	0,138	0,213	0,213	0,213	0,103	0,103	0,103	0,103	0,116	0,116
UHISP5	0,153	0,230	0,230	0,230	0,116	0,116	0,116	0,116	0,129	0,129
UHISP6	0,153	0,230	0,230	0,230	0,116	0,116	0,116	0,116	0,129	0,129
ULONG3	0,113	0,181	0,181	0,181	0,079	0,079	0,079	0,079	0,091	0,091
ULONG4	0,138	0,211	0,211	0,211	0,102	0,102	0,102	0,102	0,115	0,115
UROST1	0,183	0,282	0,282	0,282	0,171	0,171	0,171	0,171	0,187	0,187
UROST4	0,183	0,282	0,282	0,282	0,171	0,171	0,171	0,171	0,187	0,187
UPUSS2	0,199	0,302	0,302	0,302	0,187	0,187	0,187	0,187	0,203	0,203
UPUSS3	0,199	0,302	0,302	0,302	0,187	0,187	0,187	0,187	0,203	0,203
UROST2	0,183	0,282	0,282	0,282	0,171	0,171	0,171	0,171	0,187	0,187
UPUSS5	0,183	0,282	0,282	0,282	0,171	0,171	0,171	0,171	0,187	0,187
UPUSS4	0,183	0,282	0,282	0,282	0,171	0,171	0,171	0,171	0,187	0,187
UPUSS1	0,201	0,305	0,305	0,305	0,189	0,189	0,189	0,189	0,205	0,205
uaren1	0,218	0,269	0,269	0,269	0,186	0,186	0,186	0,186	0,202	0,202
uaren3	0,218	0,269	0,269	0,269	0,186	0,186	0,186	0,186	0,202	0,202
uaren4	0,218	0,269	0,269	0,269	0,186	0,186	0,186	0,186	0,202	0,202
uaren5	0,218	0,269	0,269	0,269	0,186	0,186	0,186	0,186	0,202	0,202
uaren6	0,218	0,269	0,269	0,269	0,186	0,186	0,186	0,186	0,202	0,202
UNANA6	0,247	0,302	0,302	0,302	0,221	0,221	0,221	0,221	0,239	0,239
UAMETH3	0,209	0,298	0,298	0,298	0,142	0,142	0,142	0,142	0,157	0,157
UTRIC3	0,224	0,316	0,316	0,316	0,156	0,156	0,156	0,156	0,171	0,171
UTRIC4	0,240	0,335	0,335	0,335	0,169	0,169	0,169	0,169	0,185	0,185
UPRAEL2	0,113	0,231	0,231	0,231	0,172	0,172	0,172	0,172	0,157	0,157

(continuação)

	UNELU5	UNELU4	URENI6	UCALY1	UHISP1	UHISP4	UHISP5	UHISP6	ULONG3
USIMUL1									
UPART1									
UPART4									
UPART2									
UPART3									
UPART5									
ULACI3									
ULACI6									
ULACI4									
ULACI5									
UCUCU1									
UCUCU3									
UCUCU2									
UNEOT2									
UNEOT3									
UNEOT5									
USUBUL4									
UTRIL1									
UTRIL2									
UTRIL4									
UTRIL6									
UNERV1									
UNERV6									
UNERV3									
UNERV2									
UPUSS6									
UFLAC1									
UFLAC2									
UFLAC3									
UFLAC4									
UFLAC5									
UGIBB3									
UGIBB4									
UGIBB5									
USTRI1									
UGIBB8									
UINTE1									
UINTE3									
UINFL1									
UFOLI1									
UFOLI5									
UFOLI4									
URENI2									
URENI3									
URENI4									
URENI7									
UNELU2									
UNELU3									
UNELU5									
UNELU4	0,000								
URENI6	0,009	0,009							
UCALY1	0,156	0,156	0,142						
UHISP1	0,129	0,129	0,116	0,103					
UHISP4	0,116	0,116	0,103	0,091	0,009				
UHISP5	0,129	0,129	0,116	0,103	0,000	0,009			
UHISP6	0,129	0,129	0,116	0,103	0,000	0,009	0,000		
ULONG3	0,091	0,091	0,079	0,068	0,028	0,018	0,028	0,028	
ULONG4	0,115	0,115	0,102	0,079	0,048	0,037	0,048	0,048	0,018
UROST1	0,187	0,187	0,171	0,118	0,131	0,117	0,131	0,131	0,092
UROST4	0,187	0,187	0,171	0,118	0,131	0,117	0,131	0,131	0,092
UPUSS2	0,203	0,203	0,187	0,132	0,145	0,131	0,145	0,145	0,105
UPUSS3	0,203	0,203	0,187	0,132	0,145	0,131	0,145	0,145	0,105
UROST2	0,187	0,187	0,171	0,118	0,131	0,117	0,131	0,131	0,092
UPUSS5	0,187	0,187	0,171	0,118	0,131	0,117	0,131	0,131	0,092
UPUSS4	0,187	0,187	0,171	0,118	0,131	0,117	0,131	0,131	0,092
UPUSS1	0,205	0,205	0,189	0,133	0,146	0,132	0,146	0,146	0,106
uaren1	0,202	0,202	0,186	0,185	0,156	0,142	0,156	0,156	0,115
uaren3	0,202	0,202	0,186	0,185	0,156	0,142	0,156	0,156	0,115
uaren4	0,202	0,202	0,186	0,185	0,156	0,142	0,156	0,156	0,115
uaren5	0,202	0,202	0,186	0,185	0,156	0,142	0,156	0,156	0,115
uaren6	0,202	0,202	0,186	0,185	0,156	0,142	0,156	0,156	0,115
UNANA6	0,239	0,239	0,221	0,172	0,175	0,160	0,175	0,175	0,132
UAMETH3	0,157	0,157	0,142	0,126	0,116	0,103	0,116	0,116	0,079
UTRIC3	0,171	0,171	0,156	0,138	0,128	0,115	0,128	0,128	0,091
UTRIC4	0,185	0,185	0,169	0,152	0,141	0,127	0,141	0,141	0,102
UPRAEL2	0,157	0,157	0,172	0,117	0,059	0,048	0,059	0,059	0,070

(continuação)

	ULONG4	UROST1	UROST4	UPUSS2	UPUSS3	UROST2	UPUSS5	UPUSS4	UPUSS1
USIMUL1									
UPART1									
UPART4									
UPART2									
UPART3									
UPART5									
ULACI3									
ULACI6									
ULACI4									
ULACI5									
UCUCU1									
UCUCU3									
UCUCU2									
UNEOT2									
UNEOT3									
UNEOT5									
USUBUL4									
UTRIL1									
UTRIL2									
UTRIL4									
UTRIL6									
UNERV1									
UNERV6									
UNERV3									
UNERV2									
UPUSS6									
UFLAC1									
UFLAC2									
UFLAC3									
UFLAC4									
UFLAC5									
UGIBB3									
UGIBB4									
UGIBB5									
USTRI1									
UGIBB8									
UINTE1									
UINTE3									
UINFL1									
UFOLI1									
UFOLI5									
UFOLI4									
URENI2									
URENI3									
URENI4									
URENI7									
UNELU2									
UNELU3									
UNELU5									
UNELU4									
URENI6									
UCALY1									
UHISP1									
UHISP4									
UHISP5									
UHISP6									
ULONG3									
ULONG4									
UROST1	0,104								
UROST4	0,104	0,000							
UPUSS2	0,117	0,009	0,009						
UPUSS3	0,117	0,009	0,009	0,000					
UROST2	0,104	0,000	0,000	0,009	0,009				
UPUSS5	0,104	0,000	0,000	0,009	0,009	0,000			
UPUSS4	0,104	0,000	0,000	0,009	0,009	0,000	0,000		
UPUSS1	0,118	0,027	0,027	0,037	0,037	0,027	0,027	0,027	
uaren1	0,141	0,174	0,174	0,173	0,173	0,174	0,174	0,174	0,219
uaren3	0,141	0,174	0,174	0,173	0,173	0,174	0,174	0,174	0,219
uaren4	0,141	0,174	0,174	0,173	0,173	0,174	0,174	0,174	0,219
uaren5	0,141	0,174	0,174	0,173	0,173	0,174	0,174	0,174	0,219
uaren6	0,141	0,174	0,174	0,173	0,173	0,174	0,174	0,174	0,219
UNANA6	0,145	0,140	0,140	0,155	0,155	0,140	0,140	0,140	0,168
UAMETH3	0,102	0,186	0,186	0,202	0,202	0,186	0,186	0,186	0,204
UTRIC3	0,114	0,201	0,201	0,218	0,218	0,201	0,201	0,201	0,220
UTRIC4	0,127	0,216	0,216	0,234	0,234	0,216	0,216	0,216	0,236
UPRAEL2	0,093	0,177	0,177	0,193	0,193	0,177	0,177	0,177	0,195

(continuação)

	uaren1	uaren3	uaren4	uaren5	uaren6	UNANA6	UAMETH3	UTRIC3	UTRIC4	UPRAEL2
USIMUL1										
UPART1										
UPART4										
UPART2										
UPART3										
UPART5										
ULACI3										
ULACI6										
ULACI4										
ULACI5										
UCUCU1										
UCUCU3										
UCUCU2										
UNEOT2										
UNEOT3										
UNEOT5										
USUBUL4										
UTRIL1										
UTRIL2										
UTRIL4										
UTRIL6										
UNERV1										
UNERV6										
UNERV3										
UNERV2										
UPUSS6										
UFLAC1										
UFLAC2										
UFLAC3										
UFLAC4										
UFLAC5										
UGIBB3										
UGIBB4										
UGIBB5										
USTRI1										
UGIBB8										
UINTE1										
UINTE3										
UINFL1										
UFOLI1										
UFOLI5										
UFOLI4										
URENI2										
URENI3										
URENI4										
URENI7										
UNELU2										
UNELU3										
UNELU5										
UNELU4										
URENI6										
UCALY1										
UHISP1										
UHISP4										
UHISP5										
UHISP6										
ULONG3										
ULONG4										
UROST1										
UROST4										
UPUSS2										
UPUSS3										
UROST2										
UPUSS5										
UPUSS4										
UPUSS1										
uaren1										
uaren3	0,000									
uaren4	0,000	0,000								
uaren5	0,000	0,000	0,000							
uaren6	0,000	0,000	0,000	0,000						
UNANA6	0,184	0,184	0,184	0,184	0,184					
UAMETH3	0,201	0,201	0,201	0,201	0,201	0,237				
UTRIC3	0,216	0,216	0,216	0,216	0,216	0,254	0,009			
UTRIC4	0,232	0,232	0,232	0,232	0,232	0,271	0,018	0,009		
UPRAEL2	0,210	0,210	0,210	0,210	0,210	0,243	0,154	0,168	0,182	

(continuação)

	UPART5	ULONG4	ULONG3	UPART1	UNELU3	ULONG5	UTRIC3	UTRIC5	UAMETH3	UHISP2
USIMUL										
UAMETH5										
UPART3										
ULACI2										
UPART2										
ULACI6										
ULACI4										
ULACI1										
UPART4										
UPART5										
ULONG4	0,0024									
ULONG3	0,0024	0,0000								
UPART1	0,0000	0,0024	0,0024							
UNELU3	0,0024	0,0049	0,0049	0,0024						
ULONG5	0,0024	0,0000	0,0000	0,0024	0,0049					
UTRIC3	0,0076	0,0049	0,0049	0,0076	0,0104	0,0049				
UTRIC5	0,0076	0,0049	0,0049	0,0076	0,0104	0,0049	0,0000			
UAMETH3	0,0049	0,0024	0,0024	0,0049	0,0076	0,0024	0,0024	0,0024		
UHISP2	0,0200	0,0166	0,0166	0,0200	0,0237	0,0166	0,0237	0,0237	0,0200	
UHISP5	0,0200	0,0166	0,0166	0,0200	0,0237	0,0166	0,0237	0,0237	0,0200	0,0000
UHISP3	0,0200	0,0166	0,0166	0,0200	0,0237	0,0166	0,0237	0,0237	0,0200	0,0000
UHISP6	0,0200	0,0166	0,0166	0,0200	0,0237	0,0166	0,0237	0,0237	0,0200	0,0000
UHISP4	0,0200	0,0166	0,0166	0,0200	0,0237	0,0166	0,0237	0,0237	0,0200	0,0000
URENIF3	0,0153	0,0120	0,0120	0,0153	0,0188	0,0120	0,0059	0,0059	0,0089	0,0346
URENIF4	0,0153	0,0120	0,0120	0,0153	0,0188	0,0120	0,0059	0,0059	0,0089	0,0346
UNELU2	0,0188	0,0153	0,0153	0,0188	0,0225	0,0153	0,0089	0,0089	0,0120	0,0392
UAMETH1	0,0076	0,0049	0,0049	0,0076	0,0104	0,0049	0,0049	0,0049	0,0024	0,0237
UAMETH4	0,0049	0,0024	0,0024	0,0049	0,0076	0,0024	0,0024	0,0024	0,0000	0,0200
UCALY1	0,0076	0,0049	0,0049	0,0076	0,0104	0,0049	0,0049	0,0049	0,0076	0,0237
UCALY2	0,0076	0,0049	0,0049	0,0076	0,0104	0,0049	0,0049	0,0049	0,0076	0,0237
uaren1	0,0276	0,0318	0,0318	0,0276	0,0318	0,0318	0,0408	0,0408	0,0362	0,0507
uaren5	0,0276	0,0318	0,0318	0,0276	0,0318	0,0318	0,0408	0,0408	0,0362	0,0507
uaren4	0,0276	0,0318	0,0318	0,0276	0,0318	0,0318	0,0408	0,0408	0,0362	0,0507
uaren2	0,0318	0,0362	0,0362	0,0318	0,0362	0,0362	0,0458	0,0458	0,0408	0,0564
uaren6	0,0276	0,0318	0,0318	0,0276	0,0318	0,0318	0,0408	0,0408	0,0362	0,0507
UGIBB1	0,0239	0,0202	0,0202	0,0239	0,0278	0,0202	0,0202	0,0202	0,0167	0,0361
UTRIL6	0,0076	0,0104	0,0104	0,0076	0,0104	0,0104	0,0167	0,0167	0,0135	0,0236
UNERV6	0,0104	0,0135	0,0135	0,0104	0,0135	0,0135	0,0201	0,0201	0,0167	0,0274
UFOLI3	0,0120	0,0089	0,0089	0,0120	0,0153	0,0089	0,0153	0,0153	0,0120	0,0223
UGIBB2	0,0239	0,0202	0,0202	0,0239	0,0278	0,0202	0,0202	0,0202	0,0167	0,0361
UNEOT1	0,1179	0,1086	0,1086	0,1179	0,1279	0,1086	0,1279	0,1279	0,1179	0,1089
UNEOT3	0,1179	0,1086	0,1086	0,1179	0,1279	0,1086	0,1279	0,1279	0,1179	0,1089
UNEOT5	0,0993	0,1082	0,1082	0,0993	0,1082	0,1082	0,1278	0,1278	0,1177	0,1275
USUBUL1	0,0910	0,0993	0,0993	0,0910	0,0993	0,0993	0,1177	0,1177	0,1082	0,1174

(continuação)

	UHISP5	UHISP3	UHISP6	UHISP4	URENIF3	URENIF4	UNELU2	UAMETH1	UAMETH4	UCALY1
USIMUL										
UAMETH5										
UPART3										
ULACI2										
UPART2										
ULACI6										
ULACI4										
ULACI1										
UPART4										
UPART5										
ULONG4										
ULONG3										
UPART1										
UNELU3										
ULONG5										
UTRIC3										
UTRIC5										
UAMETH3										
UHISP2										
UHISP5										
UHISP3	0,0000									
UHISP6	0,0000	0,0000								
UHISP4	0,0000	0,0000	0,0000							
URENIF3	0,0346	0,0346	0,0346	0,0346						
URENIF4	0,0346	0,0346	0,0346	0,0346	0,0000					
UNELU2	0,0392	0,0392	0,0392	0,0392	0,0024	0,0024				
UAMETH1	0,0237	0,0237	0,0237	0,0237	0,0120	0,0120	0,0153			
UAMETH4	0,0200	0,0200	0,0200	0,0200	0,0089	0,0089	0,0120	0,0024		
UCALY1	0,0237	0,0237	0,0237	0,0237	0,0120	0,0120	0,0153	0,0104	0,0076	
UCALY2	0,0237	0,0237	0,0237	0,0237	0,0120	0,0120	0,0153	0,0104	0,0076	0,0000
uaren1	0,0507	0,0507	0,0507	0,0507	0,0551	0,0551	0,0610	0,0408	0,0362	0,0408
uaren5	0,0507	0,0507	0,0507	0,0507	0,0551	0,0551	0,0610	0,0408	0,0362	0,0408
uaren4	0,0507	0,0507	0,0507	0,0507	0,0551	0,0551	0,0610	0,0408	0,0362	0,0408
uaren2	0,0564	0,0564	0,0564	0,0564	0,0610	0,0610	0,0673	0,0458	0,0408	0,0458
uaren6	0,0507	0,0507	0,0507	0,0507	0,0551	0,0551	0,0610	0,0408	0,0362	0,0408
UGIBB1	0,0361	0,0361	0,0361	0,0361	0,0305	0,0305	0,0264	0,0202	0,0167	0,0278
UTRIL6	0,0236	0,0236	0,0236	0,0236	0,0187	0,0187	0,0224	0,0167	0,0135	0,0167
UNERV6	0,0274	0,0274	0,0274	0,0274	0,0224	0,0224	0,0263	0,0201	0,0167	0,0201
UFOLI3	0,0223	0,0223	0,0223	0,0223	0,0250	0,0250	0,0211	0,0153	0,0120	0,0153
UGIBB2	0,0361	0,0361	0,0361	0,0361	0,0305	0,0305	0,0264	0,0202	0,0167	0,0278
UNEOT1	0,1089	0,1089	0,1089	0,1089	0,1575	0,1575	0,1700	0,1279	0,1179	0,1279
UNEOT3	0,1089	0,1089	0,1089	0,1089	0,1575	0,1575	0,1700	0,1279	0,1179	0,1279
UNEOT5	0,1275	0,1275	0,1275	0,1275	0,1581	0,1581	0,1710	0,1179	0,1177	0,1278
USUBUL1	0,1174	0,1174	0,1174	0,1174	0,1461	0,1461	0,1581	0,1085	0,1082	0,1177

(continuação)

	UCALY2	uaren1	uaren5	uaren4	uaren2	uaren6	UGIBB1	UTRIL6	UNERV6	UFOLI3	UGIBB2	UNEOT1	UNEOT3	UNEOT5	USUBUL1
USIMUL															
UAMETH5															
UPART3															
ULACI2															
UPART2															
ULACI6															
ULACI4															
ULACI1															
UPART4															
UPART5															
ULONG4															
ULONG3															
UPART1															
UNELU3															
ULONG5															
UTRIC3															
UTRIC5															
UAMETH3															
UHISP2															
UHISP5															
UHISP3															
UHISP6															
UHISP4															
URENIF3															
URENIF4															
UNELU2															
UAMETH1															
UAMETH4															
UCALY1															
UCALY2															
uaren1	0,0408														
uaren5	0,0408	0,0000													
uaren4	0,0408	0,0000	0,0000												
uaren2	0,0458	0,0024	0,0024	0,0024											
uaren6	0,0408	0,0000	0,0000	0,0000	0,0024										
UGIBB1	0,0278	0,0568	0,0568	0,0568	0,0628	0,0568									
UTRIL6	0,0167	0,0317	0,0317	0,0317	0,0361	0,0317									
UNERV6	0,0201	0,0361	0,0361	0,0361	0,0407	0,0361	0,0318	0,0024							
UFOLI3	0,0153	0,0393	0,0393	0,0393	0,0443	0,0393	0,0188	0,0153	0,0187						
UGIBB2	0,0278	0,0568	0,0568	0,0568	0,0628	0,0568	0,0000	0,0277	0,0318	0,0188					
UNEOT1	0,1279	0,2347	0,2347	0,2347	0,2526	0,2347	0,1885	0,1494	0,1382	0,1458	0,1885				
UNEOT3	0,1279	0,2347	0,2347	0,2347	0,2526	0,2347	0,1885	0,1494	0,1382	0,1458	0,1885	0,0000			
UNEOT5	0,1278	0,1930	0,1930	0,1930	0,2081	0,1930	0,1386	0,1275	0,1174	0,1278	0,1386	0,1211	0,1211		
USUBUL1	0,1177	0,1788	0,1788	0,1788	0,1930	0,1788	0,1278	0,1174	0,1079	0,1177	0,1278	0,1279	0,1279	0,0024	